### (19)**日本国特許庁(JP)**

# (12)特許公報(B2)

(11)特許番号 特許第7181712号 (P7181712)

(45)発行日 令和4年12月1日(2022.12.1)

(24)登録日 令和4年11月22日(2022.11.22)

(51)国際特許分	う類	FΙ		
C 1 2 P	21/02 (2006.01)	C 1 2 P	21/02	GZNA
C 1 2 N	15/52 (2006.01)	C 1 2 N	15/52	Z
C 1 2 N	9/00 (2006.01)	C 1 2 N	9/00	

請求項の数 3 (全13頁)

(21)出願番号	特願2018-122027(P2018-122027)	(73)特許権者	504176911
(22)出願日	平成30年6月27日(2018.6.27)		国立大学法人大阪大学
(65)公開番号	特開2020-72(P2020-72A)		大阪府吹田市山田丘1番1号
(43)公開日	令和2年1月9日(2020.1.9)	(73)特許権者	519127797
審査請求日	令和3年6月24日(2021.6.24)		三菱商事ライフサイエンス株式会社
(出願人による申	告)平成27年度国立研究開発法人		東京都千代田区有楽町一丁目1番3号
科学技術振興機構 砳	开究成果展開事業 研究成果最適展開	(74)代理人	100160978
支援プログラム「耐	熱性酵素を用いたL-システイン製		弁理士 榎本 政彦
造技術の開発」産業	技術力強化法第19条の適用を受け	(72)発明者	志賀 岳希
る特許出願			大分県佐伯市東浜1-6 興人ライフサ
			イエンス株式会社 佐伯工場内
		(72)発明者	井村 誠
			大分県佐伯市東浜1-6 興人ライフサ
			イエンス株式会社 佐伯工場内
		(72)発明者	岩切 亮
			最終頁に続く

### (54)【発明の名称】 グルタチオンの製造方法

### (57)【特許請求の範囲】

#### 【請求項1】

<u>非好熱性菌に</u>配列番号 1 のアミノ酸配列からなる -グルタミルシステイン合成酵素活性を有するポリペプチド、又は配列番号 1 のアミノ酸配列に対して少なくとも 9 0 %以上の配列同一性を有し -グルタミルシステイン合成酵素活性を有するポリペプチドを発現させる工程と、該ポリペプチドを含む培養液を 6 0 ~ 8 0 で加熱処理して粗酵素液を得る工程と、該粗酵素液を L - グルタミン酸と L -システインに 6 0 ~ 7 5 で作用させ、 -グルタミルシステインを生成させる工程を含む、 -グルタミルシステインの製造方法。

### 【請求項2】

非好熱性菌に配列番号1のアミノ酸配列からなる -グルタミルシステイン合成酵素活性を有するポリペプチド、又は配列番号1のアミノ酸配列に対して少なくとも90%以上の配列同一性を有し -グルタミルシステイン合成酵素活性を有するポリペプチドを発現させる工程と、該ポリペプチドを含む培養液を60~80 で加熱処理して粗酵素液を得る工程と、該酵素液をL-グルタミン酸とL-システインに60~75 で作用させて -グルタミルシステインを生成させる工程と、次いで、非好熱性菌に配列番号2又は3のアミノ酸配列からなるグルタチオン合成酵素活性を有するポリペプチド、又は配列番号2又は3のアミノ酸配列からなるグルタチオン合成酵素活性を有するポリペプチド、又は配列番号2又は3のアミノ酸配列に対して少なくとも90%以上の配列同一性を有しグルタチオン合成酵素活性を有するポリペプチドを発現させる工程と、該ポリペプチドを含む培養液を60~80 で加熱処理して粗酵素液を得る工程と、該酵素液をグリシンと -グルタミルシステインに 5 5 ~ 6 5 で作用させて、グルタチオンを生成させる工程を含む、グルタチオンの製造

方法。

#### 【請求項3】

<u>非好熱性菌に</u>配列番号 2 又は 3 のアミノ酸配列からなるグルタチオン合成酵素活性を有するポリペプチド、又は配列番号 2 又は 3 のアミノ酸配列に対して少なくとも 9 0 %以上の配列同一性を有しグルタチオン合成酵素活性を有するポリペプチド<u>を発現させる工程と、該ポリペプチドを含む培養液を 6 0 ~ 8 0 で加熱処理して粗酵素液を得る工程と、該粗酵素液をグリシンと - グルタミルシステインに 5 5 ~ 6 5 で作用させて、グルタチオンを生成させる工程を含む、グルタチオンの製造方法。</u>

【発明の詳細な説明】

【技術分野】

[0001]

本発明は、グルタチオンの製造方法に関する。

【背景技術】

[0002]

グルタチオン( グルタミル L システイニルグリシン)は、L システイン、L グルタミン酸、及びグリシンからなるトリペプチドであり、ヒトだけでなく、広く動植物、微生物などに存在し、解毒作用、抗酸化作用など生体にとって重要な化合物となっている。

[0003]

グルタチオンの製造方法として、酵母を用いた発酵により、酵母にグルタチオンを産生させる方法(特許文献 1)、L システイン、L グルタミン酸、及びグリシンをグルタチオン産生能を有する微生物が産生する グルタミルシステイン合成酵素やグルタチオン合成酵素を用いて合成する酵素法などが知られている(特許文献 2)。

[0004]

また、微生物を合成反応の反応系として用い、目的とする有機化合物を微生物が備えている代謝経路を利用して製造する方法ある。この方法をより効率よく有機化合物を合成するために、生きた微生物の代謝経路を改変するのではなく、複数の代謝酵素を予めモジュル化し、これらを任意に組み合わせることによって物質生産に特化した合成経路を人工的に構築する人工代謝システムも知られている(特許文献 3 )。この人工代謝システムでは、複数の酵素を用いるため、酵素の安定性が重要である。そのため、耐熱性酵素を用いることが行われている。また、複数の酵素を使うため、酵素の精製にコストがかかるといった問題もあるが、耐熱性酵素を使用することで、精製コストを下げることができる。

[0005]

耐熱性の グルタミルシステイン合成酵素やグルタチオン合成酵素としては、45 での反応による活性を有する酵素は知られている(非特許文献1)。また、超好熱性アーキアSulfolobus solfataricusの細胞抽出液より酸化型グルタチオンが検出されたとの報告(非特許文献2)があったが、本発明者らが分析したところ、本菌、その類縁種であるS. achidolacdarius、及び、好熱性細菌Thermus thermophilusの細胞抽出液からは培地成分からの持ち込み量を上回るグルタチオンは検出されなかった。

【先行技術文献】

【特許文献】

[0006]

【文献】特開平8 70884号公報

特開昭60 27396号公報

WO2016/136620

【非特許文献】

[0007]

【文献】Zhang et al., 2017, J. Biotech

Heinemann J et al., 2014, Biochim Biophys Acta.

【発明の概要】

10

20

30

30

40

#### 【発明が解決しようとする課題】

#### [00008]

人工代謝システムを利用することで、有機合成では、製造が困難であった有機化合物を製造することができる可能性があり、耐熱性を有する グルタミルシステイン合成酵素やグルタチオン合成酵素を用いることで、効率よく、グルタチオンを製造することができる。したがって、本願は、耐熱性を有する グルタミルシステイン合成酵素やグルタチオン合成酵素を見出し、新規なグルタチオンの製造方法を提供することを課題とする。

### 【課題を解決するための手段】

#### [0009]

本発明者らは、新規の耐熱性を有する グルタミルシステイン合成酵素及びグルタチオン合成酵素を提供し、それら酵素を使用したグルタチオンの製造方法を提供する。

好熱性ラン藻類であるThermosynechococcus elongatusより、グルタチオン合成酵素を同定した。さらに、機能未知の遺伝子より、 グルタミルシステイン合成酵素活性を有する遺伝子も同定した。

#### [0010]

本発明は、以下のような発明である。

(1) L グルタミン酸とL システインに、配列番号1のアミノ酸配列からなる グルタミルシステイン合成酵素活性を有するポリペプチド、又は配列番号1のアミノ酸配列に対して少なくとも90%以上の配列同一性を有し グルタミルシステイン合成酵素活性を有するポリペプチドを作用させて、 グルタミルシステインを生成させる工程を含む、 グルタミルシステインの製造方法、

(2) L グルタミン酸とL システインに、配列番号1のアミノ酸配列からなる グルタミルシステイン合成酵素活性を有するポリペプチド、又は配列番号1のアミノ酸配列に対して少なくとも90%以上の配列同一性を有し グルタミルシステイン合成酵素活性を有するポリペプチドを作用させて、 グルタミルシステインを生成させる工程、次いで、グリシンと グルタミルシステインに、配列番号2又は3のアミノ酸配列からなるグルタチオン合成酵素活性を有するポリペプチド、又は配列番号2又は3のアミノ酸配列に対して少なくとも90%以上の配列同一性を有しグルタチオン合成酵素活性を有するポリペプチドを作用させて、グルタチオンを生成させる工程を含む、グルタチオンの製造方法。

(3) グリシンと グルタミルシステインに、配列番号 2 又は 3 のアミノ酸配列からなるグルタチオン合成酵素活性を有するポリペプチド、又は配列番号 2 又は 3 のアミノ酸配列に対して少なくとも 9 0 %以上の配列同一性を有しグルタチオン合成酵素活性を有するポリペプチドを作用させて、グルタチオンを生成させる工程を含む、グルタチオンの製造方法。

## 【発明の効果】

### [0011]

65 という高温域に最適温度を持つ耐熱性酵素により、L グルタミン酸、L システインからの - G C 製造ならびにグリシンと - G C からのグルタチオン製造、更には L グルタミン酸、L システインおよびグリシンからのグルタチオン製造を、過去の事例 (45)を遥かに上回る高温で行うことが可能である。

### 【図面の簡単な説明】

[ 0 0 1 2 ]

- 【図1】生成された GCの量を基に比活性を算出した結果(温度)
- 【図2】生成された GCの量を基に比活性を算出した結果(pH)
- 【図3】生成した GCと残存L システインの量
- 【図4】生成されたグルタチオンの量を基に比活性を算出した結果(温度)
- 【図5】生成されたグルタチオンの量を基に比活性を算出した結果(pH)
- 【図6】生成したグルタチオンと GC、残存L システインの量

#### 【発明を実施するための形態】

20

10

30

10

20

30

40

50

#### [0013]

本発明は、L グルタミン酸とL システイン、グリシンを基質とし、好熱菌由来の グルタミルシステイン合成酵素、好熱菌由来のグルタチオン合成酵素により、グルタチ オン生成させる、グルタチオンの製造方法に関する。

### [0014]

本願では、 グルタミルシステイン合成酵素を GCL、グルタチオン合成酵素をGSHS、グルタチオンをGSH、酸化型グルタチオンをGSSGと略して記載する場合がある。

#### [0015]

本発明の GCLは、アデノシン三リン酸(ATP)存在下で、L システインを基質とし、L グルタミン酸と結合させ、 グルタミルシステイン ( Glu Cys) を生成する反応を触媒する活性を有する酵素である。

#### [0016]

本発明のGSHSは、アデノシン三リン酸(ATP)存在下で グルタミルシステインを基質とし、グリシンと結合させ、 グルタミル L システイニルグリシン( G Lu Cys Gly:グルタチオン)を生成する反応を触媒する活性を有する酵素である。

#### [0017]

本発明の好熱菌とは、50 以上、特に60~110 において、変性することなく、活性を保持できる酵素を発現する菌である。また、本発明での GCL及びGSHSでは、好熱菌由来のものでも良いが、50 以上で酵素が変性しなければ、好熱菌由来の酵素でなくても良い。

## [0018]

本発明の GCLは、配列番号1のアミノ酸配列を有するポリペプチド、及び配列番号1に対して少なくとも90%以上、又は少なくとも95%以上配列同一性を有するアミノ酸配列を有し、 GCL活性を有するポリペプチドである。

## [0019]

本発明のGSHSは、配列番号 2 又は 3 のアミノ酸配列を有するポリペプチド、及び配列番号 2 又は 3 に対して少なくとも 9 0 %以上、又は少なくとも 9 5 %以上配列同一性を有するアミノ酸配列を有し、GSHS活性を有するポリペプチドである。

### [0020]

本発明の GCL及びGSHSは、前段までのアミノ酸配列を有し、さらに、好熱性ラン藻類であるThermosynechococcus elongatusを由来とするものを用いることができる。

### [0021]

本発明で使用される GCL及びGSHSを取得する方法は特に限定されない。例えば 、遺伝子工学の手法を用いて得る場合は、目的の酵素をコードする遺伝子を適当なベクタ ーに挿入し、組換えベクターを構築する。当該組換えベクターを酵素生産可能な宿主細胞 に形質転換し、酵素を発現製造することができる。本発明では、複数の酵素を用いるため 、簡便に形質転換可能な、DH5 、MG1655株等の大腸菌、Pseudomonas属などのグラ ム陰性菌、Corynebacterium属やBacillus属、Rhodococcus属などのグラム陽性菌が適 している。具体的には、 GCL及びGSHSはThermosynechococcus elongatus 等のゲノムDNAよりPCR増幅した当該遺伝子を、例えば、pET21aに連結し、T 7プロモーター制御下で発現させる。Thermosynechococcus elongatus等のゲノムD NAは、国立研究開発法人理化学研究所バイオリソースセンター、国立環境研究所、独立 行政法人製品評価技術基盤機構 バイオテクノロジーセンター(NBRC)、公益財団法 人かずさDNA研究所などから入手可能である。また、使用するDNAは、配列番号1~ 3のアミノ酸配列情報から合成したDNAでも使用可能であり、合成DNAとはアミノ酸 配列を大腸菌のコドン使用頻度に合わせて設計したDNA配列である。これらのDNAか ら、当概遺伝子を前述のように調製した発現ベクターをNovagen社製 BL2.1 (DE3) pLys S等の大腸菌に形質転換する。または、相同組み換えやトランスポゾンによる DNA断片を挿入してもよい。形質転換方法は、一般的な方法で良い。

#### [0022]

本願発明で必要な酵素は、DH5 、MG1655株等の大腸菌、Pseudomonas属などのグラ ム陰性菌、Corynebacterium属やBacillus属、Rhodococcus属などのグラム陽性菌など から選択した菌類に、 GCL及びGSHSに発現させて得ることができる。 L 及び G S H S を同時に得ても良い。本段落で使用する菌類は、後述のように、宿主由来 のタンパク質を容易に除去するため、好熱性菌である必要はない。必要な酵素をすべて同 時に発現させても良いが、通常は、発現効率等から、実施例記載のように、複数の大腸菌 等に分けて、 GCL及びGSHSを得ることもできる。本発明では、好熱菌由来の酵 素を大腸菌等で発現させて得るため、大腸菌等の宿主由来のタンパク質を容易に除去する ことができる。例えば、大腸菌で発現後、高温、60~80 で熱処理をすることで、 大腸菌由来のタンパク質は変性するが、目的の酵素は、好熱菌由来の酵素であるため、熱 変性しない。このように、熱処理で変性したタンパク質を除去することで、必要な粗酵素 液を容易に得ることができる。熱処理は、培養後の菌体を直接熱処理しても良い。又は、 菌体抽出液を熱処理しても良い。抽出方法は、特に制限なく選択できる。菌体を超音波破 砕等により破砕後、抽出した液を熱処理してもよい。 具体的には、例えば、組換え大腸 菌の湿菌体を200mg wet cells/mlとなるように50mM HEPES-NaOH (pH8.0)に懸濁し、懸濁液を超音波破砕処理に供することにより菌体を 破砕、無細胞抽出液を得る。無細胞抽出液に対し、70 、30分間の熱処理を施し、宿 主由来タンパク質の変性操作を行う。遠心分離により細胞残さと変性タンパク質を取り取 り除くことで、上清を粗酵素液として、グルタチオンの製造に用いることができる。

#### [0023]

本発明によるグルタチオンの製造方法は、 L - システインと L - グルタミン酸とを前述の G C L により、 A T P 存在下で作用させて、 グルタミルシステインを生成する工程、 グルタミルシステインとグリシンとを前述の G S H S により、 A T P 存在下でグルタチオンを生成する工程を含むものである。

#### [0024]

GCL及びGSHSによる酵素反応は、適当なPHに調整された溶媒を含む一般的な反応液中で行うことができる。基質の濃度(Lシステイン、Lグルタミン酸、グリシンの合計濃度)は、一般的な濃度で反応できる。LシステインとLグルタミン酸、グリシンの量比は、特に制限がなく選択できる。通常は、Lシステイン、Lグルタミン酸、及びグリシンは、等量でよい。溶媒としては、HEPES、TAPS、CHESなどの緩衝液を用いることができる。特に好ましい緩衝液は、TAPSバッファーを使用する。反応のPHは、PH6~10、より好ましくはPH8~9である。 GCL反応温度は、60~75、より好ましくは65以上とする。反応時間は、適宜調整できるが、10分~120分とすることができる。

### [0025]

本発明のグルタチオンは、 GCLにより、 グルタミルシステイン( GC)を生成後、GSHSにより、 GCとグリシンにより、グルタチオンを生成する反応を別々に行っても良いし、 GCの生成とグルタチオンの生成を同時に行っても良い。別々に行う場合は、 GCLの反応は、段落番号0024の条件で行う。GSHSの反応も段落0024の条件で行うこともできるが、温度を55~65 とすることで、より効率的にグルタチオンを生成することができる。

### [0026]

各酵素の濃度は、粗酵素液の調整により異なり、一般的な方法で適宜調整して良い。 GCLとGSHSとの濃度比も、適宜調整でき制限はない。

## [0027]

その他、反応に必要なものは、ATP、塩化マグネシウム等であり、一般な条件で使用することができる。

10

20

30

50

40

#### 【実施例】

#### [0028]

以下に本発明をより詳細に説明するが、本発明は、以下の方法に限定されない。

#### 【実施例1】

#### [0029]

### (粗酵素液の調整)

組換え大腸菌の湿菌体を200 mg wet cells/mlとなるように50 mM HEPES-NaOH (pH8.0)に懸濁した。懸濁液を超音波破砕処理に供することにより菌体を破砕、無 細胞抽出液を得た。無細胞抽出液に対し、60 、30分間の熱処理を施し、宿主由来タ ンパク質の変性操作を行った。遠心分離により細胞残さと変性タンパク質を取り除いた上 清を粗酵素液として活性測定に用いた。

・使用酵素遺伝子、菌株、培養

Thermosynechococcus elongatus由来の -glutamylcystein ligase ( -GCL)及 びglutathione synthetase (GSHS) は配列番号 1 及び 2 に対応する合成 DNAをpET21a に連結し、T7プロモーター制御下で発現させた。この遺伝子発現ベクターは全てNovage n社製 Rosetta 2 (DE3) pLysSに導入した。Rosetta2 (DE3) pLysSでは100 mg/lの アンピシリンと34 mg/lのクロラムフェニコールをLuria-Bertani培地に添加し、37 で好気的に培養した。対数増殖後期に培養液に0.2 mM IPTGの添加し、目的酵素遺 伝子の誘導を行った。

### [0030]

G C , グルタチオンの濃度は、Steeleらの報告 (Steele et al., 2012, Analytical Biochemistry)に準じた手法で測定した。具体的には以下の通りである。

### [0031]

・誘導体化

酵素反応後のサンプルならびにスタンダード(L システイン、 - GC、GSH各10 0 μMの混合液)各160 μlに1 mM TCEP (Tris(2-carboxyethyl)phosphine h ydrochloride)を加え、35 で5分間加温した。続いて200μ1のBorate buffer ( 0 . 1 M Borate buffer ( p H 9 . 3 ) with 1 mM EDTA )  $\succeq$  6 0  $\mu$  1  $\varpi$  ABD-F ( 1 mg/ml 4-Fluoro-7-aminosulfonylbenzofurazan in Borate buffer)を添加し、3 5 で10分間加温した。100μ1の2M HCIを加えて反応を停止させた後、遠心分離 し、取得した遠心上清をグルタチオンの測定に用いた。

#### [0032]

・高速液体クロマトグラフィー(HPLC)測定条件

溶離液:超純水で0.1Mに希釈した酢酸を水酸化ナトリウムでpH 4.0に調整し、メ タノールと86:14の容積比で混合した溶液

流速: 0 . 8 ml/min

カラム:COSMOSIL Packed Column 5C18-AR-II 4.6ID x 250 mm

カラム温度:35

測定波長:UV 3 9 0 nm (励起波長: 3 9 0 nm、蛍光波長: 5 1 0 nm)

#### 【実施例2】

## [0033]

- GCLの酵素活性評価)

### ・最適温度検討

表1の組成で酵素液を調製し、それを用いて、ATPを除く表2の組成で反応液を作製 した。40、45、50、55、60、65、70、75 の各温度で2分間保温 した後に、ATPを加えることで反応を開始させた。10分間反応させた後、等量のメタ ノールを加えて反応を停止させ、生成された - GCをHPLCにて定量した。生成され た - GCの量を基に比活性を算出した結果を図1に示す。この結果より、 - GCLの 最適温度は65 であることが明らかとなった。

### [0034]

10

20

30

## 【表1】

1 M HEPES pH 8.0	25 μl
γ−GCL 粗酵素液	200 μΙ
H <sub>2</sub> O	275 μΙ

### [0035]

## 【表2】

γ–GCL	25 μl
1 M HEPES pH 8.0	25 μl
1 M MgCl <sub>2</sub>	5 μl
50 mM ATP	25 μl
100 mM glutamate	5 μl
100 mM cysteine	5 μl
H <sub>2</sub> O	410 μΙ

#### [0036]

### ・最適pH検討

表1の組成で酵素液を調製し、それを用いて、ATPを除く表3の組成で反応液を作製した。図1より、 - GCLの最適温度が65 であったため、65 で2分間保温した後、ATPを加えることで反応を開始させた。10分間反応させた後、等量のメタノールを加えて反応を停止させ、生成された - GCをHPLCにて定量した。生成された - GCの量を基に比活性を算出した結果を図2に示す。この結果より、 - GCLの最適pHは9.0であり、特にTAPSをバッファーに用いると活性が高いことが明らかとなった。【0037】

30

10

20

## 【表3】

	MES		HEPES		TAPS		CHES	
	pH 6	pH 7	pH 7	pH 8	pH 8	pH 9	pH 9	pH 10
γ-GCL				25	μΙ			
0.5 M MES pH 6.0	50 μl							
0.5 M MES pH 7.0		50 μl						
1 M HEPES pH 7.0			25 µl					
1 M HEPES pH 8.0				25 µl				
1 M TAPS pH 8.0					25 μl			
1 M TAPS pH 9.0						25 µl		
0.5 M CHES pH 9.0							50 µl	
0.5 M CHES pH 10.0								50 µl
1 M MgCl <sub>2</sub>	5 μl							
50 mM ATP	25 μl							
100 mM glutamate	5 μվ							
100 mM cystein	5 μl							
H <sub>2</sub> O	385 լվ 410 լվ 385 լվ							

### [0038]

### ( - G C の生成)

表1の組成で酵素液を調製し、それらを用いて、ATPを除く表4の組成で反応液を作製した。65 で2分間保温した後、ATPを加えることで反応を開始させた。1、3、5、10、20、30分後にサンプルを取得し、それぞれに等量のメタノールを加えて反応を停止させ、生成した - G C を HPLCにて定量した。その結果、反応開始30分後には1.21mMの - G C を確認できた。生成した - G C と残存L システインの量を図3に示す。

## [0039]

## 【表4】

η-GCL	25 µl
1 M TAPS pH 9.0	25 µl
1 M MgCl <sub>2</sub>	5 μl
50 mM ATP	25 µl
100 mM Glu	5 μl
100 mM Cys	5 μΙ
H <sub>2</sub> O	410 µl

## 【実施例3】

[0040]

(GSHSの酵素活性評価)

・最適温度検討

表 5 の組成で酵素液を調製し、それを用いて、ATPを除く表 6 の組成で反応液を作製した。 4 0 、 4 5 、 5 0 、 5 5 、 6 0 、 6 5 、 7 0 、 7 5 の各温度で 2 分間保温し

10

20

30

40

.

た後に、ATPを加えることで反応を開始させた。10分間反応させた後、等量のメタノールを加えて反応を停止させ、生成されたグルタチオンをHPLCにて定量した。生成されたグルタチオンの量を基に比活性を算出した結果を図4に示す。この結果より、GSHSの最適温度は55 であるが、55~65 まではほぼ同等の活性を示すことが明らかとなった。

### [0041]

## 【表5】

1 M HEPES pH 8.0	25 μl
GSHS 粗酵素液	5 μΙ
H <sub>2</sub> O	470 μΙ

## [0042]

### 【表6】

GSHS	25 μΙ
1 M HEPES pH 8.0	25 μΙ
1 M MgCl <sub>2</sub>	5 μΙ
50 mM ATP	25 μΙ
100 mM γ-GC	5 μΙ
100 mM glycine	5 μΙ
H <sub>2</sub> O	410 µl

## [0043]

### ・最適pH検討

表5の組成で酵素液を調製し、それを用いて、ATPを除く表7の組成で反応液を作製した。図4より、GSHSの活性は最適温度の55 から65 までほぼ同等であったため、65 で2分間保温した後、ATPを加えることで反応を開始させた。10分間反応させた後、等量のメタノールを加えて反応を停止させ、生成されたグルタチオンをHPLCにて定量した。生成されたグルタチオンの量を基に比活性を算出した結果を図5に示す。この結果より、GSHSの最適pHは9.0であり、特にTAPSをバッファーに用いると活性が高いことが明らかとなった。

[0044]

40

30

50

10

### 【表7】

	MES		HEPES		TAPS		CHES	
	рН 6	pH 7	pH 7	pH 8	pH 8	pH 9	рН 9	pH 10
GSHS				25	μΙ			
0.5 M MES pH 6.0	50 μΙ							
0.5 M MES pH 7.0		50 µl						
1 M HEPES pH 7.0			25 µl					
1 M HEPES pH 8.0				25 µl				
1 M TAPS pH 8.0					25 μl			
1 M TAPS pH 9.0						25 µl		
0.5 M CHES pH 9.0							50 μl	
0.5 M CHES pH 10.0								50 µl
1 M MgCl <sub>2</sub>	5 μl							
50 mM ATP	25 μl							
100 mM glycine	5 լվ							
100 mM γ-GC	5 μl							
H <sub>2</sub> O	385 μl 410 μl 385 μl							

#### 【実施例4】

### [0045]

(グルタチオン(GSH)の生成)

表1、表5の組成で酵素液を調製し、それらを用いて、ATPを除く表8の組成で反応液を作製した。65 で2分間保温した後、ATPを加えることで反応を開始させた。1、3、5、10、20、30分後にサンプルを取得し、それぞれに等量のメタノールを加えて反応を停止させ、生成したグルタチオンをHPLCにて定量した。その結果、反応開始30分後には0.54 mMのグルタチオンを確認できた。生成したグルタチオンと - G C 、残存L システインの量を図6に示す。これによると、反応開始10分後に - G C の濃度が最大となり、それ以降低下していた。これは、 - G C L による - G C の生産速度が、反応開始10分まではGSHSによる - G C の消費速度を上回った結果と考えられる。実際に、グルタチオンの生産量は一律に増加しており、GSHSによるグルタチオン生産が律速段階であったことが示唆される。

[0046]

10

20

30

## 【表8】

γ-GCL	25 μl
GSHS	25 μl
1 M TAPS pH 9.0	25 μl
1 M MgCl <sub>2</sub>	5 μΙ
50 mM ATP	50 μl
100 mM Glu	5 μl
100 mM Cys	5 μl
100 mM Gly	5 μl
H <sub>2</sub> O	355 μl

10

## [0047]

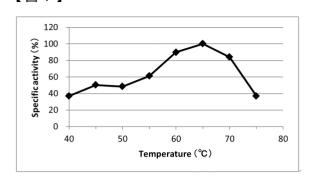
以上から、本発明において、65 という高温域に最適温度を持つ耐熱性酵素により、L グルタミン酸、L システインからの - G C 製造ならびにグリシンと - G C からのグルタチオン製造、更には L グルタミン酸、L システインおよびグリシンからのグルタチオン製造を、過去の事例(45 )を遥かに上回る高温で行うことが可能である。

20

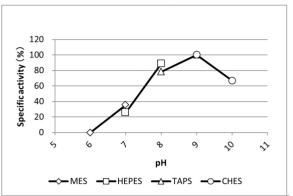
30

(12)

【図面】

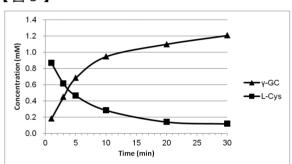


【図2】

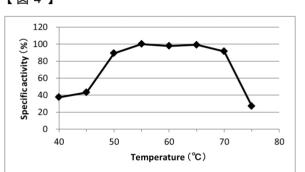


10

【図3】

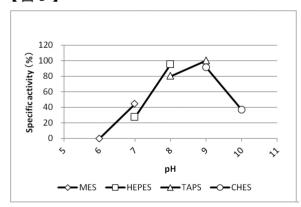


【図4】

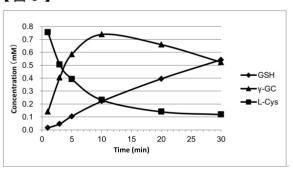


20

【図5】



【図6】



30

【配列表】 0007181712000001.app

#### フロントページの続き

大分県佐伯市東浜1-6 興人ライフサイエンス株式会社 佐伯工場内

(72)発明者 本田 孝祐

大阪府吹田市山田丘1番1号 国立大学法人大阪大学内

審査官 西村 亜希子

(56)参考文献

特開昭57-005699(JP,A)

国際公開第2004/046383(WO,A1)

特開平10-215864(JP,A)

特開2000-343073(JP,A)

国際公開第2016/017631(WO,A1)

特開昭58-020188(JP,A)

国際公開第2016/136620(WO,A1)

tll0322 [Thermosynechococcus vestitus BP-1], GenBank, 2016年10月07日, BAC07874.1 glutathione synthetase [Thermosynechococcus vestitus BP-1], GenBank, 2016年10月07

日, BAC08460.1

バイオサイエンスとインダストリー, 2018年03月10日, Vol.76, No.2, pp.158-159

(58)調査した分野 (Int.Cl., DB名)

C12P 21/

C12N 15/

JSTPlus/JMEDPlus/JST7580(JDreamIII)

GenBank/EMBL/DDBJ/GeneSeq

UniProt/GeneSeq