(12)特許公報(B2)

(11)特許番号 **特許第7035972号**

最終頁に続く

(45)発行日 令	(24)登録日 令和4年3月7日(2022.3.7)					
(51)国際特許分	類	FΙ				
C 1 2 M	1/34 (2006.01)	C 1 2 M	1/34	Z		
C 1 2 Q	1/6874(2018.01)	C 1 2 Q	1/6874	Z		
C 1 2 Q	1/6818(2018.01)	C 1 2 Q	1/6818	Z		
C 1 2 Q	1/6837(2018.01)	C 1 2 Q	1/6837	Z		
				請求項	夏の数 13	(全16頁)
(21)出願番号	特願2018-211188(P2018-211188)		(73)特許権者	000006507		
(22)出願日	平成30年11月9日(2018.11.9)			横河電機株式会	社	
(65)公開番号	特開2020-74726(P2020-74726A)			東京都武蔵野市中町2丁目9番32号		
(43)公開日	令和2年5月21日(2020.5.21)		(74)代理人	100106909		
審査請求日	令和2年3月18日(2020.	3.18)		弁理士 棚井 洌	登雄	
前置審査			(74)代理人	100167553		
				弁理士 高橋 グ	ス典	
			(74)代理人	100181124		
				弁理士 沖田 粘	±男	
			(72)発明者	蓼沼 崇		
				東京都武蔵野市中町2丁目9番32号		
				横河電機株式会	社内	
			(72)発明者	宮内 祐樹		
				東京都武蔵野市	中町2丁目	9番32号

(54)【発明の名称】 核酸配列計測用デバイス

(57)【特許請求の範囲】

【請求項1】

(19)日本国特許庁(JP)

ハイブリダイゼーションによりサンプルに含まれる特定の核酸配列を有するターゲットを 計測する核酸配列計測用デバイスにおいて、

横河電機株式会社内

蛍光分子が先端又は途中の位置に付加された蛍光プローブと、

前記蛍光プローブと結合した時に、消光分子が前記蛍光プローブの蛍光分子と近接する位 置に付加された消光プローブと、

前記蛍光プローブおよび前記消光プローブのそれぞれの基端が固定される固相面を有する 基板と、

を備え、

前記蛍光プローブまたは前記消光プローブの一方は、前記ターゲットの核酸配列と相補的 な核酸配列を有する検出配列を有し、

前記蛍光プローブまたは前記消光プローブの他方は、前記検出配列の一部の核酸配列と相 補的な核酸配列(以下、相補配列ともいう)を有し、前記相補配列の固相面側の基端から 、他の基端までの核酸配列が、前記検出配列の一部と相補的であり、

前記検出配列を有する前記蛍光プローブまたは消光プローブは、前記相補配列を有する前 記蛍光プローブまたは消光プローブよりも核酸配列が長く、

前記蛍光プローブおよび前記消光プローブは、前記蛍光分子に接近した前記消光分子によ り前記蛍光分子が呈する蛍光が消光される位置関係となるように、それぞれの基端が固相 面に固定され<u>、</u>

前記相補配列の固相面側の基端から他の基端までの核酸配列が、前記検出配列の固相面側	-
の基端から前記相補配列の前記他の基端に対応する部分までの核酸配列と相補的である、	
ことを特徴とする核酸配列計測用デバイス。	
【請求項 2 】	
前記ターゲットと前記検出配列とのハイブリダイゼーションが生じていない場合、前記蛍	
光プローブと消光プローブとの結合が維持されることにより、前記蛍光分子に接近した前	
記消光分子により前記蛍光分子が呈する蛍光が消光され、	
前記ターゲットと前記検出配列とのハイブリダイゼーションが生じた場合、前記蛍光プロ	
ーブと消光プローブとの結合が解消されることにより、前記消光分子から離れた前記蛍光	
分子が蛍光を呈することを特徴とする請求項1に記載の核酸配列計測用デバイス。	10
【請求項3】	
前記消光プローブが、前記検出配列を有することを特徴とする請求項1または2に記載の	
核酸配列計測用デバイス。	
【請求項4】	
前記基板が平板であり、前記固相面が、前記平板の一平面であることを特徴とする請求項	
1~3のいずれか1項に記載の核酸配列計測用デバイス。	
【請求項5】	
前記基板がビーズであり、前記固相面が、前記ビーズの表面である、請求項1~3のいず	
れか1項に記載の核酸配列計測用デバイス。	
	20
前記消光プローブの数が前記蛍光プローブの数よりも多いことを特徴とする請求項1~5	
のいずれか1頃に記載の核酸配列計測用デバイス	
▲前示機/♪ 前記蛍光プローブの数が前記消光プローブの数よりも多いことを特徴とする 請求頂1~	
ちのいずれか1頃に記載の核酸配列計測田デバイス	
▲ 前示項 0 】 前記 消光 分子の数 が前記 労光分子の数上りも多いことを特徴とする 詩求頂 1 ~ 7 のいずれ	
▲明小項 9 ↓ 前記労业公子の数と前記消光公子の数との比が2.3である 詰求頂 8 に記載の核酸配列	20
計測田デバイフ	30
▲ 雨水項 = ○ 】 前記労业公式が付加される前記所定の位置け、前記労业プロープの注中であることを特徴	
と9 る前水項 1 ~ 9 の 11 9 11 か 1 項に 記載の 核酸 能 列 計 別 用 ナ ハ 1 ス。 【 禁 式 西 1 1 】	
↓ 請水項 】 前扫消火公子が付加される前記所定の位置け、前扫消火プロ」 ずの冷中であることを特徴	
前記府元力ナが竹加される前記所定の位置は、前記府元フローノの途中でのることを付取	
こ9 る前水頃 I ~ 9 のい9 れか I 頃に記載の核酸能列計測用ナハ1 人。 【誌 式 西 4 ~ 】	
↓ 請氷垻 ∠ 】 善記労业ハスがけれたねる美記氏穴の位置が海教をステルを特徴しまる。 請求項 4 → 4 ↓	
前記宙九分士が竹加される前記所定の位置が複数のることを特徴とする、請氷項(~)(
いい 9 1 い 1 頃に 記 戦 の 核 酸 記 夘 計 測 用 ナ 八 1 人。 【 ま 式 西 1 つ 】	40
前記消光分子が何加される前記所定の位直が複数あることを特徴とする、請氷項1~11	
のいすれか1頃に記載の核酸配列計測用テハイス。	
【発明の詳細な説明】	
【技術分野】	
本発明は、ハイフリタイセーションによりサンフルに含まれる特定の核酸配列を有するタ	
ーケットを計測する核酸配列計測用デバイスに関する。	
【背景技術】	
$\begin{bmatrix} 0 & 0 & 2 \end{bmatrix}$	50

ハイブリダイゼーションによりサンプルに含まれる特定の核酸配列を有するターゲットを 計測する核酸配列計測方法としては、蛍光プローブと消光プローブを用いた、核酸検出工 程が簡素化された核酸配列計測方法が報告されている(特許文献1)。特許文献1の方法 においては、ターゲットが存在しないときには、蛍光プローブと消光プローブに存在する 結合部を介する蛍光プローブと消光プローブとの結合が維持されて、蛍光分子に接近した 消光分子の蛍光が消光され、ターゲットが存在すると、蛍光プローブまたは消光プローブ に存在する検出部にターゲットが結合して、前記結合部を介する結合が解消され、消光分 子が蛍光分子から離れることにより蛍光分子が蛍光を呈する。この蛍光を測定することに より、サンプル中に含まれるターゲットを計測することができる。

【先行技術文献】

【特許文献】

[0003]

【文献】特許第5928906号公報

【発明の概要】

【発明が解決しようとする課題】

【0004】

しかしながら、特許文献1の方法は、蛍光分子が付加された蛍光プローブと、消光分子が 付加された消光プローブとが、蛍光プローブおよび消光プローブ上の一部に存在するお互 いに相補的な核酸配列を有する結合部で結合するため、蛍光プローブと消光プローブとの 結合力が弱く、消光分子による蛍光の抑制が十分とはいえないことから、ターゲットが存 在しないときの蛍光、即ちオフセット光が高くなる傾向がある。オフセット光が高くなる と、ターゲットが低濃度である場合、蛍光の変化を判別しにくくなり、検出感度が低下す る。

【0005】

また、特許文献1の方法では、蛍光プローブおよび消光プローブ上の一部に存在する、お 互いに相補的な核酸配列を有する前記結合部の核酸配列の長さを適切に決める必要があり 、前記結合部の核酸配列が短すぎると、蛍光プローブと消光プローブとが、前記結合部を 介して結合することができず、蛍光プローブを消光プローブで消光することができなくな る。反対に、前記結合部の核酸配列が長すぎると、前記結合部を介する蛍光プローブと消 光プローブとの結合が強すぎて、ターゲットが供給されても、蛍光プローブと消光プロー ブとが結合したままで離れず、サンプル中のターゲットを計測することができない。

[0006]

したがって、本発明の目的は、ターゲットが存在しないときのオフセット光を低下させる ことにより、検出感度に優れ、また、蛍光プローブと消光プローブとの結合部の長さに依 存せずに、ターゲットを検出することが可能な核酸配列計測用デバイスを提供することに ある。

【課題を解決するための手段】

【 0 0 0 7 】

上記の目的を達成するために、本発明は以下の構成を採用した。

[1] ハイブリダイゼーションによりサンプルに含まれる特定の核酸配列を有するター ゲットを計測する核酸配列計測用デバイスにおいて、

蛍光分子が所定の位置に付加された蛍光プローブと、

消光分子が所定の位置に付加された消光プローブと、

前記蛍光プローブおよび前記消光プローブのそれぞれの基端が固定される固相面を有する 基板と、

を備え、

前記蛍光プローブまたは前記消光プローブの一方は、前記ターゲットの核酸配列と相補的 な核酸配列を有する検出配列を有し、

前記蛍光プローブまたは前記消光プローブの他方は、前記検出配列の一部の核酸配列と相 補的な核酸配列(以下、相補配列ともいう)を有し、前記相補配列の固相面側の基端から 20

、他の基端までの核酸配列が、前記検出配列の一部と相補的であり、

前記検出配列を有する前記蛍光プローブまたは消光プローブは、前記相補配列を有する蛍 光プローブまたは消光プローブよりも核酸配列が長く、

前記蛍光プローブおよび前記消光プローブは、前記蛍光分子に接近した前記消光分子によ り前記蛍光分子が呈する蛍光が消光される位置関係となるように、前記蛍光プローブおよ び前記消光プローブのそれぞれの基端が固相面に固定される、

ことを特徴とする核酸配列計測用デバイス。

[2] 前記ターゲットと前記検出配列とのハイブリダイゼーションが生じていない場合、前記蛍光プローブと消光プローブとの結合が維持されることにより、前記蛍光分子に接近した前記消光分子により前記蛍光分子が呈する蛍光が消光され、前記ターゲットと前記検出配列とのハイブリダイゼーションが生じた場合、前記蛍光プローブと消光プローブとの結合が解消されることにより、前記消光分子から離れた前記蛍光分子が蛍光を呈することを特徴とする「1]に記載の核酸配列計測用デバイス。

[3] 前記消光プローブが、前記検出配列を有することを特徴とする[1]または[2]]に記載の核酸配列計測用デバイス。

[4] 前記基板が平板であり、前記固相面が、前記平板の一平面であることを特徴とする[1]~[3]のいずれか1項に記載の核酸配列計測用デバイス。

[5] 前記基板がビーズであり、前記固相面が、前記ビーズの表面である、[1]~[3]のいずれか1項に記載の核酸配列計測用デバイス。

[6] 前記消光プローブの数が前記蛍光プローブの数よりも多いことを特徴とする[1]]~[5]のいずれか1項に記載の核酸配列計測用デバイス。

[7] 前記蛍光プローブの数が前記消光プローブの数よりも多いことを特徴とする[1]~[5]のいずれか1項に記載の核酸配列計測用デバイス。

[8] 前記消光分子の数が前記蛍光分子の数よりも多いことを特徴とする[1]~[7]のいずれか1項に記載の核酸配列計測用デバイス。

[9] 前記蛍光分子の数と前記消光分子の数との比が2:3である、[8]に記載の核酸配列計測用デバイス。

[10] 前記蛍光分子が付加される前記所定の位置は、前記蛍光プローブの途中である ことを特徴とする[1]~[9]のいずれか1項に記載の核酸配列計測用デバイス。

[11] 前記消光分子が付加される前記所定の位置は、前記消光プローブの途中である ことを特徴とする[1]~[9]のいずれか1項に記載の核酸配列計測用デバイス。

[12] 前記蛍光分子が付加される前記所定の位置が複数あることを特徴とする、[1]~[11]のいずれか1項に記載の核酸配列計測用デバイス。

[13] 前記消光分子が付加される前記所定の位置が複数あることを特徴とする、[1]~[11]のいずれか1項に記載の核酸配列計測用デバイス。

【発明の効果】

【 0 0 0 8 】

本発明の核酸配列計測用デバイスによれば、蛍光プローブと消光プローブは、前記相補配 列の固相面側の基端から、他の基端までの核酸配列部分で結合するので、蛍光プローブお よび消光プローブ上の一部に存在する、お互いに相補的な結合部で、蛍光分子が付加され たプローブと消光分子が付加された消光プローブとが結合する従来の核酸配列計測用デバ イスと比較して、消光効果に優れ、オフセット光を低減させることができる。そのため、 検出可能な最小光量を小さくすることができ、検出感度を向上させることができる。 【0009】

また、前記検出配列を有する前記蛍光プローブまたは消光プローブは、前記相補配列を有 する前記蛍光プローブまたは消光プローブよりも核酸配列が長いので、前記相補配列で結 合している蛍光プローブと消光プローブとの結合力よりも、前記検出配列を有する蛍光プ ローブまたは消光プローブとターゲットとの結合力の方が強い。そのため、検出配列を有 する蛍光プローブまたは消光プローブは、前記相補配列を有する蛍光プローブまたは消光 プローブと解離し、ターゲットと結合することができる。 20

10



[0010]

また、本発明の核酸配列計測用デバイスによれば、蛍光プローブと消光プローブとは、前 記相補配列の固相面側の基端から、他の基端までの核酸配列部分で結合するので、ターゲ ットの検出の可否が、前記蛍光プローブと消光プローブとの結合部の核酸配列の長さに依 存する従来の核酸配列計測用デバイスと比較して、ターゲットの検出が可能な蛍光プロー ブと消光プローブとを容易に設計することができる。

【0011】

また、この核酸配列計測用デバイスによれば、お互いに独立した分子である蛍光プローブ および消光プローブのそれぞれの基端が基板に固定されるので、消光効果を適切に発揮さ せることが可能となり、検出感度を良好なものとすることができるとともに、ラベリング 工程が不要となり、洗浄工程を省略することも可能となる。ラベリング工程が不要なうえ 、洗浄工程を省略することによってハイブリダイズの実験にかかる手間がさらに短縮され 、作業時間とともにコストが削減される。さらに、洗浄工程の不備による性能悪化、光量 低下、オフセット光上昇、あるいはバラつきの発生等を回避することが可能となる。それ によりアレイ面上でより均一な結果を得ることができ、検出の再現性も向上する。 【0012】

さらに、本発明の核酸配列計測用デバイスによれば、ハイブリダイズのリアルタイム観察 が可能となる。すなわち、DNAアレイ等の核酸配列計測用デバイスに検出対象分子(タ ーゲット)を含む溶液を添加した状態のまま(ウェット状態)での観察が可能となる。そ れにより洗浄の影響を排した状態の光量の確認やハイブリダイズのリアルタイム観察が可 能となる。したがって、サンプル濃度が高く、ハイブリダイゼーションが早く進む場合な ど、状況によっては、より短時間でハイブリダイゼーションを終了させることが可能とな る。

20

30

40

10

【図面の簡単な説明】

[0013]

【図1】本発明による核酸配列計測用デバイスの構成を示す図である。

【図2】プローブの構成例を示す図である。

【図3】ターゲットを検出する原理を模式的に示す図である。

【図4】ターゲットを検出する操作手順を示す図である。

【図5】変形例を示す図であり、複数個所に消光分子が付加された例を示す図である。

【図6】変形例を示す図であり、蛍光プローブに検出配列を与えた例を示す図である。

【図7】変形例を示す図であり、複数個所に蛍光分子および消光分子が付加された例を示 す図である。

【図8】実施例1~3の核酸配列計測用デバイスおよび比較例1~3の核酸配列計測用デ バイスの構造を模式的に示す図である。

【図9】実施例1~3の核酸配列計測用デバイスのオフセット光と、比較例1~3の核酸 配列計測用デバイスのオフセット光とを比較したグラフである。

【発明を実施するための形態】

【0014】

本発明の核酸配列計測用デバイスは、ハイブリダイゼーションによりサンプルに含まれる 特定の核酸配列を有するターゲットを計測する核酸配列計測用デバイスにおいて、

蛍光分子が所定の位置に付加された蛍光プローブと、

消光分子が所定の位置に付加された消光プローブと、

前記蛍光プローブおよび前記消光プローブのそれぞれの基端が固定される固相面を有する 基板と、

を備え、

前記蛍光プローブまたは前記消光プローブの一方は、前記ターゲットの核酸配列と相補的 な核酸配列を有する検出配列を有し、

前記蛍光プローブまたは前記消光プローブの他方は、前記検出配列の一部の核酸配列と相 補的な核酸配列(以下、相補配列ともいう)を有し、前記相補配列の固相面側の基端から

、他の基端までの核酸配列が、前記検出配列の一部と相補的であり、

前記検出配列を有する前記蛍光プローブまたは消光プローブは、前記相補配列を有する蛍 光プローブまたは消光プローブよりも核酸配列が長く、

前記蛍光プローブおよび前記消光プローブは、前記蛍光分子に接近した前記消光分子により前記蛍光分子が呈する蛍光が消光される位置関係となるように、前記蛍光プローブおよび前記消光プローブのそれぞれの基端が固相面に固定される、

ことを特徴とする。

【0015】

以下、本発明の核酸配列計測用デバイスの実施形態について説明する。

【0016】

図 1 は、本発明の核酸配列計測用デバイスの構成を示す図、図 2 はプローブの構成例を示 す図である。

【0017】

図1および図2に示すように、本実施形態の核酸配列計測用デバイスは、基板などの固相 面100に、検出対象となる核酸であるターゲット30の相補的な配列である検出配列2 3に消光分子21を付加した消光プローブ20と、検出配列23の一部と相補的な配列で ある相補配列12に蛍光物質11を付加した蛍光プローブ10とが、前記蛍光分子11に 接近した前記消光分子21により前記蛍光分子11が呈する蛍光が消光される位置関係と なるように、それぞれ固定されて構成される。検出配列23の核酸配列は、相補配列12 の核酸配列よりも長い。

【0018】

本発明では、蛍光共鳴エネルギー転移による消光の原理が用いられ、蛍光分子11として は、特に制限はないが、例えば、EDANS、Coumarin、FAM、FITC、C y 2、TF 2、TF 3、HEX、JOE、TET、Cy 3、Cy 5、Alexa Flu or (登録商標) 532、Alexa Fluor (登録商標) 610、Alexa Fluor(登録商標) 647、ATTO532、ATTO633、Qdot(登録商 標)565、Qdot(登録商標)585、Qdot(登録商標)605、Qdot(登 録商標)705、iF1uorTM532、iF1uorTM647などの公知の物質を 使用できる。消光分子21としては、特に制限はないが、例えば、Dabcyl、TQ1 、、TQ2、
TQ3、
E
C
C
E
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C
C 5Q、Cy7Q、Iowa Black(登録商標) FQ、Iowa Black(登録 商標) RQ、IRDye QC-1、QSY7、QSY21、QXL570、QXL57 0、QXL570などの公知の物質を使用できる。 蛍光分子11と消光分子21の組み合 わせについても特に制限はないが、例えば、EDANS、CoumarinまたはTF2 とDabcylまたはTQ1との組み合わせ、FAM、FITC、TET、Alexa Fluor(登録商標) 532、Cy2、Cy3、TF2またはTF3とTQ2との組 み合わせ、Alexa Fluor(登録商標) 532、Cy3、HEX、JOE、TF 2、TF3、TF4またはTETとTQ3との組み合わせ、Alexa Fluor(登 録商標) 532、TF2、Cy3、FAMまたはHEXとEclipse(登録商標) との組み合わせ、Alexa Fluor(登録商標) 532、TF2、TF3、Cy3 、FAM、HEX、TETまたはCy3とBHQ1との組み合わせ、TF3、TF4、C y3、Cy5またはHEXとBHQ2との組み合わせ、Cy5、Alexa Fluor (登録商標) 647、TF5とIowa Black(登録商標) RQ、IRDye Q C - 1、 Q S Y 2 1、 T Q 4、 T Q 5、 B H Q 2 または B H Q 3 との組み合わせ、 C y 3、TF3、TF4とCy5Q、Iowa Black(登録商標) FQ、Iowa B lack(登録商標) RQ、IRDye QC-1、QSY7またはQXL570との組 み合わせ、Alexa Fluor(登録商標) 532とCy5Q、TQ2、TQ3、I owa Black(登録商標) FQ、Iowa Black(登録商標) RQ、IR **Dye** QC-1、QSY7またはQXL570との組み合わせ、TF3とBHQ1、B HQ2またはCy5Qとの組み合わせ等が挙げられる。

20

10

【0019】

図2に示すように、蛍光プローブ10は、3'末端から設けられ、5'末端までの核酸配列 が、消光プローブ20の検出配列23の固相面100側の3'末端から、蛍光プローブ10 の3'末端に対応する部分までの核酸配列と相補的な配列である相補配列12と、相補配列 12の5'末端に接続され、固相面100まで続くリンカー14と、を備え、蛍光プローブ 10の3'末端に蛍光分子11が付加される。

[0020]

消光プローブ20は、5'末端から設けられる検出配列23と、検出配列23の3'末端に 接続され、固相面100まで続くリンカー24と、を備え、蛍光プローブ10に付加され ている蛍光分子11に接近した位置に消光分子21が固定される。消光プローブ20が有 する検出配列23の核酸配列の長さは、相補配列12より核酸配列が長い。

【 0 0 2 1 】

蛍光プローブ10および消光プローブ20は、それぞれリンカー14およびリンカー24 を介して固相面100に固定化される。また、蛍光プローブ10のリンカー14に接続される、固相面100側の基端(5'末端)から、他の基端(3'末端)までの核酸配列と、 消光プローブ20が有する検出配列23の、リンカー24に接続される、固相面100側 の末端(3'末端)から、蛍光プローブ10の3'末端に対応する部分までの核酸配列とは、 、互いに相補的とされる。

[0022]

なお、本発明において相補的であるとは、一方の核酸配列が、他方の核酸配列と2本鎖状 20 態を形成することのできる核酸配列を持つことを意味し、必ずしも完全に相補的である必 要はなく、いくつかのミスマッチ塩基対を含んでいてもよい。

【 0 0 2 3 】

また、蛍光プローブ10と消光プローブ20とが互いに結合可能な位置に蛍光プローブ1 0および消光プローブ20が、固相面100に固定されるとともに、蛍光プローブ10と 消光プローブ20とが結合したときに、消光分子21が蛍光分子11に接近し、これによ り蛍光分子11が消光状態となるような位置関係が確保されている。

【0024】

次に、核酸配列計測用デバイスによりターゲット30を検出する原理および操作手順について説明する。図3はターゲットを検出する原理を模式的に示す図、図4はターゲットを 検出する操作手順を示す図である。

[0025]

図3に示すように、ターゲット30が存在しないときは蛍光分子11および消光分子21 がそれぞれ付加された蛍光プローブ10と消光プローブ20とが結合することにより、蛍 光分子11と消光分子21が接近した状態にある。この状態では励起光が照射されても消 光分子21の影響により蛍光分子11は蛍光を呈さない。

【 0 0 2 6 】

図 4 に示すように、サンプル 5 0 に対し、遺伝子(ターゲット 3 0)の増幅を行う(ステップ 1)。次に、増幅後のターゲット 3 0 を含む溶液を D N A チップの固相面 1 0 0 に供給し、ハイブリダイゼーションを行う(ステップ 2)。

【 0 0 2 7 】

図3に示すように、消光プローブ20が有する、ターゲット30の核酸配列と相補的な核 酸配列である検出配列23の核酸配列は、蛍光プローブ10が有する相補配列12より長 いので、この相補配列12の部分で結合している蛍光プローブ10と消光プローブ20と の結合力よりも、検出配列23を有する消光プローブ20とターゲット30との結合力の 方が強い。そのため、ターゲット30が存在するときは、検出配列23を有する消光プロ ーブ20は、蛍光プローブ10と解離し、ターゲット30と結合する。ターゲット30が 蛍光プローブ10と結合すると、蛍光プローブ10と消光プローブ20の結合が外れて消 光分子21と蛍光分子11の距離が離れることで消光状態が解かれ、励起光の照射により 蛍光分子11が蛍光を呈するようになる。したがって、図4に示すように、蛍光読取装置

60での固相面100の観察により、蛍光プローブ10が蛍光を呈するか否かでサンプル 中の対象核酸(ターゲット30)の有無を確認することができる(ステップ3)。またこ の時、溶液中に含まれる捕集されていないターゲット30は蛍光を呈さないために、洗浄 する必要がない。したがって、ターゲット溶液存在下で、溶液を通して固相面100を観 察することが可能である。このため、洗浄の影響を排した状態での光量が測定できるとと もに、ハイブリダイゼーション中のリアルタイム測定も可能となる。

【 0 0 2 8 】

遺伝子の増幅を行った段階(ステップ1)で、遺伝子が増幅されたか否かを確認する試験 を行い、遺伝子が増幅されている場合にのみハイブリダイズ(ステップ2)を行うように してもよい。

【0029】

なお、遺伝子の存在の有無を検査するタイミングは、増幅終了後に限定されず、増幅反応 中であってもよい。検査の手法としては、電気泳動、抗原抗体反応、質量分析やリアルタ イムPCR法などを適宜、利用することができる。

[0030]

また、核酸(ターゲット30)はタンパク質や糖鎖などに結合させても良い。この場合に は、核酸(ターゲット30)に対するタンパク質や糖鎖などの相互作用が確認できる。 【0031】

本発明の核酸配列計測用デバイスは上記実施形態に限定されず、以下のような種々の変形 が可能である。

【 0 0 3 2 】

蛍光体を修飾した蛍光プローブと消光分子を修飾した消光プローブの存在比を変えてそれ ぞれを固定化することで、消光状態における消光効率を制御することができる。例えば、 消光プローブを蛍光プローブよりも多くすると、カップリングされる蛍光分子の確率が高 まり、消光効率が上昇する。それによってオフセット光を低く抑えることができる。また 、蛍光プローブを消光プローブよりも多くすると、消光作用を受ける蛍光プローブの確率 が低くなり、対象物質検出後に呈する蛍光(ハイブリダイズ光量)がより強くなる。

【 0 0 3 3 】

前記検出配列は、前記相補配列より核酸配列が長い。前記検出配列の長さは、前記相補配 列の長さより長ければ特に制限はなく、例えば、前記相補配列の長さより、1塩基以上、 5塩基以上、10塩基以上長くてよい。

【0034】

蛍光分子または消光分子はプローブの先端についていなくてもよく、図5~図7に示すように、蛍光分子または消光分子は、プローブの途中の位置に付加されていてもよい。図5の例では、消光分子21が消光プローブ20Aの途中に付加されている。図6の例では、 蛍光分子11が蛍光プローブ10Bの途中に付加されている。図7の例では、蛍光分子1 1および消光分子21が、それぞれ蛍光プローブ10Cおよび消光プローブ20Cのプロ ーブの途中に付加されている。ただし、消光作用が生じるように、蛍光プローブ10A~ 10Cおよび消光プローブ20A~20Cがそれぞれ結合した状態において、消光分子2 1が蛍光分子11に接近するように互いに向き合う位置となるように設計することが望ましい。蛍光分子もしくは消光分子をプローブの先端以外の位置に付加する場合には、プロ ーブの先端にはさらに別の修飾が可能となる利点がある。

【0035】

蛍光分子と消光分子はそれぞれ複数種類・複数個所に付加されてもよい。図5および図6 は、複数個所に消光分子が付加された例を示す図である。図5の例では、蛍光プローブ1 0Aに蛍光分子11が、消光プローブ20Aに消光分子21、21が、それぞれ付加され ている。図6の例では、蛍光プローブ10Bに蛍光分子11が、消光プローブ20Bに消 光分子21、21が、それぞれ付加されている。複数の消光分子を1つのプローブに付加 する場合、消光分子の種類を異なるものとしてもよい。1つのプローブに複数の消光分子 を付加した場合、蛍光分子に対する消光分子の消光効果を高めることができるため、オフ

20

セット光をより低くすることができる。そのため、検出可能な最小光量を小さくすること ができ、検出感度を向上させることができる。

(9)

【 0 0 3 6 】

図7は、複数個所に蛍光分子および消光分子が付加された例を示す図である。図7の例で は、蛍光プローブ10Cに蛍光分子11、11が、消光プローブ20Cに消光分子21、 21、21が、それぞれ付加されている。複数の蛍光分子および消光分子をそれぞれ1つ のプローブに付加する場合、それぞれの蛍光分子または消光分子の種類を異なるものとし てもよい。1つのプローブにそれぞれ複数の蛍光分子および消光分子を付加した場合、タ ーゲットが結合した際の蛍光量が増加し、より高感度な検出が可能となる。また、消光分 子の数を蛍光分子の数より多くすることにより、ターゲットが存在しないときのオフセッ ト光を低くすることができる。

【0037】

前記検出配列は、消光プローブに設けても、蛍光プローブに設けてもよい。消光プローブ が検出配列を有する場合は、前記したように、ターゲット30が、消光プローブが有する 検出配列に結合するが、蛍光プローブが検出配列を有する場合は、ターゲット30が、蛍 光プローブが有する検出配列に結合する。図6は、蛍光プローブに検出配列を与え、消光 プローブに複数の消光分子21、21を付加した場合の状態を模式的に示す図である。図 6に示すように、消光プローブに複数の消光分子を付加することにより、ターゲットが存 在しないときのオフセット光を低くすることができる。また、蛍光プローブと消光プロー ブとの結合力よりも、ターゲットと蛍光プローブとの結合力が強いため、ターゲットが存 在するときは、蛍光プローブは消光プローブと解離し、ターゲットと結合することができ 、蛍光分子が蛍光を呈するようにすることができる。

【0038】

また、蛍光プローブおよび消光プローブが固定される基板は、平板であっても、ビーズで あってもよい。前記基板が平板である場合、蛍光プローブ及び消光プローブが固定される 固相面は、前記平板の一平面とすることができる。前記基板がビーズである場合は、蛍光 プローブおよび消光プローブの固相面は、前記ビーズの表面とすることができる。ビーズ の表面に蛍光プローブおよび消光プローブを固定することにより、蛍光プローブおよび消 光プローブがビーズを中心として放射状に広がった形状となる。この場合、プローブを固 定する固相面の表面積が大きくなり、単位面積当たりのプローブ量を増やすことができる 。また、検出対象分子を捕集したビーズをその大きさや磁気等で回収することで、検出対 象分子の選択的な回収も可能となる。回収した分子は後工程における別の試験などに使用 可能となる。

【0039】

次に、本発明の核酸配列計測方法にかかる核酸配列計測用デバイスの製造方法について説 明する。

[0040]

(1)溶液調製

まず、蛍光プローブ10および消光プローブ20を混合したプローブ液を調製し、プロー ブ濃度を調整する。

【0041】

(2)カップリング

次に、プローブ液を加熱後、急冷し、蛍光プローブ10と消光プローブ20をカップリン グさせる。これにより、蛍光プローブ10または前記消光プローブ20の一方が有する相 補配列の部分で蛍光プローブ10と消光プローブ20が結合される。ここでは、例えば、 プローブ液を95 に加熱後、5分間温度を保持し、その後、25 に急冷することで蛍 光プローブ10と消光プローブ20をカップリングさせる。

【0042】

(3)固相面への固定

次に、蛍光プローブ10と消光プローブ20がカップリングした状態にあるプローブ液を

10

固相面にスポットして、蛍光プローブ10と消光プローブ20を固相面100に固定化す

次に、固相面100を洗浄し、固定化されていない余剰のプローブを除去する。以上の手

る。

【0043】 (4)洗净

順により、核酸配列計測用デバイスが製造される。 【0044】 このように、蛍光プローブ10または消光プローブ20の一方が有する相補配列の部分で 互いに結合された状態で、蛍光プローブ10および消光プローブ20を固相面100に結 合させるので、蛍光プローブ10および消光プローブ20の位置関係を適切に管理でき、 消光効果を適切に発揮させることが可能となるため、検出感度を良好なものとすることが できる。 [0045]本発明の適用範囲は上記実施形態に限定されることはない。本発明は、ハイブリダイゼー ションによりサンプルに含まれる特定の核酸配列を有するターゲットを計測する核酸配列 計測用デバイスに対し、広く適用することができる。 【実施例】 [0046]以下、実施例および比較例に基づき本発明を更に詳細に説明するが、本発明はこれらによ り限定されるものではない。 [0047](実施例1) リンカー配列と、核酸配列の長さ33の検出配列とを有し、蛍光分子が結合した蛍光プロ ーブ1、及び、リンカー配列と、前記蛍光プローブ1の検出配列の固相面側の基端から2 8塩基の部分と相補的な核酸配列とを有し、消光分子が結合した消光プローブ1を混合し たプローブ液を調製した。 次に、プローブ液を95 に加熱後、5分間温度を維持し、その後、25 に急冷し、蛍 光プローブ1と消光プローブ1とをカップリングさせた。これにより、消光プローブ1が 有する相補配列の部分で蛍光プローブ1と消光プローブ1を結合させた。なお、消光プロ ーブ1において、消光分子は、消光プローブ1の固相面側の基端とは反対側の基端に結合 させ、蛍光分子は、消光プローブ1における消光分子の固相面からの高さと同じ高さの位 置で、蛍光プローブ1に結合させた。 [0048]次に、蛍光プローブ1と消光プローブ1がカップリングした状態にあるプローブ液を固相 面にスポットして、蛍光プローブ1と消光プローブ1を固相面に固定化した。 その後、固相面を洗浄し、固定化されていない余剰のプローブを除去することにより、蛍 光プローブ1と消光プローブ1とからなる核酸配列計測用デバイス1を製造した(図8)。 表1に、核酸配列計測用デバイス1の蛍光プローブと消光プローブの長さ、及び蛍光プロ ーブが消光プローブのどの部分で結合するかを示す。 [0049] 次に、上記で製造された核酸配列計測用デバイス1のオフセット光を測定した。その結果 を図9に示す。 (実施例2) 蛍光プローブ1の代わりに、蛍光プローブ1の蛍光分子の結合位置を、蛍光プローブの固 相面側の基端とは反対側の基端とした蛍光プローブ2を用いる以外は、実施例1と同様に して、蛍光プローブ2と消光プローブ1とからなる核酸配列計測用デバイス2を製造した (図8)。 表1に、核酸配列計測用デバイス2の蛍光プローブと消光プローブの長さ、及び蛍光プロ ーブが消光プローブのどの部分で結合するかを示す。

10

20

40

[0051]

次に、上記で製造された核酸配列計測用デバイス2のオフセット光を測定した。その結果 を図9に示す。

[0052]

(実施例3)

蛍光プローブ1の代わりに、蛍光プローブ1の検出配列の長さを34とした蛍光プローブ 3を用い、消光プローブ1の代わりに、前記蛍光プローブ3の検出配列の固相面側の基端 から24塩基の部分と相補的な核酸配列を有し、消光分子が、固相面側の基端とは反対側 の基端に結合している消光プローブ3を用いる以外は、実施例1と同様にして、蛍光プロ ーブ3と消光プローブ3とからなる核酸配列計測用デバイス3を製造した(図8)。なお 、蛍光プローブ3において蛍光分子は、消光プローブ3における消光分子の固相面からの 高さと同じ高さの位置で、蛍光プローブ3に結合させた。

表1に、核酸配列計測用デバイス3の蛍光プローブと消光プローブの長さ、及び蛍光プロ ーブが消光プローブのどの部分で結合するかを示す。

【0053】

次に、上記で製造された核酸配列計測用デバイス3のオフセット光を測定した。その結果 を図9に示す。

【 0 0 5 4 】

(比較例1)

蛍光プローブ1の代わりに、リンカー配列と、核酸配列の長さ28の検出配列とを有し、 蛍光分子が、固相面側の基端とは反対側の基端に結合した蛍光プローブ1'を用い、消光プローブ1の代わりに、リンカー配列と、前記蛍光プローブ1'の検出配列の固相面側の基端とは反対側の基端側の核酸配列(以下、先端配列ともいう)の一部と相補的で、核酸配列の長さ28の核酸配列とを有し、消光分子が、固相面側の基端とは反対側の基端に結合した、消光プローブ1'を用いる以外は、実施例1と同様にして、蛍光プローブ1'と消光プローブ1'とからなる核酸配列計測用デバイス1'を製造した(図8)。

表1に、核酸配列計測用デバイス1、の蛍光プローブと消光プローブの長さ、及び蛍光プロ ーブが消光プローブのどの部分で結合するかを示す。

【0055】

次に、上記で製造された核酸配列計測用デバイス1'のオフセット光を測定した。その結果 30 を図9に示す。

【 0 0 5 6 】

(比較例2)

蛍光プローブ1の代わりに、リンカー配列と、核酸配列の長さ33の検出配列を有し、蛍 光分子が、固相面側の基端とは反対側の基端に結合した蛍光プローブ2'を用い、消光プロ ーブ1の代わりに、リンカー配列と、先端配列の一部が蛍光プローブ2'と相補的で、核酸 配列の長さが28の核酸配列とを有し、消光分子が、固相面側の基端とは反対側の基端に 結合した消光プローブ2'を用いる以外は、実施例1と同様にして、蛍光プローブ2'と消 光プローブ2'とからなる核酸配列計測用デバイス2'を製造した(図8)。

表1に、核酸配列計測用デバイス2[、]の蛍光プローブと消光プローブの長さ、及び蛍光プロ 40 ーブが消光プローブのどの部分で結合するかを示す。

【0057】

次に、上記で製造された核酸配列計測用デバイス2¹のオフセット光を測定した。その結果 を図9に示す。

【 0 0 5 8 】

(比較例3)

蛍光プローブ1の代わりに、リンカー配列と、核酸配列の長さ24の検出配列とを有し、 蛍光分子が、固相面側の基端とは反対側の基端に結合した蛍光プローブ3、を用い、消光プローブ1の代わりに、リンカー配列と、蛍光プローブ3、の先端配列の一部と相補的で、核酸配列の長さ24の核酸配列とを有し、消光分子が、固相面側の基端とは反対側の基端に

50

10

結合した、消光プローブ3 'を用いる以外は、実施例1と同様にして、蛍光プローブ3 'と 消光プローブ3 'とからなる核酸配列計測用デバイス3 'を製造した(図8)。

表 1 に、核酸配列計測用デバイス 3 'の蛍光プローブと消光プローブの長さ、及び蛍光プロ ーブが消光プローブのどの部分で結合するかを示す。

【 0 0 5 9 】

次に、上記で製造された核酸配列計測用デバイス3[,]のオフセット光を測定した。その結果 を図9に示す。

【0060】

【表1】

	核酸配列計測用デバイス	プローブ	<u> プローブ長</u>	結合配列
実施例1	1	蛍光プローブ1	33	リンカー配列を除く消
		消光プローブ1	28	元ノローノの主配列
実施例2	2	蛍光プローブ2	33	リンカー配列を除く消
		消光プローブ1	28	光プローブの全配列
実施例3	3	蛍光プローブ3	34	リンカー配列を除く消
		消光プローブ3	24	光プローブの全配列
比較例1	1'	蛍光プローブ1'	28	生産のシージ
		消光プローブ1'	28	
比較例2	2'	蛍光プローブ2'	33	生活的の一部
		消光プローブ2'	28	ノレジ而自じクリレク 日降
比較例3	3'	蛍光プローブ3'	24	生逆和列の一部
		消光プローブ3'	24	

【0061】

図9に示すように、リンカー配列を除く消光プローブの全核酸配列部分で、蛍光プローブ が消光プローブと結合する、実施例1~3の核酸配列計測用デバイスは、消光プローブの 先端配列の一部で、蛍光プローブが消光プローブと結合する、比較例1~3の核酸配列用 計測用デバイスと比較して、オフセット光が低かった。その結果、実施例1~3の核酸配 列計測用デバイスは、検出可能な最小光量を小さくすることができ、検出感度を向上させ ることができることが確認された。

また、オフセット光は、実施例1~3及び比較例1~3のいずれでも、蛍光分子と消光分子の位置がお互いに近い方が、蛍光分子と消光分子の位置が離れている方よりも低かったが、蛍光分子と消光分子の位置が離れている実施例2の核酸配列計測用デバイスと、同様に蛍光分子と消光分子の位置が離れている比較例2の核酸配列計測用デバイスと比較して、オフセット光を低くすることができた。

- 【符号の説明】
- [0062]
- 10 蛍光プローブ
- 11 蛍光分子
- 12 相補配列
- 13 検出配列
- 14 リンカー
- 20 消光プローブ
- 2 1 消光分子
- 2.2 相補配列
- 23 検出配列
- 2 4 リンカー
- 60 蛍光読取装置
- 100 固相面

50

10

20





【図2】



10



30









50:サンプル Д <u>ステップ1:ターゲットの増幅</u> 30-J <u>ステップ2:ハイブリダイゼーション</u> 30 1'n DNAチップ 10 20 20 J 60 <u>ステップ3:測定</u> 蛍光読取装置 _ DNAチップ 図4





【図6】



【図7】



【図8】

核酸配列計測用 デバイス1

核酸配列計測用 デバイス1'

図5

図7





核酸配列計測用 デバイス3





核酸配列計測用 デバイス3'

図8

40

30

10



フロントページの続き

(72)発明者	田口 朋之	
	東京都武蔵野市中町2丁目9番32号 横河電機株式会社内	

審査官 山 崎 真奈

(56)参考文献 米国特許出願公開第2018/0320223(US,A1)

- 特表2004-511227(JP,A)
 - 特開2015-043702(JP,A)
 - 特表2002-506656(JP,A)
 - 特表2002-506654(JP,A)

LIU, Xiangjun et. al., Microbead-Based Platform for Multiplex Detection of DNA and Protei n, ACS APPLIED MATERIALS & INTERFACES, 2017年, Vol.9, pp.9462-9469, 特にABS TRACT, Table 1, Scheme 1, Figure 1-2, p.9465-9466のTarget DNA Detection with the Micr obead-Based Platformの項

- (58)調査した分野 (Int.Cl., DB名)
 - C 1 2 M
 - C 1 2 Q
 - CAplus/MEDLINE/EMBASE/BIOSIS(STN)