

(19) 日本国特許庁(JP)

(12) 公表特許公報(A)

(11) 特許出願公表番号

特表2020-512005

(P2020-512005A)

(43) 公表日 令和2年4月23日(2020.4.23)

(51) Int.Cl.	F I	テーマコード (参考)
C 1 2 N 15/62 (2006.01)	C 1 2 N 15/62 Z N A Z	4 B 0 6 5
C 1 2 N 15/12 (2006.01)	C 1 2 N 15/12	4 C 0 7 6
C 1 2 N 5/0783 (2010.01)	C 1 2 N 5/0783	4 C 0 8 4
C 1 2 N 15/867 (2006.01)	C 1 2 N 15/867 Z	4 C 0 8 7
A 6 1 K 35/17 (2015.01)	A 6 1 K 35/17 Z	4 H 0 4 5
審査請求 未請求 予備審査請求 未請求		(全 83 頁) 最終頁に続く

(21) 出願番号 特願2019-553975 (P2019-553975)
 (86) (22) 出願日 平成30年3月27日 (2018. 3. 27)
 (85) 翻訳文提出日 令和1年10月31日 (2019. 10. 31)
 (86) 国際出願番号 PCT/US2018/024650
 (87) 国際公開番号 W02018/183385
 (87) 国際公開日 平成30年10月4日 (2018. 10. 4)
 (31) 優先権主張番号 62/477, 335
 (32) 優先日 平成29年3月27日 (2017. 3. 27)
 (33) 優先権主張国・地域又は機関 米国 (US)
 (31) 優先権主張番号 62/628, 774
 (32) 優先日 平成30年2月9日 (2018. 2. 9)
 (33) 優先権主張国・地域又は機関 米国 (US)

(71) 出願人 507335687
 ナショナル ユニヴァーシティー オブ
 シンガポール
 シンガポール・1 1 9 0 7 7・シンガポ
 ル・ローワー・ケント・リッジ・ロード・
 2 1
 (71) 出願人 519346642
 エヌカルタ, インコーポレイテッド
 アメリカ合衆国 カリフォルニア 9 4 0
 8 0 サウス サン フランシスコ, サ
 ード フロア, オイスター ポイント ブ
 ルバール 3 2 9
 (74) 代理人 100095832
 弁理士 細田 芳徳

最終頁に続く

(54) 【発明の名称】 ナチュラルキラー細胞免疫療法における切断されたNK G 2 Dキメラ受容体及びその使用

(57) 【要約】

本明細書で開示されるいくつかの実施形態は、キメラ受容体を発現する操作されたナチュラルキラー(NK)細胞を含む組成物であって、キメラ受容体は、特定の細胞、例えば癌細胞又は感染性疾患に冒された細胞を標的にする増強された能力をNK細胞に付与する、組成物に関する。いくつかの実施形態は、NK G 2 Dの天然リガンドを発現する細胞を標的にするNK細胞であって、NK細胞が標的細胞に結合するとき、細胞傷害性及び/又は細胞溶解性効果をもたらす膜貫通及び/又はシグナル伝達ドメインを含むNK細胞に関する。疾患を治療するためのNK細胞組成物の使用もいくつかの実施形態において提供される。

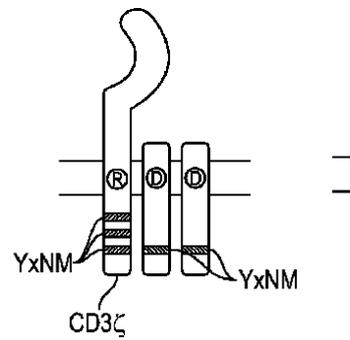


FIG. 1B

【特許請求の範囲】**【請求項 1】**

(a) ナチュラルキラーグループ 2 メンバー D (NK G 2 D) の天然リガンドに結合するペプチドを含む細胞外受容体ドメインであって、

NK G 2 D の天然リガンドに結合する前記ペプチドは、NK G 2 D の断片であり、

前記NK G 2 D の断片は、配列番号 2 を含むポリヌクレオチドによってコードされる、細胞外受容体ドメイン、及び

(b) 膜貫通領域及び細胞内シグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインであって、

前記細胞内シグナル伝達ドメインは、CD 3 を含み、

前記CD 3 は、配列番号 13 を含むポリヌクレオチドによってコードされる、エフェクタードメイン

を含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチド。

10

【請求項 2】

前記エフェクタードメインの前記膜貫通領域は、CD 8 a 膜貫通ドメインを含む、請求項 1 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 3】

前記エフェクタードメインの前記膜貫通領域は、CD 8 a ヒンジ領域をさらに含む、請求項 1 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 4】

前記CD 8 a ヒンジ領域は、配列番号 5 を含むポリヌクレオチドによってコードされる、請求項 3 に記載のポリヌクレオチド。

20

【請求項 5】

前記細胞内シグナル伝達ドメインは、4 - 1 B B をさらに含む、請求項 1 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 6】

前記4 - 1 B B は、配列番号 12 を含むポリヌクレオチドによってコードされる、請求項 5 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 7】

前記キメラ受容体は、CD 8 a、4 - 1 B B 及びCD 3 z に共役された前記NK G 2 D の断片を含む、請求項 1 に記載のポリヌクレオチド。

30

【請求項 8】

前記キメラ受容体は、配列番号 18 の核酸配列によってコードされる、請求項 7 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 9】

前記キメラ受容体は、配列番号 108 の核酸配列によってコードされる、請求項 7 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 10】

前記キメラ受容体は、配列番号 19 のアミノ酸配列を含む、請求項 7 に記載のポリヌクレオチド。

40

【請求項 11】

癌を治療するための方法であって、請求項 1 ~ 10 のいずれか一項に記載のポリヌクレオチドによってコードされる前記キメラ受容体を発現するナチュラルキラー (NK) 細胞を含む組成物を、癌を有する対象に投与することを含む方法。

【請求項 12】

前記NK細胞は、癌又は感染性疾患を有する患者から単離された自家細胞である、請求項 11 に記載の方法。

【請求項 13】

前記NK細胞は、ドナーから単離された同種細胞である、請求項 11 に記載の方法。

【請求項 14】

50

NK細胞の細胞傷害性の増強を、それを必要とする哺乳動物において行うための薬剤の製造における、請求項1～10のいずれか一項に記載のポリヌクレオチドの使用。

【請求項15】

癌又は感染性疾患の治療又は予防を、それを必要とする哺乳動物において行うための薬剤の製造における、請求項1～10のいずれか一項に記載のポリヌクレオチドの使用。

【請求項16】

細胞によって発現されるキメラ受容体をコードするポリヌクレオチドであって、

(a) ナチュラルキラーグループ2メンバーD (NKG2D) の天然リガンドに結合するペプチドを含む細胞外受容体ドメインであって、

NKG2Dの天然リガンドに結合する前記ペプチドは、NKG2Dの断片であり、

前記NKG2Dの断片は、配列番号2を含むポリヌクレオチドによってコードされる、細胞外受容体ドメイン、及び

(b) 膜貫通領域及び細胞内シグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインであって、

前記細胞内シグナル伝達ドメインは、CD3 を含み、

前記CD3 は、配列番号13を含むポリヌクレオチドによってコードされる、エフェクタードメイン

を含み、前記細胞は、膜結合性インターロイキン15 (mbIL15) をさらに含む、ポリヌクレオチド。

【請求項17】

前記エフェクタードメインの前記膜貫通領域は、CD8a膜貫通ドメインを含む、請求項16に記載のポリヌクレオチド。

【請求項18】

前記エフェクタードメインの前記膜貫通領域は、CD8aヒンジ領域をさらに含む、請求項16に記載のポリヌクレオチド。

【請求項19】

前記CD8aヒンジ領域は、配列番号5を含むポリヌクレオチドによってコードされる、請求項18に記載のポリヌクレオチド。

【請求項20】

前記mbIL15は、配列番号16を含むポリヌクレオチドによってコードされる、請求項16に記載のポリヌクレオチド。

【請求項21】

前記mbIL15は、前記キメラ受容体と同じポリヌクレオチド上でバイシストロン性に発現される、請求項20に記載のポリヌクレオチド。

【請求項22】

mbIL15は、配列番号17のアミノ酸配列を含む、請求項20に記載のポリヌクレオチド。

【請求項23】

前記エフェクタードメインは、OX-40ドメインをさらに含む、請求項20に記載のポリヌクレオチド。

【請求項24】

前記キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、前記OX-40ドメイン、前記CD3 に共役された前記NKG2Dの断片を含む、請求項23に記載のポリヌクレオチド。

【請求項25】

前記キメラ受容体は、配列番号16によってコードされる前記mbIL15に共役された配列番号90の核酸配列によってコードされる、請求項24に記載のポリヌクレオチド。

【請求項26】

前記キメラ受容体は、配列番号17のアミノ酸配列を含む前記mbIL15に共役され

10

20

30

40

50

た配列番号 91 のアミノ酸配列を含む、請求項 25 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 27】

前記キメラ受容体は、IgG4 ヒンジ、CD8a 膜貫通ドメイン、前記 OX-40 ドメイン、前記 CD3 に共役された前記 NKG2D の断片を含む、請求項 23 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 28】

前記キメラ受容体は、配列番号 16 によってコードされる前記 m b I L 15 に共役された配列番号 100 の核酸配列によってコードされる、請求項 27 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 29】

前記キメラ受容体は、配列番号 17 のアミノ酸配列を含む前記 m b I L 15 に共役された配列番号 101 のアミノ酸配列を含む、請求項 28 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 30】

癌を治療するための方法であって、請求項 15 ~ 29 のいずれか一項に記載のポリヌクレオチドによってコードされる前記キメラ受容体を発現するナチュラルキラー (NK) 細胞を含む組成物を、癌を有する対象に投与することを含む方法。

【請求項 31】

前記 NK 細胞は、癌を有する患者から単離された自家細胞である、請求項 30 に記載の方法。

【請求項 32】

前記 NK 細胞は、ドナーから単離された同種細胞である、請求項 30 に記載の方法。

【請求項 33】

NK 細胞の細胞傷害性の増強を、それを必要とする哺乳動物において行うための薬剤の製造における、請求項 15 ~ 29 のいずれか一項に記載のポリヌクレオチドの使用。

【請求項 34】

癌又は感染性疾患の治療又は予防を、それを必要とする哺乳動物において行うための薬剤の製造における、請求項 15 ~ 29 のいずれか一項に記載のポリヌクレオチドの使用。

【請求項 35】

キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドであって、

(a) ナチュラルキラーグループ 2 メンバー D (NKG2D) の天然リガンドに結合するペプチドを含む細胞外受容体ドメインであって、

NKG2D の天然リガンドに結合する前記ペプチドは、NKG2D の断片であり、

前記 NKG2D の断片は、(i) 配列番号 1、(ii) 配列番号 2、又は (iii) 配列番号 3 の断片を含むポリヌクレオチドによってコードされる、細胞外受容体ドメイン、及び

(b) 膜貫通領域及び細胞内シグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインを含むポリヌクレオチド。

【請求項 36】

前記エフェクタードメインは、CD16 を含む、請求項 35 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 37】

前記エフェクタードメインは、天然細胞傷害誘発受容体 1 (NCR1) を含む、請求項 35 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 38】

前記エフェクタードメインは、天然細胞傷害誘発受容体 2 (NCR2) 又は天然細胞傷害誘発受容体 3 (NCR3) を含む、請求項 35 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 39】

前記エフェクタードメインは、4-1BB をさらに含む、請求項 35 ~ 38 のいずれか一項に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 40】

10

20

30

40

50

前記キメラ受容体は、C D 1 6 に共役された前記 N K G 2 D の断片を含む、請求項 3 6 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 4 1】

前記キメラ受容体は、配列番号 2 3 の核酸配列によってコードされる、請求項 4 0 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 4 2】

前記キメラ受容体は、配列番号 2 4 のアミノ酸配列を含む、請求項 4 0 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 4 3】

前記キメラ受容体は、N C R 1 に共役された前記 N K G 2 D の断片を含む、請求項 4 0 に記載のポリヌクレオチド。

10

【請求項 4 4】

前記キメラ受容体は、配列番号 2 7 の核酸配列によってコードされる、請求項 4 3 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 4 5】

前記キメラ受容体は、配列番号 2 8 のアミノ酸配列を含む、請求項 4 3 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 4 6】

前記キメラ受容体は、配列番号 2 1 のアミノ酸配列の少なくとも一部を含む、請求項 3 8 に記載のポリヌクレオチド。

20

【請求項 4 7】

前記キメラ受容体は、N C R 3 に共役された前記 N K G 2 D の断片を含む、請求項 3 6 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 4 8】

前記キメラ受容体は、配列番号 2 9 の核酸配列によってコードされる、請求項 4 7 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 4 9】

前記キメラ受容体は、配列番号 3 0 のアミノ酸配列を含む、請求項 4 7 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 5 0】

前記キメラ受容体は、C D 1 6 膜貫通 / 細胞内ドメイン及び 4 - 1 B B に共役された前記 N K G 2 D の断片を含む、請求項 3 9 に記載のポリヌクレオチド。

30

【請求項 5 1】

前記キメラ受容体は、C D 8 a ヒンジ、C D 1 6 膜貫通 / 細胞内ドメイン及び 4 - 1 B B に共役された前記 N K G 2 D の断片を含む、請求項 3 9 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 5 2】

前記キメラ受容体は、配列番号 2 5 の核酸配列によってコードされる、請求項 5 1 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 5 3】

前記キメラ受容体は、配列番号 2 6 のアミノ酸配列を含む、請求項 5 1 に記載のポリヌクレオチド。

40

【請求項 5 4】

前記キメラ受容体は、N C R 1 及び 4 - 1 B B に共役された前記 N K G 2 D の断片を含む、請求項 3 9 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 5 5】

前記キメラ受容体は、配列番号 2 0 の N C R 1 アミノ酸配列を含む、請求項 5 4 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 5 6】

前記キメラ受容体は、C D 8 a、4 - 1 B B 及び C D 3 z に共役された前記 N K G 2 D の断片を含む、請求項 3 9 に記載のポリヌクレオチド。

50

- 【請求項 57】
前記キメラ受容体は、配列番号 18 の核酸配列によってコードされる、請求項 56 に記載のポリヌクレオチド。
- 【請求項 58】
前記キメラ受容体は、配列番号 19 のアミノ酸配列を含む、請求項 56 に記載のポリヌクレオチド。
- 【請求項 59】
前記キメラ受容体は、NCR3 及び 4 - 1BB に共役された前記 NKG2D の断片を含み、前記 NCR3 は、配列番号 22 のアミノ酸配列を含む、請求項 39 に記載のポリヌクレオチド。 10
- 【請求項 60】
前記キメラ受容体は、配列番号 20 の NCR1 膜貫通 / 細胞内ドメイン又は配列番号 22 の NCR3 膜貫通 / 細胞内ドメインの 1 つ以上を含む、請求項 39 に記載のポリヌクレオチド。
- 【請求項 61】
前記エフェクタードメインは、4 - 1BB と、CD16、NCR1、NCR3、2B4 又は Nkp80 の 1 つとの間に GS リンカーを含む、請求項 39 に記載のポリヌクレオチド。
- 【請求項 62】
前記キメラ受容体ドメインは、ヒンジ領域を含む、請求項 35 ~ 61 のいずれか一項に記載のポリヌクレオチド。 20
- 【請求項 63】
前記ヒンジ領域は、配列番号 5 の核酸配列によってコードされる、請求項 62 に記載のポリヌクレオチド。
- 【請求項 64】
前記ヒンジ領域は、配列番号 5 の核酸配列の断片によってコードされる、請求項 62 に記載のポリヌクレオチド。
- 【請求項 65】
前記ヒンジ領域は、配列番号 31 のアミノ酸配列を有するグリシン - セリン反復モチーフを含む、請求項 62 に記載のポリヌクレオチド。 30
- 【請求項 66】
前記ヒンジ領域は、配列番号 32 のアミノ酸配列を含む、請求項 62 に記載のポリヌクレオチド。
- 【請求項 67】
前記ヒンジ領域は、配列番号 33 のアミノ酸配列を含む、請求項 62 に記載のポリヌクレオチド。
- 【請求項 68】
前記ヒンジ領域は、配列番号 34 の核酸配列によってコードされる、請求項 62 に記載のポリヌクレオチド。
- 【請求項 69】
前記ヒンジ領域は、アドレナリン受容体の一部を含む、請求項 62 に記載のポリヌクレオチド。 40
- 【請求項 70】
前記ヒンジ領域は、配列番号 40 の核酸配列によってコードされる、請求項 69 に記載のポリヌクレオチド。
- 【請求項 71】
前記ヒンジ領域は、配列番号 42 の核酸配列によってコードされる、請求項 69 に記載のポリヌクレオチド。
- 【請求項 72】
前記細胞外受容体ドメインは、CD8a シグナルペプチドをさらに含み、前記シグナル 50

ペプチドは、配列番号 4 の核酸配列を含む、請求項 3 5 ~ 7 1 のいずれか一項に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 7 3】

前記エフェクタードメインは、1つ以上のヘミ I T A M 配列を含む、請求項 3 5 ~ 7 2 のいずれか一項に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 7 4】

ヘミ I T A M は、配列番号 1 4 のアミノ酸配列を含む、請求項 7 2 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 7 5】

ヘミ I T A M は、配列番号 3 7 のアミノ酸配列を含む、請求項 7 2 に記載のポリヌクレオチド。

10

【請求項 7 6】

前記エフェクタードメインは、1つ以上の I T S M 配列を含む、請求項 3 5 ~ 7 5 のいずれか一項に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 7 7】

前記 I T S M は、配列番号 1 5 のアミノ酸配列を含む、請求項 7 6 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 7 8】

前記 I T S M は、配列番号 3 5 のアミノ酸配列を含む、請求項 7 6 に記載のポリヌクレオチド。

20

【請求項 7 9】

前記エフェクタードメインは、2 B 4 ドメインを含む、請求項 7 6 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 8 0】

前記キメラ受容体は、G S 3 リンカー、C D 8 a ヒンジ、C D 1 6 膜貫通 / 細胞内ドメイン及び 4 - 1 B B に共役された前記 N K G 2 D の断片を含む、請求項 3 5 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 8 1】

前記キメラ受容体は、配列番号 4 3 の核酸配列によってコードされる、請求項 8 0 に記載のポリヌクレオチド。

30

【請求項 8 2】

前記キメラ受容体は、G S 3 リンカー、C D 1 6 膜貫通 / 細胞内ドメイン及び 4 - 1 B B に共役された前記 N K G 2 D の断片を含む、請求項 3 5 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 8 3】

前記キメラ受容体は、配列番号 4 4 の核酸配列によってコードされる、請求項 8 2 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 8 4】

前記キメラ受容体は、C D 1 6 膜貫通 / 細胞内ドメイン及び 4 - 1 B B に共役された前記 N K G 2 D の断片を含む、請求項 3 5 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 8 5】

前記キメラ受容体は、配列番号 4 5 の核酸配列によってコードされる、請求項 8 4 に記載のポリヌクレオチド。

40

【請求項 8 6】

前記キメラ受容体は、C D 8 a ヒンジ、C D 8 a 膜貫通ドメイン、4 - 1 B B 及び 2 B 4 に共役された前記 N K G 2 D の断片を含む、請求項 3 5 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 8 7】

前記キメラ受容体は、配列番号 4 6 の核酸配列によってコードされる、請求項 8 6 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 8 8】

前記キメラ受容体は、 アドレナリン細胞外ドメイン、 アドレナリン膜貫通ドメイン

50

、 4 - 1 B B 及び 2 B 4 に共役された前記 N K G 2 D の断片を含む、請求項 3 5 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 8 9】

前記キメラ受容体は、配列番号 4 7 の核酸配列によってコードされる、請求項 8 8 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 9 0】

前記キメラ受容体は、C D 8 a ヒンジ、C D 8 a 膜貫通ドメイン、4 - 1 B B、2 B 4、G S 3 リンカー及び N K p 8 0 に共役された前記 N K G 2 D の断片を含む、請求項 3 5 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 9 1】

前記キメラ受容体は、配列番号 4 8 の核酸配列によってコードされる、請求項 9 0 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 9 2】

前記キメラ受容体は、C D 8 a ヒンジ、C D 8 a 膜貫通ドメイン、4 - 1 B B、G S 3 リンカー及び N K p 8 0 に共役された前記 N K G 2 D の断片を含む、請求項 3 5 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 9 3】

前記キメラ受容体は、配列番号 4 9 の核酸配列によってコードされる、請求項 9 2 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 9 4】

前記キメラ受容体は、G S 3 リンカー、追加的な N K G 2 D 断片、アドレナリン細胞外ドメイン、アドレナリン膜貫通ドメイン、4 - 1 B B、追加的な G S 3 リンカー及び N K p 8 0 に共役されている、コドン最適化されている前記 N K G 2 D の断片を含む、請求項 3 5 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 9 5】

前記キメラ受容体は、配列番号 5 0 の核酸配列によってコードされる、請求項 9 4 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 9 6】

前記キメラ受容体は、G S 3 リンカー、追加的な N K G 2 D 断片、C D 8 a ヒンジ、C D 8 a 膜貫通ドメイン、4 - 1 B B、追加的な G S 3 リンカー及び N K p 8 0 に共役されている、コドン最適化されている前記 N K G 2 D の断片を含む、請求項 3 5 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 9 7】

前記キメラ受容体は、配列番号 5 1 の核酸配列によってコードされる、請求項 9 6 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 9 8】

前記キメラ受容体は、G S 3 リンカー、追加的な N K G 2 D 断片、c d 8 a ヒンジ、C D 1 6 膜貫通 / 細胞内ドメイン及び 4 - 1 B B に共役されている、コドン最適化されている前記 N K G 2 D の断片を含む、請求項 3 5 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 9 9】

前記キメラ受容体は、配列番号 5 2 の核酸配列によってコードされる、請求項 9 8 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 1 0 0】

前記キメラ受容体は、C D 8 a ヒンジ、C D 1 6 膜貫通 / 細胞内ドメイン、4 - 1 B B 及び 2 B 4 に共役された前記 N K G 2 D の断片を含む、請求項 3 5 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 1 0 1】

前記キメラ受容体は、配列番号 5 3 の核酸配列によってコードされる、請求項 1 0 0 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 1 0 2】

10

20

30

40

50

前記キメラ受容体は、CD8a ヒンジ、CD16 膜貫通/細胞内ドメイン、4-1BB、GS3 リンカー及びNKp80 に共役された前記NKGDの断片を含む、請求項35 に記載のポリヌクレオチド。

【請求項103】

前記キメラ受容体は、配列番号54の核酸配列によってコードされる、請求項102に 記載のポリヌクレオチド。

【請求項104】

前記キメラ受容体は、DNA X 活性化タンパク質10 (DAP10) を含まない、請求 項35～103のいずれか一項に記載のポリヌクレオチド。

【請求項105】

前記キメラ受容体は、ITAMモチーフを含まない、請求項35～55又は60～10 4のいずれか一項に記載のポリヌクレオチド。

【請求項106】

(a) ナチュラルキラーグループ2メンバーD (NKGD) の天然リガンドに結合す るペプチドを含む細胞外受容体ドメインであって、NKGDの天然リガンドに結合する 前記ペプチドは、NKGDの断片である、細胞外受容体ドメイン、

(b) CD8aを含む膜貫通領域、及び

(c) 4-1BB及びCD3 を含むエフェクタードメイン

を含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドであって、膜結合性インターロイキ ン15 (mbIL15) をコードする追加的な構築物と同時発現されるポリヌクレオチド

【請求項107】

(a) ナチュラルキラーグループ2メンバーD (NKGD) の天然リガンドに結合す るペプチドを含む細胞外受容体ドメインであって、NKGDの天然リガンドに結合する 前記ペプチドは、NKGDの断片である、細胞外受容体ドメイン、

(b) CD8aを含む膜貫通領域、及び

(c) 4-1BB及び2B4又はDAP10の細胞内ドメインを含むエフェクタードメ イン

を含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチド。

【請求項108】

膜結合性インターロイキン15 (mbIL15) をコードする追加的な構築物と同時発 現される、請求項106又は107に記載のポリヌクレオチド。

【請求項109】

(a) ナチュラルキラーグループ2メンバーD (NKGD) の天然リガンドに結合す るペプチドを含む細胞外受容体ドメインであって、NKGDの天然リガンドに結合する 前記ペプチドは、NKGDの断片であり、前記NKGDの断片は、(i) 配列番号1 の配列、(ii) 配列番号2の配列、(iii) 配列番号3の配列、又は(iv) 配列番 号68の配列の断片を含むポリヌクレオチドによってコードされる、細胞外受容体ドメ イン、

(b) CD3 膜貫通領域を含む膜貫通領域、及び

(c) エフェクタードメイン

を含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチド。

【請求項110】

膜結合性インターロイキン15 (mbIL15) と同時発現される、請求項109に記 載のポリヌクレオチド。

【請求項111】

(a) ナチュラルキラーグループ2メンバーD (NKGD) の天然リガンドに結合す るペプチドを含む細胞外受容体ドメインであって、

NKGDの天然リガンドに結合する前記ペプチドは、NKGDの断片であり、

前記NKGDの断片は、(i) 配列番号1の配列、(ii) 配列番号2の配列、(i

10

20

30

40

50

i i) 配列番号 3 の配列、(i v) 又は配列番号 6 8 の配列の断片を含むポリヌクレオチドによってコードされる、細胞外受容体ドメイン、及び

(b) 膜貫通領域及び細胞内シグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチド。

【請求項 1 1 2】

前記キメラ受容体の発現のための少なくとも 1 つの調節エレメントに作動可能に連結される、請求項 3 5 ~ 1 1 1 のいずれか一項に記載のポリヌクレオチド。

【請求項 1 1 3】

請求項 3 5 ~ 1 1 2 のいずれか一項に記載のポリヌクレオチドを含むベクターであって、前記ポリヌクレオチドは、前記キメラ受容体の発現のための少なくとも 1 つの調節エレメントに作動可能に連結される、ベクター。

10

【請求項 1 1 4】

レトロウイルスである、請求項 1 1 3 に記載のベクター。

【請求項 1 1 5】

請求項 3 5 ~ 1 1 2 のいずれか一項に記載のポリヌクレオチドを含む遺伝子操作されたナチュラルキラー細胞。

【請求項 1 1 6】

患者から単離された自家細胞である、請求項 1 1 5 に記載の単離された遺伝子操作されたナチュラルキラー細胞。

【請求項 1 1 7】

ドナーから単離された同種細胞である、請求項 1 1 5 に記載の単離された遺伝子操作されたナチュラルキラー細胞。

20

【請求項 1 1 8】

N K 細胞の細胞傷害性の増強を、それを必要とする哺乳動物において行うための方法であって、N K 細胞を前記哺乳動物に投与することを含み、前記 N K 細胞は、請求項 3 5 ~ 1 1 2 のいずれか一項に記載のポリヌクレオチドによってコードされるキメラ受容体を発現する、方法。

【請求項 1 1 9】

前記 N K 細胞は、患者から単離された自家細胞である、請求項 1 1 8 に記載の方法。

【請求項 1 2 0】

前記 N K 細胞は、ドナーから単離された同種細胞である、請求項 1 1 8 に記載の方法。

30

【請求項 1 2 1】

癌又は感染性疾患の治療又は予防を、それを必要とする哺乳動物において行うための方法であって、治療有効量の N K 細胞を前記哺乳動物に投与することを含み、前記 N K 細胞は、請求項 3 5 ~ 1 1 2 のいずれか一項に記載のポリヌクレオチドによってコードされるキメラ受容体を発現する、方法。

【請求項 1 2 2】

前記 N K 細胞は、癌又は感染性疾患を有する患者から単離された自家細胞である、請求項 1 2 1 に記載の方法。

【請求項 1 2 3】

前記 N K 細胞は、ドナーから単離された同種細胞である、請求項 1 2 1 に記載の方法。

40

【請求項 1 2 4】

N K 細胞の細胞傷害性の増強を、それを必要とする哺乳動物において行うための薬剤の製造における、請求項 3 5 ~ 1 1 2 のいずれか一項に記載のポリヌクレオチドの使用。

【請求項 1 2 5】

癌又は感染性疾患の治療又は予防を、それを必要とする哺乳動物において行うための薬剤の製造における、請求項 3 5 ~ 1 1 2 のいずれか一項に記載のポリヌクレオチドの使用。

【請求項 1 2 6】

N K 細胞の細胞傷害性の増強を、それを必要とする哺乳動物において行うための薬剤の

50

製造における、請求項 1 1 4 又は 1 1 5 に記載のベクターの使用。

【請求項 1 2 7】

癌又は感染性疾患の治療又は予防を、それを必要とする哺乳動物において行うための薬剤の製造における、請求項 1 1 4 又は 1 1 5 に記載のベクターの使用。

【請求項 1 2 8】

NK細胞の細胞傷害性の増強を、それを必要とする哺乳動物において行うための、請求項 1 1 5 ~ 1 1 7 のいずれか一項に記載の単離された遺伝子操作されたナチュラルキラー細胞の使用。

【請求項 1 2 9】

癌又は感染性疾患の治療又は予防を、それを必要とする哺乳動物において行うための、請求項 1 1 6 又は 1 1 7 に記載の単離された遺伝子操作されたナチュラルキラー細胞の使用。

10

【請求項 1 3 0】

(a) ナチュラルキラーグループ 2 メンバー D (NK G 2 D) の天然リガンドに結合するペプチドを含む細胞外受容体ドメインであって、

NK G 2 D の天然リガンドに結合する前記ペプチドは、NK G 2 D の断片であり、前記 NK G 2 D の断片は、(i) 配列番号 1、(ii) 配列番号 2、(iii) 配列番号 3、又は(iv) 配列番号 6 8 の断片を含むポリヌクレオチドによってコードされる、細胞外受容体ドメイン、及び

(b) 膜貫通領域及び細胞内シグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチド。

20

【請求項 1 3 1】

a) キメラ受容体を含む免疫細胞であって、前記キメラ受容体は、

(i) ナチュラルキラーグループ 2 メンバー D (NK G 2 D) の天然リガンドに結合するペプチドを含む細胞外受容体ドメインであって、NK G 2 D の天然リガンドに結合する前記ペプチドは、NK G 2 D の断片である、細胞外受容体ドメイン、及び

(ii) 膜貫通領域及び細胞内シグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインであって、前記細胞内シグナル伝達ドメインは、CD 3 を含む、エフェクタードメインを含む、免疫細胞、

b) 膜結合性インターロイキン 1 5 (mb IL 1 5) を含むトランスジェニック細胞。

30

【請求項 1 3 2】

癌を治療するための方法であって、

a) キメラ受容体を含む免疫細胞であって、前記キメラ受容体は、

(i) ナチュラルキラーグループ 2 メンバー D (NK G 2 D) の天然リガンドに結合するペプチドを含む細胞外受容体ドメインであって、NK G 2 D の天然リガンドに結合する前記ペプチドは、NK G 2 D の断片である、細胞外受容体ドメイン、及び

(ii) 膜貫通領域及び細胞内シグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインであって、前記細胞内シグナル伝達ドメインは、CD 3 を含む、エフェクタードメインを含む、免疫細胞、

40

b) 膜結合性インターロイキン 1 5 (mb IL 1 5)

を発現するナチュラルキラー (NK) 細胞を含む組成物を、癌を有する対象に投与することを含む方法。

【発明の詳細な説明】

【技術分野】

【0 0 0 1】

関連出願

本願は、2017年3月27日に提出された米国仮特許出願第62/477,335号明細書及び2018年2月9日に提出された米国仮特許出願第62/628,774号明

50

細書の利益を主張する。上掲の出願の各々の全体は、参照により本明細書に組み込まれる。

【0002】

ASCIIテキストファイルでのマテリアルの参照による援用

本願は、本明細書と同時に提出されている以下のASCIIテキストファイル中に含まれる配列表を参照により援用する。

a) ファイル名: 44591144002SequenceListing.txt;
186KBのサイズで2018年3月27日に作成

【背景技術】

【0003】

多くの疾患の出現及び持続性は、悪性及びウイルス感染細胞を含む異常細胞に対する不十分な免疫応答によって特徴付けられる。免疫療法は、様々な疾患を治療するための患者の免疫系の使用及び操作である。

【発明の概要】

【発明が解決しようとする課題】

【0004】

免疫療法は、疾患の治療における新しい技術的進歩を提示し、免疫細胞は、罹患又は損傷細胞に対して特異的に同定及び反応する特定の標的化及び/又はエフェクター分子を発現するように操作される。これは、より従来手法、例えば化学療法(すべての細胞が影響を受ける場合)と異なり、少なくとも部分的に、罹患又は損傷細胞を特異的に標的にするという能力に基づく有望な進歩を表し、また所望の結果は、十分な健常細胞が生存することで患者の生存を可能にすることである。1つの免疫療法アプローチは、目的の異常細胞の標的化された認識及び破壊を達成するための免疫細胞におけるキメラ受容体の組換え発現である。

【課題を解決するための手段】

【0005】

罹患又は感染細胞に対する特異的標的化及び破壊、無能化又は特に不活性化に関するこの必要性に対処するため、細胞、例えばナチュラルキラー細胞に対して増強された標的化及び細胞傷害性を付与するキメラ受容体をコードするポリヌクレオチド、アミノ酸及びベクターが本明細書で提供される。さらに、その細胞を作製するための方法並びにその細胞を用いて罹患又は損傷細胞を標的化及び破壊する方法が提供される。いくつかの実施形態では、細胞外受容体ドメイン並びに膜貫通領域及び細胞内シグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインを含むキメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、細胞外受容体ドメインは、ナチュラルキラーグループ2メンバーD(NKG2D)の天然リガンドに結合するペプチドを含み、NKG2Dの天然リガンドに結合するペプチドは、NKG2Dの断片である。

【0006】

いくつかの実施形態では、(a)細胞外受容体ドメインと、(b)膜貫通領域及び細胞内シグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインとの一方又は両方を含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供される。いくつかの実施形態では、細胞外受容体ドメインは、ナチュラルキラーグループ2メンバーD(NKG2D)の天然リガンドに結合するペプチドを含む。いくつかの実施形態では、NKG2Dの天然リガンドに結合するペプチドは、NKG2Dの断片であり、例えば、NKG2Dの断片は、配列番号2を含むポリヌクレオチドによってコードされる。本明細書で開示される通り、追加的なNKG2D断片も実施形態に応じて用いられる。いくつかの実施形態では、細胞内シグナル伝達ドメインは、CD3を含む。一実施形態では、CD3は、配列番号13を含むポリヌクレオチドによってコードされるが、本明細書で開示される通り、CD3と異なるが、類似機能を共有する配列も実施形態に応じて用いられ得る。

【0007】

いくつかの実施形態では、エフェクタードメインの膜貫通領域は、CD8a膜貫通ドメ

10

20

30

40

50

インを含む。一実施形態では、エフェクタードメインの膜貫通領域は、CD8aヒンジ領域をさらに含む。いくつかの実施形態では、CD8aヒンジ領域は、配列番号5を含むポリヌクレオチドによってコードされる。いくつかの実施形態では、細胞内シグナル伝達ドメインは、4-1BBをさらに含む。一実施形態では、4-1BBは、配列番号12を含むポリヌクレオチドによってコードされるが、本明細書で開示される通り、4-1BBと異なるが、類似機能を共有する配列も実施形態に応じて用いられ得る。

【0008】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8a、4-1BB及びCD3zに共役されたNKGDの断片を含む。いくつかの実施形態では、かかるキメラ受容体は、配列番号18の核酸配列によってコードされる。さらなる実施形態では、キメラ受容体は、配列番号108の核酸配列によってコードされるが、本明細書で開示される通り、配列番号108と異なるが、類似機能を共有する配列も実施形態に応じて用いられ得る。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号19のアミノ酸配列を含む。

10

【0009】

いくつかの実施形態では、本明細書で開示されるキメラ受容体のいずれかはまた、膜結合性インターロイキン15(mbIL15)と同時発現され得る。いくつかの実施形態では、mbIL15は、配列番号16を含むポリヌクレオチドによってコードされる。いくつかの実施形態では、mbIL15は、配列番号17のアミノ酸配列を含む。mbIL15用の他の配列も実施形態に応じて用いられ得る。いくつかの実施形態では、mbIL15は、キメラ受容体と同じポリヌクレオチド上でバイシストロン性に発現される。他の実施形態では、mbIL15は、別々の構築物上で同時発現される。いくつかの実施形態では、細胞内シグナル伝達ドメインは、その発現を膜結合性インターロイキン15(mbIL15)の場合と共役させることにより、さらに増強される。

20

【0010】

いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、OX-40ドメインをさらに含む。いくつかの実施形態では、OX-40ドメインは、mbIL15を代替するもの又は追加するもののいずれかである。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、OX-40ドメイン及びCD3に共役されたNKGDの断片を含む。いくつかの実施形態では、ポリヌクレオチド構築物は、mbIL15をバイシストロン性に同時発現するように設計される。いくつかのかかる実施形態では、ポリヌクレオチド構築物は、例えば、細胞質プロテアーゼによって認識及び切断された1つ以上の切断部位(例えば、T2A、P2A、E2A及び/又はF2A切断部位(複数))を含む。いくつかの実施形態では、mbIL15は、細胞質プロテアーゼ切断部位により、キメラ受容体に共役される。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、細胞質プロテアーゼ切断部位により、配列番号16によってコードされるmbIL15に共役された配列番号90の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、細胞質プロテアーゼ切断部位により、配列番号16によってコードされるmbIL15に共役された配列番号109の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号91のアミノ酸配列を含み、配列番号17のアミノ酸配列を含むmbIL15と同時発現される。本明細書で開示される通り、配列番号90、91、109、16及び/又は16と異なるが、類似機能を共有する配列も実施形態に応じて用いられ得る。

30

40

【0011】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、IgG4ヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、OX-40ドメイン及びCD3に共役されたNKGDの断片を含む。いくつかの実施形態では、ポリヌクレオチド構築物は、mbIL15をキメラ受容体とバイシストロン性に同時発現するように設計される。いくつかのかかる実施形態では、ポリヌクレオチド構築物は、細胞質プロテアーゼにより認識及び切断された1つ以上の切断部位(例えば、T2A、P2A、E2A及び/又はF2A切断部位(複数))を含む。いくつかの実施形態では、mbIL15は、細胞質プロテアーゼ切断部位によりキメラ受容体に共役される

50

。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、細胞質プロテアーゼ切断部位により、配列番号16によってコードされるmbIL15に共役された配列番号100の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号101のアミノ酸配列を含み、配列番号17のアミノ酸配列を含むmbIL15と同時発現される。本明細書で開示される通り、配列番号100、101及び/又は16と異なるが、類似機能を共有する配列も実施形態に応じて用いられ得る。

【0012】

いくつかの実施形態では、癌を治療するための方法であって、上記又は本明細書中の他の箇所に記載のポリヌクレオチドによってコードされるキメラ受容体を発現するナチュラルキラー(NK)細胞を含む組成物を、癌を有する対象に投与することを含む方法が提供される。

10

【0013】

一実施形態では、NK細胞は、癌又は感染性疾患を有する患者から単離された自家細胞である。さらなる実施形態では、NK細胞は、ドナーから単離された同種細胞である。

【0014】

NK細胞の細胞傷害性の増強を、それを必要とする哺乳動物において行うための薬剤の製造における、上記又は本明細書中の他の箇所に記載のポリヌクレオチドの使用も本明細書に提供される。いくつかの実施形態では、癌又は感染性疾患の治療又は予防を、それを必要とする哺乳動物において行うための薬剤の製造における、上記又は本明細書中の他の箇所に記載のポリヌクレオチドの使用が提供される。

20

【0015】

いくつかの実施形態によると、細胞外受容体ドメイン並びに膜貫通領域及び細胞内シグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供される。本明細書中でより詳細に考察される通り、細胞外受容体ドメインは、標的細胞上のリガンドを認識及び結合することに役立つ。エフェクタードメインは、(細胞外ドメインによる標的細胞との結合時に)標的細胞に対する細胞傷害活性をもたらすシグナルカスケードを発動させるシグナルを伝達するのに役立つ。いくつかの実施形態によると、ポリヌクレオチドは、意外にも操作されていないNK細胞と比べて増強された細胞傷害性をもたらすキメラ受容体をコードする。

【0016】

いくつかの実施形態では、細胞外受容体ドメインは、ナチュラルキラーグループ2メンバーD(NKG2D)の天然リガンドに結合するペプチドを含む。いくつかの実施形態によると、NKG2Dの天然リガンドに結合するペプチドは、NKG2Dの機能断片(例えば、完全長NKG2Dの切断部、断片又は部分である。本明細書で用いられるとき、用語「断片」、「切断部」及び「部分」は、それらの通常の意味が与えられるものとし、互いに交換可能なものとする。例えば、いくつかの実施形態では、NKG2Dの断片は、配列番号1の配列の断片を含むポリヌクレオチドによってコードされる。いくつかの実施形態では、NKG2Dの断片が配列番号2の配列を含む一方、さらなる実施形態では、NKG2Dをコードする断片は、コドン最適化され、例えば配列番号3の配列を含む。さらなる実施形態では、NKG2Dをコードする断片は、コドン最適化され、例えば配列番号68の配列を含む。

30

40

【0017】

いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、CD16、NCR1、NCR2、NCR3、4-1BB、NKp80、CD3及び2B4の1つ以上を含む。いくつかの実施形態では、これらのエフェクタードメインは、CD8に共役される。

【0018】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD16に共役されたNKG2Dの断片を含む。本明細書で用いられるとき、共役されたとは、その通常の意味が与えられるものとし、ヌクレオチド配列の、ヌクレオチド配列の発現を例えばインビトロ転写/翻訳系、宿主細胞(例えば、インビトロ及び/又はインビボ)において可能にするような方法での直

50

接的（例えば、第1のヌクレオチドに第2のヌクレオチドが直接的に後続する）又は間接的（例えば、配列が互いにインフレームであっても介在ヌクレオチドによって分離される）結合も指すこととする。本明細書で用いられるとき、「連結された」及び「共役された」は、交換可能に用いられる。いくつかの実施形態では、NKGD/CD16キメラ受容体は、配列番号23の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、NKGD/CD16キメラ受容体は、配列番号24のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、NCR1に共役されたNKGDの断片を含む。いくつかの実施形態では、かかるキメラ受容体は、配列番号27の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号28のアミノ酸配列を含む。

【0019】

上で考察の通り、いくつかの実施形態では、NKGD断片は、NCR2に共役され、得られるキメラ受容体は、配列番号21のアミノ酸配列の少なくとも一部を含む。いくつかの実施形態は、NCR3に共役されたNKGDの断片を含むキメラ受容体を提供する。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号29の核酸配列によってコードされ、キメラ受容体は、配列番号30のアミノ酸配列を含む。

【0020】

以下により詳細に考察される通り、膜貫通及び細胞内ドメインの組み合わせは、いくつかの実施形態で用いられ、キメラ受容体の成分間に相乗的相互作用をもたらし、増強された細胞傷害性効果をもたらす。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD16膜貫通/細胞内ドメイン及び4-1BBに共役されたNKGDの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD16膜貫通/細胞内ドメイン及び4-1BBに共役されたNKGDの断片を含む。いくつかの実施形態では、かかるキメラ受容体は、配列番号25の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、得られたキメラ受容体は、配列番号26のアミノ酸配列を含む。

【0021】

いくつかの実施形態では、NCR1がNKGD断片と併用される。いくつかの実施形態では、NKGD断片は、NCR1に単独で連結される。さらなる実施形態では、キメラ受容体は、NCR1及び4-1BBに共役されたNKGDの断片を含む。いくつかのかかる実施形態では、キメラ受容体は、配列番号20のNCR1アミノ酸配列を含む。

【0022】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8a、4-1BB及びCD3zに共役されたNKGDの断片を含む。いくつかの実施形態では、かかるNKGD/CD8a/4-1bb/CD3zキメラ受容体は、配列番号18の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号19のアミノ酸配列を含む。

【0023】

いくつかの実施形態では、NCR3は、キメラ受容体に含まれる。例えば、NKGD/NCR3構築物がいくつかの実施形態において提供される。それにより得られたキメラ受容体は、配列番号22のNCR3アミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、NKGD/NCR2/4-1BB構築物又はNKGD/NCR3/4-1BB構築物を含む。

【0024】

いくつかの実施形態では、リンカー、ヒンジ又は他の「スペーシング」エレメントがキメラ受容体構築物において提供される。例えば、いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、リンカーを含む。いくつかの実施形態では、ポリヌクレオチドは、構築物の部分間、例えば4-1BB、CD16、NCR1、NCR3、2B4又はNKp80のいずれかの間でGSリンカーをコードする。いくつかの実施形態では、1つ以上、例えば1、2、3、4、5、6又は7つ以上のGSリンカーが提供される。いくつかの実施形態では、ヒンジ領域を含むキメラ受容体が提供される。特定の構築物中の位置に応じて、ヒンジ領域は、リンカー領域と同義であり得、またその逆であり得る。いくつかの実施形態では、ヒンジ領域は、配列番号5の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態で

10

20

30

40

50

は、ヒンジ領域は、所望の長さに切断でき、したがって配列番号5の核酸配列の断片によってコードされる。いくつかの実施形態では、グリシン-セリンモチーフがヒンジとして用いられる。いくつかの実施形態では、ヒンジ領域は、(GGGS)_n (ここで、nは、反復数である)の amino 酸配列 (配列番号31) を有するグリシン-セリン反復モチーフを含む。いくつかの実施形態では、9回反復が用いられることで、配列番号33の amino 酸配列を含むヒンジ領域が得られる。いくつかの実施形態では、3回反復が用いられることで、配列番号34の amino 酸配列を含むヒンジ領域が得られる。

【0025】

いくつかの実施形態では、2つの別々の分子をヒンジ又はリンカー、例えば配列番号2の amino 酸配列として用いることができる (CD8a/GS3)。いくつかの実施形態では、アドレナリン受容体の一部がヒンジ又はリンカーとして用いられる。いくつかの実施形態では、2アドレナリン受容体の一部が用いられる。一実施形態では、配列番号40の核酸配列によってコードされる、2アドレナリン受容体の細胞外ドメインが用いられる。いくつかの実施形態では、配列番号42の核酸配列によってコードされる、2アドレナリン受容体の第1の膜貫通らせんが用いられる。実施形態に応じて、これらの2つの2アドレナリン受容体部分がキメラ受容体と一緒に用いられる。いくつかの実施形態では、細胞外受容体ドメインは、配列番号4の核酸配列を含むCD8aシグナルペプチドをさらに含む。任意選択により、実施形態に応じて、他のシグナルペプチドが用いられる。シグナルペプチドは、いくつかの実施形態に従い、多量体形式で用いられ得る。

10

【0026】

いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、1つ以上のヘミITAM配列を含む。いくつかのかかる実施形態では、ヘミITAMは、amino 酸モチーフDGYXL (式中、Xは、任意の amino 酸である; 配列番号14) を含む。複数のヘミITAMがいくつかの実施形態において用いられる。いくつかの実施形態では、ヘミITAMは、NKp80を含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、1つ以上のITSM配列を含む。ITSM配列は、いくつかの実施形態では、ヘミITAMモチーフと併用される。いくつかの実施形態では、ITSMは、amino 酸モチーフS/TXYXL/I (式中、Xは、任意の amino 酸である; 配列番号15) である。いくつかの実施形態では、エフェクターは、2B4ドメインを含む。

20

【0027】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、GS3リンカー、CD8aヒンジ、CD16膜貫通/細胞内ドメイン及び4-1BBに共役されたNKG2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、GS3リンカー、CD16膜貫通/細胞内ドメイン及び4-1BBに共役されたNKG2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD16膜貫通/細胞内ドメイン及び4-1BBに共役されたNKG2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、4-1BB及び2B4に共役されたNKG2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、アドレナリン細胞外ドメイン、アドレナリン膜貫通ドメイン、4-1BB及び2B4に共役されたNKG2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、4-1BB、2B4、GS3リンカー及びNKp80に共役されたNKG2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、4-1BB、GS3リンカー及びNKp80に共役されたNKG2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、NKG2Dの断片を含み、この断片は、GS3リンカー、追加的なNKG2D断片、アドレナリン細胞外ドメイン、アドレナリン膜貫通ドメイン、4-1BB、追加的なGS3リンカー及びNKp80に共役されている、コドン最適化されている配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、GS3リンカー、追加的なNKG2D断片、CD8aヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、4-1BB、追加的なGS3リンカー及びNKp80に共役されている、コドン最適化されているNKG2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、GS3リンカー、

30

40

50

追加的なNK G 2 D断片、CD 8 aヒンジ、CD 1 6膜貫通/細胞内ドメイン及び4 - 1 B Bに共役されている、コドン最適化されているNK G 2 Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD 8 aヒンジ、CD 1 6膜貫通/細胞内ドメイン、4 - 1 B B及び2 B 4に共役されたNK G 2 Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD 8 aヒンジ、CD 1 6膜貫通/細胞内ドメイン、4 - 1 B B、GS 3リンカー及びNK p 8 0に共役されたNK G 2 Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD 8 aヒンジ及びCD 8 a膜貫通ドメインに共役されたNK G 2 Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、エフェクターは、4 - 1 B Bを含む。いくつかのかかる実施形態では、エフェクターは、任意選択により、NK p 8 0、2 B 4、CD 3、D a p 1 0、D a p 1 2、CD 2 8又は本明細書中に提供される他のシグナル伝達ドメインの1つ以上と併せて4 - 1 B Bを含む)。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、CD 3 をさらに含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、2 B 4の細胞内ドメインを含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、D A P 1 0の細胞内ドメインをさらに含む。

10

【0028】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD 8 aヒンジ、CD 8 a膜貫通ドメイン、4 - 1 B B、2 B 4及びCD 3 に共役されたNK G 2 Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号58の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号59のアミノ酸配列を含む。

20

【0029】

加えて、本明細書で開示されるキメラ受容体のいずれかはまた、膜結合性インターロイキン15 (m b I L 1 5)と同時発現され得る。例えば、いくつかの実施形態では、NK G 2 Dの断片である、NK G 2 Dの天然リガンドに結合するペプチドを含む細胞外受容体ドメイン、膜貫通領域、エフェクタードメインを含むキメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このポリヌクレオチドは、膜結合性インターロイキン15 (m b I L 1 5)をコードする追加的な構築物と同時発現される。いくつかの実施形態では、本明細書で考察されるようなキメラ受容体は、m b I L - 1 5と同時発現される。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、4 - 1 B B及びCD 3 を含み、膜貫通領域は、CD 8 aを含む。

30

【0030】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、DNA X活性化タンパク質10 (D A P 1 0)を含まないように操作される。加えて、いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、I T A Mモチーフを含まないように操作される。

【0031】

いくつかの実施形態では、(a)NK G 2 Dの天然リガンドに結合するNK G 2 Dの断片を含む細胞外受容体ドメイン、(b)CD 8 aを含む膜貫通領域、及び(c)4 - 1 B B及び2 B 4又はD A P 1 0の細胞内ドメインを含むエフェクタードメインの1つ、2つ又は全部を含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供される。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、2 B 4、その後の4 - 1 B Bを含む。さらなる実施形態では、エフェクタードメインは、4 - 1 B B、その後の2 B 4を含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、D A P 1 0、その後の4 - 1 B Bを含む。さらなる実施形態では、エフェクタードメインは、4 - 1 B B、その後のD A P 1 0を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD 8 aヒンジ、CD 8 a膜貫通ドメイン、4 - 1 B B及びD A P 1 0に共役されたNK G 2 Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号60の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号61のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD 8 aヒンジ、CD 8 a膜貫通ドメイン、4 - 1 B B、2 B 4及びD A P 1 0に共役されたNK G 2 Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、4 - 1 B B、その後のD A P 1 0、その後の2 B 4を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号62の核酸配列によってコードされる。いくつ

40

50

かの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号63のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、4-1BB、その後の2B4、その後のDAP10を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号64の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号65のアミノ酸配列を含む。

【0032】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、細胞内エフェクタードメインに共役されている、コドン最適化されているNKG2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、NKG2Dの複数の断片が用いられ、例えば、(任意選択によりコドン最適化された)追加的なNKG2D断片が例えばGS3リンカーにより第1の断片に共役される。いくつかの実施形態では、かかるキメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、4-1BB及びCD3をさらに含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号66の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号67のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、ポリヌクレオチドは、膜結合性インターロイキン15(mbIL15)をコードする追加的な構築物と同時発現される。

【0033】

いくつかの実施形態では、NKG2Dの天然リガンドに結合し、且つ配列番号1の断片によってコードされるNKG2Dの断片を含む細胞外受容体ドメイン、CD3膜貫通領域を含む膜貫通領域及びエフェクタードメインを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供される。いくつかの実施形態では、NKG2Dの天然リガンドに結合し、且つ配列番号2によってコードされるNKG2Dの断片を含む細胞外受容体ドメイン、CD3膜貫通領域を含む膜貫通領域及びエフェクタードメインを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供される。いくつかの実施形態では、NKG2Dの天然リガンドに結合し、且つ配列番号3によってコードされるNKG2Dの断片を含む細胞外受容体ドメイン、CD3膜貫通領域を含む膜貫通領域及びエフェクタードメインを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供される。いくつかの実施形態では、NKG2Dの天然リガンドに結合し、且つ配列番号68によってコードされるNKG2Dの断片を含む細胞外受容体ドメイン、CD3膜貫通領域を含む膜貫通領域及びエフェクタードメインを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供される。いくつかの実施形態では、配列番号2、3又は68のいずれかによってコードされるNKG2Dの断片も用いられ得る。いくつかの実施形態では、CD3膜貫通領域は、配列番号69のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、配列番号69の配列の断片、すなわち(二量体を含む)天然CD3サブユニットのシグナル伝達の少なくとも約65%、約75%、約85%又は約95%を伝達する能力を保持する断片も用いられる。いくつかの実施形態では、細胞外受容体ドメインは、CD3膜貫通領域に隣接した追加的な残基をさらに含む。いくつかの実施形態では、追加的なアミノ酸は、天然CD3配列の細胞外残基である。他の実施形態では、追加的なアミノ酸は、無作為に選択される。いくつかの実施形態では、2、3、4、5、6、8、10、15又は20の追加的なアミノ酸が存在する。いくつかの実施形態では、キメラ受容体ドメインは、ヒンジ領域、いくつかの実施形態では、配列番号5の核酸配列によってコードされるCD8aヒンジを含む。いくつかの実施形態では、ヒンジ領域は、配列番号5の核酸配列の断片によってコードされるCD8aヒンジである。実施形態に応じて、この断片は、配列番号5の核酸配列の長さの約75%、約80%、約85%、約90%、約95%である。実施形態に応じて、この断片は、配列番号5の核酸配列に対して約75%、約80%、約85%、約90%、約95%、約98%又は約99%相同である。いくつかの実施形態では、細胞外受容体ドメインは、CD8aシグナルペプチドをさらに含み、実施形態に応じて、配列番号4の核酸配列を含み得る。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、4-1BBを含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、CD16細胞内ドメインを含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、(構築物中の「第1」対「第2」である部分のいずれかとともに)4-1BB及びCD16を含む。いくつかの実施形態では、4-1B

10

20

30

40

50

B及び/又はCD16の1つ以上の反復が用いられる。

【0034】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD3 膜貫通領域及び4-1BBを含むエフェクタードメインに共役されている、コドン最適化されているNK G2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号78の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号79のアミノ酸配列を含む。

【0035】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD3 膜貫通領域及びCD16、その後の4-1BBを含むエフェクタードメインに共役されている、コドン最適化されているNK G2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号71のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号70の核酸配列によってコードされる。

10

【0036】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD3 膜貫通領域及び4-1BB、その後のCD16を含むエフェクタードメインに共役されている、任意選択によりGS3リンカーによって共役されている、コドン最適化されているNK G2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号85のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号84の核酸配列によってコードされる。

20

【0037】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、GS3リンカー、追加的なNK G2D断片、CD8aヒンジ、CD3 膜貫通領域並びにCD16及び4-1BBを含むエフェクタードメインに共役されている、コドン最適化されているNK G2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号72の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号73のアミノ酸配列を含む。

【0038】

いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、NKp80を含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、NKp80である。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD3 膜貫通領域並びにCD16、4-1BB及びNKp80を含むエフェクタードメイン、また任意選択によりGS3リンカーなどに共役されたNK G2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号74の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号75のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、GS3リンカー、追加的なNK G2D断片(任意選択によりコドン最適化された)、CD8aヒンジ、CD3 膜貫通領域並びにCD16、4-1BB及びNKp80を含むエフェクタードメイン、また任意選択によりGS3リンカーなどに共役されている、コドン最適化されているNK G2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号76の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号77のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD3 膜貫通領域並びに4-1BB及びNKp80を含むエフェクタードメイン、また任意選択によりGS3リンカーなどに共役されている、コドン最適化されているNK G2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号82の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号83のアミノ酸配列を含む。

30

40

【0039】

いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、CD3 を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD3 膜貫通領域並びに4-1BB及びCD3 を含むエフェクタードメインに共役されている、コドン最適化されているNK G2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号80の核酸配列

50

によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号 81 のアミノ酸配列を含む。

【0040】

いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、FcR を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8a ヒンジ、CD3 膜貫通領域並びに 4-1BB 及び FcR を含むエフェクタードメインに共役された NKG2D の断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号 86 の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号 87 のアミノ酸配列を含む。

【0041】

いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、CD28 を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8a ヒンジ、CD3 膜貫通領域並びに CD28 及び CD3 を含むエフェクタードメインに共役された NKG2D の断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号 102 の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号 103 のアミノ酸配列を含む。

10

【0042】

いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、GS リンカーを含む。

【0043】

いくつかの実施形態では、本明細書で開示されるポリヌクレオチドは、膜結合性インターロイキン 15 (mbIL15) と同時発現される。

【0044】

20

いくつかの実施形態では、NKG2D の天然リガンドに結合する能力があり、且つ配列番号 1 の配列、配列番号 2 の配列、配列番号 3 の配列又は配列番号 68 の配列のいずれか 1 つの断片によってコードされる NKG2D の断片を含む細胞外受容体ドメイン並びに膜貫通領域及び細胞内シグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドである。いくつかの実施形態では、NKG2D の天然リガンドに結合する能力があり、且つ (i) 配列番号 1 の配列の断片、(ii) 配列番号 2 の配列、(iii) 配列番号 3 の配列、又は (iv) 配列番号 68 の配列によってコードされる NKG2D の断片を含む細胞外受容体ドメイン並びに膜貫通領域及び細胞内シグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供される。いくつかの実施形態では、NKG2D の天然リガンドに結合する能力があり、且つ配列番号 2 の配列によってコードされる NKG2D の断片を含む細胞外受容体ドメイン並びに膜貫通領域及び細胞内シグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドである。いくつかの実施形態では、NKG2D の天然リガンドに結合する能力があり、且つ配列番号 3 の配列によってコードされる NKG2D の断片を含む細胞外受容体ドメイン並びに膜貫通領域及び細胞内シグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドである。いくつかの実施形態では、NKG2D の天然リガンドに結合する能力があり、且つ配列番号 68 の配列の断片によってコードされる NKG2D の断片を含む細胞外受容体ドメイン並びに膜貫通領域及び細胞内シグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドである。いくつかの実施形態では、細胞外受容体ドメインは、ヒンジ領域を含む。いくつかの実施形態では、ヒンジ領域は、配列番号 5 の核酸配列又は任意選択により配列番号 5 の核酸配列の断片 (例えば、配列番号 5 に対して約 75%、約 85%、約 95% 相同である断片) によってコードされる CD8a ヒンジである。いくつかの実施形態では、ヒンジ領域は、配列番号 104 の核酸配列によってコードされる免疫グロブリン G4 (IgG4) ヒンジである。いくつかの実施形態では、ヒンジ領域は、配列番号 104 の核酸配列の断片 (例えば、配列番号 104 に対して約 75%、約 85%、約 95% 相同である断片) によってコードされる免疫グロブリン G4 (IgG4) ヒンジである。いくつかの実施形態では、細胞外受容体ドメインは、配列番号 4 の核酸配列を含む CD8a シグナルペプチドをさらに含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、OX40 (CD134)、CD3

30

40

50

、4-1BB、CD28及びDAP12からなる群から選択される少なくとも1つのシグナル伝達ドメインを含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体膜貫通ドメインは、CD8膜貫通ドメインを含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、4-1BB及びCD3zに共役されたNKG2Dの断片に（任意選択によりGS3リンカーにより）連結されたIL-15を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号88の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号89のアミノ酸配列を含む。

【0045】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、IgG4ヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、4-1BB及びCD3に共役されたNKG2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号96の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号97のアミノ酸配列を含む。

10

【0046】

いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、OX40を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、OX40及びCD3zに共役されたNKG2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号90の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号109の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号91のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、IgG4ヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、OX40及びCD3に共役されたNKG2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号100の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号101のアミノ酸配列を含む。

20

【0047】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD28膜貫通/細胞内ドメインを含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD28膜貫通/細胞内ドメイン及びCD3に共役されたNKG2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号92の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号93のアミノ酸配列を含む。

【0048】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD28膜貫通/細胞内ドメイン、4-1BB及びCD3に共役されたNKG2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号94の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号95のアミノ酸配列を含む。

30

【0049】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、IgG4ヒンジ、CD28膜貫通/細胞内ドメイン及びCD3に共役されたNKG2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号98の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号99のアミノ酸配列を含む。

【0050】

いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、GSリンカーを含む。いくつかの実施形態では、本明細書で開示されるポリヌクレオチドは、膜結合性インターロイキン15(mbIL15)と(同じポリヌクレオチド上又は別のポリヌクレオチド上のいずれかで)同時発現されるように設計される。

40

【0051】

キメラ受容体のいずれかは、任意選択により、NKG2Dの天然リガンドに結合する第2のペプチドを含む細胞外受容体ドメインを含み得る。いくつかの実施形態では、第2のペプチドは、NKG2Dと相同である一方、他の実施形態では、第2のペプチドは、NKG2Dについて異種である。キメラ受容体が二量体化された細胞外受容体ドメインを含むか否かにかかわらず、細胞外受容体ドメインは、NKG2Dの少なくとも以下の天然リガ

50

ンド：MICA、MICB、ULBP1、ULBP2、ULBP3、ULBP4、ULBP5又はULBP6を認識し得る。

【0052】

以下により詳細に考察される通り、NKG2Dリガンド結合ドメインの機能的変異体がいくつかの実施形態において用いられる。例えば、NKG2Dの天然リガンドに結合するペプチドは、いくつかの実施形態では、配列番号1、配列番号2、配列番号3又は配列番号68に対して少なくとも80%相同である。いくつかの実施形態では、NKG2Dの天然リガンドに結合するペプチドは、配列番号1、配列番号2、配列番号3又は配列番号68に対して少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同である。

10

【0053】

加えて、いくつかの実施形態では、キメラ受容体を発現するためのベクターが本明細書に提供される。いくつかの実施形態では、本明細書に提供されるポリヌクレオチドは、mRNAであり、キメラ受容体の発現のための少なくとも1つの調節エレメントに対する作動可能な結合を含み得る。いくつかの実施形態では、ポリヌクレオチドは、1つ以上の内部リボソーム進入部位(IRES)をさらに含む。いくつかの実施形態では、ベクターは、レトロウイルスである。

【0054】

いくつかの実施形態では、本明細書で開示されるキメラ受容体構築物のいずれかを発現する操作されたナチュラルキラー細胞も提供され、操作されたNK細胞は、標的細胞に対する増強された細胞傷害性効果を示す。増強された細胞傷害性効果は、限定されないが、標的(例えば、癌性)細胞に対する、正常(例えば、非癌性)細胞と比べてより高い親和性、標的細胞に特異的なより大きい殺滅効果、低下したオフターゲット効果、細胞傷害性効果の持続時間の増加、より効率的な細胞傷害性などを含む。かかる増強効果は、様々なインビトロ細胞傷害性アッセイの使用(例えば、サイトカイン産生の測定など)、標的細胞死の測定又は様々な臨床成績(例えば腫瘍量の減少)を通じて同定可能である。いくつかの実施形態では、操作されたNK細胞は、患者から単離された自家細胞である。さらなる実施形態では、操作されたNK細胞は、ドナーから単離された同種細胞から作製される。いくつかの実施形態では、本明細書で開示されるような操作されたNK細胞が用いられ、かかるNK細胞を投与することにより、NK細胞の細胞傷害性の増強を、それを必要とする哺乳動物において行う。いくつかの実施形態では、哺乳動物における癌又は感染性疾患を治療又は予防するため、これらの操作されたNK細胞が用いられる。いくつかの実施形態では、(例えば、癌又は感染性疾患を治療又は予防するために)NK細胞の細胞傷害性を増強するための薬剤の製造において、本明細書で開示される様々なキメラ受容体をコードするポリヌクレオチド、それらを担持するベクター及びそれらを発現するNK細胞を用いることもできる。いくつかの実施形態では、本明細書で開示されるキメラ受容体構築物は、操作されたNK細胞の正常細胞に対する細胞傷害性を増強することが有意でなく、また本明細書に記載の通り、非操作NK細胞と比べて有利に改善される。いくつかの実施形態では、細胞外受容体ドメイン、膜貫通領域及びエフェクタードメインを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供される。いくつかの実施形態では、細胞外受容体ドメインは、ナチュラルキラーグループ2メンバーD(NKG2D)の天然リガンドに結合するペプチドを含み、NKG2Dの天然リガンドに結合するペプチドは、NKG2Dの断片である。いくつかの実施形態は、(a)ナチュラルキラーグループ2メンバーD(NKG2D)の天然リガンドに結合するペプチドを含む細胞外受容体ドメインであって、NKG2Dの天然リガンドに結合するペプチドは、NKG2Dの断片であり、NKG2Dの断片は、(i)配列番号1の配列の断片、(ii)配列番号2の配列、(iii)配列番号3の配列、又は(iv)配列番号68の配列を含むポリヌクレオチドによってコードされる、細胞外受容体ドメイン、(b)膜貫通領域、及び(c)エフェクタードメインを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドに関する。

20

30

40

【0055】

50

いくつかの実施形態では、(a) ナチュラルキラーグループ2メンバーD (NKGD2D) の天然リガンドに結合するペプチドを含む細胞外受容体ドメインであって、NKGD2D の天然リガンドに結合するペプチドは、NKGD2D の断片であり、NKGD2D の断片は、(i) 配列番号1の配列の断片、(ii) 配列番号2の配列、(iii) 配列番号3の配列、(iv) 又は配列番号68の配列を含むポリヌクレオチドによってコードされる細胞外受容体ドメイン；及び(b) 膜貫通領域及び細胞内シグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供される。

【0056】

いくつかの実施形態では、膜貫通領域は、CD3 膜貫通領域を含む。いくつかの実施形態では、CD3 膜貫通領域は、配列番号69のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、膜貫通領域は、CD8aを含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、4-1BB、2B4の細胞内ドメイン、NKp80、CD16細胞内ドメイン、天然細胞傷害誘発受容体1(NCR1)、天然細胞傷害誘発受容体2(NCR2)、天然細胞傷害誘発受容体3(NCR3)及び/又はDAP10の細胞内ドメインを含む。一実施形態では、エフェクタードメインは、4-1BB及びCD16を含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、4-1BB及びCD3を含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、4-1BB及び2B4又はDAP10の細胞内ドメインを含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、2B4、その後の4-1BBを含む一方、他の実施形態では、エフェクタードメインは、4-1BB、その後の2B4を含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、DAP10、その後の4-1BBを含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、4-1BB、その後のDAP10を含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、CD3をさらにも含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、OX40(CD134)、CD3、4-1BB、CD28及びDAP12からなる群から選択される少なくとも1つのシグナル伝達ドメインを含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、1つ以上のヘミITAM配列を含む。いくつかの実施形態では、ヘミITAMは、配列番号14のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、ヘミITAMは、配列番号37のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、1つ以上のITSM配列を含む。いくつかの実施形態では、ITSMは、配列番号15のアミノ酸配列又は配列番号35のアミノ酸配列を含む。

【0057】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、4-1BB、2B4及びCD3に共役されたNKGD2Dの断片を含む。一実施形態では、キメラ受容体は、配列番号58の核酸配列によってコードされる。一実施形態では、キメラ受容体は、配列番号59のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、4-1BB及びDAP10に共役されたNKGD2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号60の核酸配列によってコードされ、配列番号61のアミノ酸配列を含む。

【0058】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、4-1BB、2B4及びDAP10に共役されたNKGD2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、4-1BB、その後のDAP10、その後の2B4を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号62の核酸配列によってコードされ、キメラ受容体は、配列番号63のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、4-1BB、その後の2B4、その後のDAP10を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号64の核酸配列によってコードされ、キメラ受容体は、配列番号65のアミノ酸配列を含む。

【0059】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、GS3リンカー、追加的なNKGD2D断片、CD8aヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、4-1BB及びCD3に共役されている

10

20

30

40

50

、コドン最適化されているNKG2Dの断片を含む。一実施形態では、キメラ受容体は、配列番号66の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号67のアミノ酸配列を含む。

【0060】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD3 膜貫通領域及び4-1BBを含むエフェクタードメインに共役されている、コドン最適化されているNKG2Dの断片を含み、配列番号78の核酸配列によってコードされ、且つ/又は配列番号79のアミノ酸配列を含む。

【0061】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD3 膜貫通領域及びCD16、その後の4-1BBを含むエフェクタードメインに共役されている、コドン最適化されているNKG2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号70の核酸配列によってコードされ、且つ/又は配列番号71のアミノ酸配列を含む。

10

【0062】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD3 膜貫通領域並びに4-1BB、その後のGS3リンカー及びCD16を含むエフェクタードメインに共役されている、コドン最適化されているNKG2Dの断片を含む。一実施形態では、キメラ受容体は、配列番号85のアミノ酸配列を含み、且つ/又は配列番号84の核酸配列によってコードされる。

20

【0063】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、GS3リンカー、追加的なNKG2D断片、CD8aヒンジ、CD3 膜貫通領域並びにCD16及び4-1BBを含むエフェクタードメインに共役されている、コドン最適化されているNKG2Dの断片を含む。一実施形態では、キメラ受容体は、配列番号72の核酸配列によってコードされ、且つ/又は配列番号73のアミノ酸配列を含む。

【0064】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、4-1BB及びCD3 に共役されたNKG2Dの断片にGS3リンカーにより連結されたIL-15を含み、配列番号88の核酸配列によってコードされ、且つ/又は配列番号89のアミノ酸配列を含む。

30

【0065】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、IgG4ヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、4-1BB及びCD3 に共役されたNKG2Dの断片を含み、配列番号96の核酸配列によってコードされ、且つ/又は配列番号97のアミノ酸配列を含む。

【0066】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、OX40及びCD3zに共役されたNKG2Dの断片を含み、配列番号90の核酸配列によってコードされ、且つ/又は配列番号91のアミノ酸配列を含む。

【0067】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、IgG4ヒンジ、CD8a膜貫通ドメイン、OX40及びCD3 に共役されたNKG2Dの断片を含み、配列番号100の核酸配列によってコードされ、且つ/又は配列番号101のアミノ酸配列を含む。

40

【0068】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD28膜貫通/細胞内ドメイン及びCD3 に共役されたNKG2Dの断片を含み、配列番号92の核酸配列によってコードされ、且つ/又は配列番号93のアミノ酸配列を含む。

【0069】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD28膜貫通/細胞内ドメイン、4-1BB及びCD3 に共役されたNKG2Dの断片を含み、配列番号94

50

の核酸配列によってコードされ、且つ／又は配列番号 95 のアミノ酸配列を含む。

【0070】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、I g G 4 ヒンジ、C D 2 8 膜貫通 / 細胞内ドメイン及び C D 3 に共役された N K G 2 D の断片を含み、配列番号 98 の核酸配列によってコードされ、且つ／又は配列番号 99 のアミノ酸配列を含む。

【0071】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、C D 8 a ヒンジ、C D 3 膜貫通領域並びに C D 1 6、4 - 1 B B、G S 3 リンカー及び N K p 8 0 を含むエフェクタードメインに共役された N K G 2 D の断片を含む。一実施形態では、キメラ受容体は、配列番号 74 の核酸配列によってコードされ、且つ／又は配列番号 75 のアミノ酸配列を含む。

10

【0072】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、G S 3 リンカー、追加的な N K G 2 D 断片、C D 8 a ヒンジ、C D 3 膜貫通領域並びに C D 1 6、4 - 1 B B、G S 3 リンカー及び N K p 8 0 を含むエフェクタードメインに共役されている、コドン最適化されている N K G 2 D の断片を含む。一実施形態では、キメラ受容体は、配列番号 76 の核酸配列によってコードされ、且つ／又は配列番号 77 のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、C D 8 a ヒンジ、C D 3 膜貫通領域並びに 4 - 1 B B、G S 3 リンカー及び N K p 8 0 を含むエフェクタードメインに共役されている、コドン最適化されている N K G 2 D の断片を含む。一実施形態では、キメラ受容体は、配列番号 82 の核酸配列によってコードされ、且つ／又は配列番号 83 のアミノ酸配列を含む。

20

【0073】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、C D 8 a ヒンジ、C D 3 膜貫通領域並びに 4 - 1 B B 及び C D 3 を含むエフェクタードメインに共役されている、コドン最適化されている N K G 2 D の断片を含む。一実施形態では、キメラ受容体は、配列番号 80 の核酸配列によってコードされ、且つ／又は配列番号 81 のアミノ酸配列を含む。

【0074】

実施形態に応じて、エフェクタードメインは、F c R も含み得る。例えば、いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、C D 8 a ヒンジ、C D 3 膜貫通領域並びに 4 - 1 B B 及び F c R を含むエフェクタードメインに共役された N K G 2 D の断片を含む。一実施形態では、キメラ受容体は、配列番号 86 の核酸配列によってコードされ、且つ／又は配列番号 87 のアミノ酸配列を含む。

30

【0075】

実施形態に応じて、エフェクタードメインは、C D 2 8 も含み得る。例えば、いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、C D 8 a ヒンジ、C D 3 膜貫通領域並びに C D 2 8 及び C D 3 を含むエフェクタードメインに共役された N K G 2 D の断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号 102 の核酸配列によってコードされ、且つ／又は配列番号 103 のアミノ酸配列を含む。

【0076】

いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、G S リンカーを含む。

【0077】

いくつかの実施形態では、細胞外受容体ドメインは、C D 8 a シグナルペプチドをさらに含み、シグナルペプチドは、配列番号 4 の核酸配列を含む。いくつかの実施形態では、細胞外受容体ドメインは、C D 3 膜貫通領域に直に隣接した C D 3 の 2 つの細胞外残基をさらに含む。いくつかの実施形態では、細胞外受容体ドメインは、C D 8 a シグナルペプチドを含み、シグナルペプチドは、配列番号 4 の核酸配列を含む。

40

【0078】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、1 つ以上の G S 3 リンカーを含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体ドメインは、ヒンジ領域を含む。いくつかの実施形態では、ヒンジ領域は、配列番号 5 の核酸配列によってコードされる一方、いくつかの実施形態では、ヒンジ領域は、配列番号 5 の核酸配列の断片によってコードされる。いくつかの

50

実施形態では、ヒンジ領域は、CD8aヒンジである。いくつかの実施形態では、ヒンジ領域は、配列番号31のアミノ酸配列を有するグリシン-セリン反復モチーフを含む。いくつかの実施形態では、ヒンジ領域は、配列番号32のアミノ酸配列を含み、いくつかの実施形態では、ヒンジ領域は、配列番号33のアミノ酸配列を含む。さらなる実施形態では、ヒンジ領域は、配列番号34の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、ヒンジ領域は、アドレナリン受容体の一部を含む。いくつかのかかる実施形態では、ヒンジ領域は、配列番号40の核酸配列によってコードされる。さらなる実施形態では、ヒンジ領域は、配列番号42の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、ヒンジ領域は、配列番号104の核酸配列によってコードされる免疫グロブリンG4 (IgG4)ヒンジである。いくつかの実施形態では、ヒンジ領域は、配列番号104の核酸配列の断片によってコードされる免疫グロブリンG4 (IgG4)ヒンジである。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ及びCD8a膜貫通ドメインに共役されたNKG2Dの断片を含む。

10

20

30

40

50

【0079】

一実施形態では、キメラ受容体は、CD16に共役されたNKG2Dの断片を含み、配列番号23の核酸配列によってコードされ、且つ/又は配列番号24のアミノ酸配列を含む。一実施形態では、キメラ受容体は、NCR1に共役されたNKG2Dの断片を含む。いくつかのかかる実施形態では、キメラ受容体は、配列番号27の核酸配列によってコードされ、且つ/又は配列番号28のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号21のアミノ酸配列の少なくとも一部を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、NCR3に共役されたNKG2Dの断片を含み、いくつかの実施形態では、配列番号29の核酸配列によってコードされ、且つ/又は配列番号30のアミノ酸配列を含む。

【0080】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD16膜貫通/細胞内ドメイン及び4-1BBに共役されたNKG2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8aヒンジ、CD16膜貫通/細胞内ドメイン及び4-1BBに共役されたNKG2Dの断片を含み、配列番号25の核酸配列によってコードされ、且つ/又は配列番号26のアミノ酸配列を含む。

【0081】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、NCR1及び4-1BBに共役されたNKG2Dの断片を含み、キメラ受容体は、配列番号20のNCR1アミノ酸配列を含む。

【0082】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD8a、4-1BB及びCD3zに共役されたNKG2Dの断片を含み、配列番号18の核酸配列によってコードされ、且つ/又は配列番号19のアミノ酸配列を含む。

【0083】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、NCR3及び4-1BBに共役されたNKG2Dの断片を含み、NCR3は、配列番号22のアミノ酸配列を含む。一実施形態では、キメラ受容体は、配列番号20のNCR1膜貫通/細胞内ドメイン又は配列番号22のNCR3膜貫通/細胞内ドメインの1つ以上を含む。

【0084】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、GS3リンカー、CD8aヒンジ、CD16膜貫通/細胞内ドメイン及び4-1BBに共役されたNKG2Dの断片を含む。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号43の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、GS3リンカー、CD16膜貫通/細胞内ドメイン及び4-1BBに共役されたNKG2Dの断片を含む。一実施形態では、キメラ受容体は、配列番号44の核酸配列によってコードされる。

【0085】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD16膜貫通/細胞内ドメイン及び4-

1 B B に共役された N K G 2 D の断片を含み、配列番号 4 5 の核酸配列によってコードされる。

【0086】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、C D 8 a ヒンジ、C D 8 a 膜貫通ドメイン、4 - 1 B B 及び 2 B 4 に共役された N K G 2 D の断片を含み、配列番号 4 6 の核酸配列によってコードされる。

【0087】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、アドレナリン細胞外ドメイン、アドレナリン膜貫通ドメイン、4 - 1 B B 及び 2 B 4 に共役された N K G 2 D の断片を含み、配列番号 4 7 の核酸配列によってコードされる。

10

【0088】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、C D 8 a ヒンジ、C D 8 a 膜貫通ドメイン、4 - 1 B B、2 B 4、G S 3 リンカー及び N K p 8 0 に共役された N K G 2 D の断片を含み、配列番号 4 8 の核酸配列によってコードされる。

【0089】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、C D 8 a ヒンジ、C D 8 a 膜貫通ドメイン、4 - 1 B B、G S 3 リンカー及び N K p 8 0 に共役された N K G 2 D の断片を含み、配列番号 4 9 の核酸配列によってコードされる。

【0090】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、G S 3 リンカー、追加的な N K G 2 D 断片、アドレナリン細胞外ドメイン、アドレナリン膜貫通ドメイン、4 - 1 B B、追加的な G S 3 リンカー及び N K p 8 0 に共役されている、コドン最適化されている N K G 2 D の断片を含み、配列番号 5 0 の核酸配列によってコードされる。

20

【0091】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、G S 3 リンカー、追加的な N K G 2 D 断片、C D 8 a ヒンジ、C D 8 a 膜貫通ドメイン、4 - 1 B B、追加的な G S 3 リンカー及び N K p 8 0 に共役されている、コドン最適化されている N K G 2 D の断片を含み、配列番号 5 1 の核酸配列によってコードされる。

【0092】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、G S 3 リンカー、追加的な N K G 2 D 断片、C D 8 a ヒンジ、C D 1 6 膜貫通 / 細胞内ドメイン及び 4 - 1 B B に共役されている、コドン最適化されている N K G 2 D の断片を含み、配列番号 5 2 の核酸配列によってコードされる。

30

【0093】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、C D 8 a ヒンジ、C D 1 6 膜貫通 / 細胞内ドメイン、4 - 1 B B 及び 2 B 4 に共役された N K G 2 D の断片を含み、配列番号 5 3 の核酸配列によってコードされる。

【0094】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、C D 8 a ヒンジ、C D 1 6 膜貫通 / 細胞内ドメイン、4 - 1 B B、G S 3 リンカー及び N K p 8 0 に共役された N K G 2 D の断片を含み、配列番号 5 4 の核酸配列によってコードされる。

40

【0095】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体構築物は、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドによってコードされ、細胞外受容体ドメインは、N K G 2 D の天然リガンド（例えば、M I C A、M I C B、U L B P 1、U L B P 2、U L B P 3、U L B P 4、U L B P 5 又は U L B P 6 の 1 つ以上に結合する第 2 のペプチドを含む。実施形態に応じて、N K G 2 D の天然リガンドに結合するペプチドは、配列番号 1、配列番号 2 又は配列番号 3 に対して少なくとも 8 0 % 相同である。

【0096】

いくつかの実施形態では、ポリヌクレオチドは、膜結合性インターロイキン 1 5 (m b

50

I L 1 5) をコードする追加的な構築物と同時発現される。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号 1 8 の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、配列番号 1 9 のアミノ酸配列によってコードされる。

【 0 0 9 7 】

いくつかの実施形態によると、キメラ受容体は、DNA X 活性化タンパク質 1 0 (D A P 1 0) を含まず、且つ / 又はキメラ受容体は、免疫受容体チロシンに基づく活性化 (I T A M) モチーフをコードしない。

【 0 0 9 8 】

いくつかの実施形態では、本明細書で開示されるポリヌクレオチドは、mRNA である。加えて、いくつかの実施形態では、本明細書で開示されるポリヌクレオチドは、キメラ受容体の発現のため、少なくとも 1 つの調節エレメントに作動可能に連結される。

10

【 0 0 9 9 】

本明細書では、本明細書で開示されるポリヌクレオチドを含むベクターも提供される。いくつかの実施形態では、ポリヌクレオチドは、キメラ受容体の発現のため、少なくとも 1 つの調節エレメントに作動可能に連結される。いくつかの実施形態では、ベクターは、レトロウイルスである。

【 0 1 0 0 】

本明細書では、本明細書で開示されるポリヌクレオチドのいずれか 1 つ以上を含む遺伝子操作されたナチュラルキラー細胞も提供される。いくつかの実施形態では、ナチュラルキラー細胞は、自家使用を目的とする一方、いくつかの実施形態では、同種使用を目的とする。

20

【 0 1 0 1 】

本明細書では、NK 細胞の細胞傷害性の増強を、それを必要とする哺乳動物において行う方法であって、NK 細胞を哺乳動物に投与することを含み、前記 NK 細胞は、本明細書で開示されるポリヌクレオチドによってコードされるキメラ受容体を発現する、方法も提供される。

【 0 1 0 2 】

加えて、癌又は感染性疾患の治療又は予防を、それを必要とする哺乳動物において行うための方法であって、治療有効量の NK 細胞を前記哺乳動物に投与することを含み、前記 NK 細胞は、本明細書で開示されるポリヌクレオチドによってコードされるキメラ受容体を発現する、方法が提供される。上で開示される通り、NK 細胞は、同種又は自家であり得る。

30

【 0 1 0 3 】

NK 細胞の細胞傷害性の増強を、それを必要とする哺乳動物において行うための薬剤の製造における、本明細書で開示されるようなポリヌクレオチドの使用が提供される。さらに、癌又は感染性疾患の治療又は予防を、それを必要とする哺乳動物において行うための薬剤の製造におけるポリヌクレオチドの使用が提供される。

【 0 1 0 4 】

NK 細胞の細胞傷害性の増強を、それを必要とする哺乳動物において行うための薬剤の製造における、本明細書で開示されるポリヌクレオチドを含むベクターの使用も提供される。癌又は感染性疾患の治療又は予防を、それを必要とする哺乳動物において行うための薬剤の製造における、本明細書で開示されるポリヌクレオチドを含むベクターの使用も提供される。

40

【 0 1 0 5 】

NK 細胞の細胞傷害性の増強を、それを必要とする哺乳動物において行うための、本明細書で開示されるようなキメラ受容体を発現する単離された遺伝子操作されたナチュラルキラー細胞の使用も提供される。癌又は感染性疾患の治療又は予防を、それを必要とする哺乳動物において行うための、本明細書で開示されるようなキメラ受容体を発現する単離された遺伝子操作されたナチュラルキラー細胞の使用も提供される。

【 0 1 0 6 】

50

上で概説され、以下でさらに詳細に示される組成物及び関連の方法は、施術者によってとられる特定の行動を説明するが、それらが別の団体によるそれら行動の指示も含み得ることが理解されるべきである。したがって、「キメラ受容体を発現するNK細胞の集団を投与すること」などの行動は、「キメラ受容体を発現するNK細胞の集団の投与を指示すること」を含む。

【0107】

下図の説明は、本明細書で開示される本発明の非限定的な実施形態を表す実験及び結果に関する。

【図面の簡単な説明】

【0108】

【図1A - 1C】本明細書で開示されるいくつかの実施形態に従うキメラ受容体の概略図を示す。図1Aは、内因性NK G2Dを示し、図1Bは、NK G2D - DAP10 - CD3を示し、図1Cは、NK G2D - 41BB - CD3を示す。

【図2A - 2B】本明細書で開示されるいくつかの実施形態に従うキメラ受容体の概略図を示す。図2Aは、NK G2D - CD16を示し、図2Bは、NK G2D - CD16 - 41BBを示す。

【図3A - 3B】いくつかの実施形態に従う特定の構築物のプラスミドへの挿入のポイントを例示するプラスミドマップを示し、マウス幹細胞ウイルス(MSCV)プラスミドが例示される。図3Aは、ベクター内のIRES - GFP配列が除去され、EcoRI及びNotI制限部位に挿入された、NK G2D - DAP10 - CD3及びNK G2D - 41BB - CD3における遺伝子構築物を示す。図3Bは、複数のクローニング部位(MCS)に位置するEcoRI及びXhoI制限部位に挿入された、NK G2D - CD16及びNK G2D - CD16 - 41BBに対するプラスミドを示す。ベクター内のIRES - GFP配列は、形質導入効率の追跡を可能にする。

【図4A - 4C】NK細胞におけるNK G2D - DAP10 - CD3及びNK G2D - 41BB - CD3の発現に関するデータを示す。図4Aは、形質導入後のNK G2D陽性NK細胞の百分率を例示するフローサイトメトリーデータを示す。図4Bは、NK G2D陽性NK細胞の百分率を要約するドットプロットを示す。図4Cは、形質導入後のNK細胞の異なる群における平均蛍光強度(MFI)に関するデータを示す。

【図5A - 5C】培養されたREH細胞に対するドナー1、ドナー2及びドナー3(それぞれ図5A、5B及び5C)からのNK細胞から作成された様々な構築物の細胞傷害性に関するデータを示す。

【図6A - 6C】培養されたU-2 OS細胞に対するドナー1、ドナー2及びドナー3(それぞれ図6A、6B及び6C)からのNK細胞から作成された様々な構築物の細胞傷害性に関するデータを示す。

【図7A - 7B】REH細胞による刺激の存在下及び不在下での様々なNK G2D構築物を発現するNK細胞によるインターフェロンの産生に関するデータを示す。図7Aは、REH細胞による刺激の存在下及び不在下でのNK細胞の異なる群におけるIFNの相対量を示す。図7Bは、刺激後でのNK細胞の異なる群間でのIFNのレベルを示す(中央値で表される)。

【図8A - 8C】NK細胞におけるNK G2D - DAP10 - CD3及びNK G2D - CD16の発現に関するデータを示す。図8Aは、形質導入後のNK G2D陽性NK細胞の百分率を例示するフローサイトメトリーデータを示す。図8Bは、NK G2D陽性NK細胞の百分率を要約するドットプロットを示す。図8Cは、形質導入後のNK細胞の異なる群における平均蛍光強度(MFI)に関するデータを示す。

【図9A - 9C】培養されたREH細胞に対するドナー3名(それぞれ図9A、9B及び9C)からのNK細胞から作成された様々な構築物の細胞傷害性に関するデータを示す。

【図10A - 10C】培養されたU-2 OS細胞に対するドナー3名(それぞれ図10A、10B及び10C)からのNK細胞から作成された様々な構築物の細胞傷害性に関するデータを示す。

10

20

30

40

50

【図11】REH細胞による刺激の存在下及び不在下で様々なNKGD構築物を発現するNK細胞によるインターフェロンの産生に関するデータを示す。

【図12A-12B】NK細胞におけるNKGD-DAP10-CD3及びNKGD-D-CD16-41BBの発現に関するデータを示す。図12Aは、形質導入後のNKGD陽性NK細胞の百分率を例示するフローサイトメトリーデータを示す。図12Bは、NK細胞上での様々な構築物の表面発現の相対量に関するヒストグラムを示す。

【図13A-13B】様々なNKGD構築物の細胞傷害性の程度に関するデータを示す。図13Aは、培養されたREH細胞に対する細胞傷害性の程度を示す。図13Bは、培養されたU2OS細胞に対する細胞傷害性の程度を示す。

【図14】本明細書で開示されるいくつかの実施形態に従う、いくつかのNKGD構築物の構築物マップを概略的に示す。

【図15】本明細書で開示されるいくつかの実施形態に従う、追加的なNKGD構築物の構築物マップを概略的に示す。

【図16A-16C】NK細胞における様々なNKGD構築物の発現に関するデータを示す。図16Aは、NK細胞における様々なNKGD構築物の平均蛍光強度(MFI)に関するデータを示す。図16Bは、様々なNKGD構築物のドナー2名(505及び870)のNK細胞への形質導入後のNKGD陽性及びCD56陽性NK細胞の百分率を例示するフローサイトメトリーデータを示す。図16Cは、形質導入から7日後のドナー2名からのNK細胞における平均蛍光強度(MFI)に関するデータを示す。

【図17】NK細胞への形質導入から14日後の1:1のE:T比での様々なNKGD構築物の細胞傷害性に関するデータを示す。

【図18A-18B】NK細胞への形質導入後の様々なNKGD構築物の発現に関するデータを示す。図18Aは、形質導入から7日後のNK細胞における平均蛍光強度(MFI)に関するデータを示す。図18Bは、モック形質導入NK細胞と比べた様々なNKGD構築物のMFIにおける倍数変化に関するデータを示す。

【図19A-19B】様々なNKGD構築物の細胞傷害性に関するデータを示す。図19Aは、1:1のE:T比でのNK細胞に形質導入された様々なNKGD構築物の細胞傷害性に関するデータを示す。図19Bは、モック形質導入NK細胞と比べた様々なNKGD構築物の細胞傷害性におけるパーセント変化に関するデータを示す。

【図20】NK細胞への形質導入から14日後の1:1のE:T比での様々なNKGD構築物の細胞傷害性に関するデータを示す。分析前、NK細胞は、40IUのIL-2/mLが添加された培地中で培養された。

【図21】(2日ごとに40IUのIL-2/mLが添加された培地中での4日間の培養を伴う)ドナー238のNK細胞への形質導入から10日後の、様々なNKGD構築物の、1:1及び1:2のE:T比で2時間培養されたREH細胞に対する細胞傷害性に関するデータを示す。

【図22】本明細書で開示される実施形態に従う追加的なNKGD構築物の構築物マップを概略的に示す。

【図23A-23B】2つの異なるドナー(それぞれ図23A及び23Bにおけるドナー61及びドナー103)からのNK細胞から作成された様々なNKGD構築物の持続性に関するデータを示す。NK細胞は、40IUのIL-2/mLが添加された培地中で培養された。

【図24】様々なNKGD構築物の発現に関するデータを示す。NK細胞は、健常ドナー4名(224、225、362及び363)の末梢血単核球(PBMC)から拡大され、指定の構築物の発現を指示するウイルスが形質導入された。形質導入から3日後、NK細胞は、蛍光標識抗NKGD抗体で染色され、フローサイトメトリーを用いて分析された。相対的なNKGDの発現は、標識細胞の平均蛍光強度(MFI)により評価された。

【図25A-25B】様々なNKGD構築物が形質導入されたNK細胞の細胞傷害性に関するデータを示す。NK細胞は、ドナー4名のPBMCから拡大され;形質導入から8

10

20

30

40

50

日後、培養された R E H 及び H L 6 0 細胞（それぞれ図 2 5 A 及び 2 5 B ）に対する N K 細胞傷害性を 1 : 1 の E : T 比で測定した。N K 細胞は、分析前、4 0 I U の I L - 2 / m L が添加された培地中で培養された。

【図 2 6 A - 2 6 C】R E H 腫瘍細胞による一晩刺激後の様々な N K G 2 D 構築物を発現する N K 細胞によるインターフェロン（I F N）、腫瘍壊死因子（T N F）及び顆粒球マクローファージコロニー刺激因子（G M - C S F）の産生に関するデータを示す。指定の構築物の形質導入から 8 日後、 1×10^5 個の N K 細胞を 9 6 ウェル丸底プレートの各ウェル内で 1×10^5 個の R E H 細胞で刺激し；一晩のインキュベーション後、上清を収集し、関連の標準に対するサイトカインレベルを、M e s o S c a l e D i s c o v e r y 装置を用いて測定した。刺激後の N K 細胞の異なる群において、図 2 6 A は、I F N の蓄積されたレベルを示し、図 2 6 B は、T N F のレベルを示し、図 2 6 C は、G M - C S F のレベルを示す。分析前、N K 細胞は、4 0 I U の I L - 2 / m L が添加された培地中で培養された。

10

【図 2 7 A - 2 7 B】形質導入から 7、1 4 及び 2 1 日後の、様々な N K G 2 D 構築物を発現するドナー 2 名（それぞれ図 2 7 A 及び 2 7 B におけるドナー 2 2 4 及び 2 2 5）からの N K 細胞の持続性に関するデータを示す。分析前、N K 細胞は、4 0 I U の I L - 2 / m L が添加された培地中で培養された。

【図 2 8 A - 2 8 B】指定の N K G 2 D 構築物が形質導入された N K 細胞の細胞傷害性に関するデータを示す。N K 細胞傷害性が、赤色蛍光タンパク質を発現するように安定に形質導入された U 2 O S 細胞に対して測定され；U 2 O S 細胞は、1 : 4 及び 1 : 2 の E : T 比（それぞれ図 2 8 A 及び 2 8 B）で N K 細胞とともに培養された。生きた U 2 O S 細胞が、I n c u c y t e S 3 L i v e - C e l l A n a l y s i s S y s t e m を用いて、6 0 分ごとに 7 2 時間カウントされた。分析前、N K 細胞は、4 0 I U の I L - 2 / m L が添加された培地中で培養された。

20

【発明を実施するための形態】

【0 1 0 9】

概要

多くの疾患の基礎をなす（ウイルス感染及び悪性細胞を含む）異常細胞の出現及び持続は、前記異常細胞に対する不十分な免疫応答によって可能になる。免疫療法の目標は、患者の免疫系の応答を開始又は増強する例えば免疫細胞、例えばナチュラルキラー（N K）細胞が損傷又は異常細胞を損傷させるか、殺滅するか、又は他に阻害する能力を後押しすることである。1 つの免疫療法アプローチは、異常細胞の認識及び破壊を標的にするための免疫細胞におけるキメラ受容体の組換え発現である。一般に、キメラ受容体は、標的細胞上のリガンドを認識する細胞外受容体ドメイン、アンカー膜貫通ドメイン及びリガンド結合時のシグナルの活性化を伝達するエフェクタードメインを含む。本明細書で開示されるいくつかの実施形態では、その一般的構造を有するか又はその一般的構造におけるバリエーションを有するキメラ受容体を用いられる。加えて、いくつかの実施形態では、膜貫通ドメイン及びエフェクタードメインは、一緒に融合された別々のペプチドである。いくつかの他の実施形態では、膜貫通及びエフェクタードメインは、同じペプチドに由来する。いくつかのかかる実施形態では、膜貫通及びエフェクタードメインは、単一のペプチド（例えば、膜を貫通することに加え、平衡が保たれ、シグナルカスケードを開始させる 1 つのペプチド）を含む。以下により詳細に考察される通り、免疫細胞（例えば N K 細胞）において所望の程度の発現を示し、非標的細胞に対する有害作用を回避する程度の標的結合活性と平衡した、N K 細胞から細胞傷害活性を誘導するキメラ受容体構築物を作製するため、切断、突然変異、追加的なリンカー/スパーサーエレメント、二量体などが用いられる。免疫細胞の表面上での本明細書で開示されるようなキメラ受容体の組換え発現により、目的の異常細胞に対する免疫細胞の標的化が再誘導され、且つ会合時の免疫活性化が増強される可能性がある。

30

40

【0 1 1 0】

免疫療法のための N K 細胞

50

1つの免疫療法アプローチは、キメラ受容体を発現するように操作されたT細胞を患者に投与し、陽性免疫応答を誘発することを含む。しかし、この手法の欠点は、患者における移植片対宿主病の誘導を予防するために自家細胞の使用が必要である点である。本明細書で開示されるいくつかの実施形態において提供される通り、操作されたNK細胞を含む組成物は、いくつかの利点を楽しむ。例えば、自家又はドナー由来同種細胞のいずれかは、NK細胞アプローチで用いることができる。加えて、いくつかの実施形態によると、本明細書で提供されるような操作されたNK細胞は、正常細胞に対して細胞傷害性を増強することが有意でない。さらに、NK細胞は、活性化されると、有意な細胞傷害性効果を有する。これを考慮すると、本明細書で提供されるような操作されたNK細胞が、その細胞傷害性効果をさらに高めることにより、罹患した標的細胞を選択的に殺滅するといったさらにより有効な手段を提供し得ることは、想定外である。したがって、いくつかの実施形態では、癌又は感染性疾患を治療又は予防する方法であって、治療有効量の、本明細書に記載のキメラ受容体を発現するNK細胞を投与することを含む方法が提供される。一実施形態では、投与されるNK細胞は、自家細胞である。さらなる実施形態では、投与されるNK細胞は、ドナー由来（同種）細胞である。

10

20

30

40

50

【0111】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体を発現する（例えば、標的細胞上のリガンドに結合することによる）組換えNK細胞の会合及び活性化により、細胞溶解によるストレス及び/又は異常細胞（例えば、腫瘍細胞、ウイルス感染細胞など）の直接的殺滅をもたらされる。したがって、いくつかの実施形態では、NK細胞の細胞傷害性を増強する方法であって、本明細書に記載のキメラ受容体を発現するように操作されたNK細胞を投与することを含む方法が提供される。一実施形態では、投与されるNK細胞は、自家細胞である。さらなる実施形態では、NK細胞は、ドナー由来（同種）細胞である。いくつかの実施形態では、操作されたNK細胞は、ストレス及び/又は異常細胞（例えば、腫瘍細胞、ウイルス感染細胞など）の間接的破壊又は阻害をもたらす。

【0112】

リガンド結合ドメイン

上記の通り、いくつかの実施形態では、NK細胞は、腫瘍細胞及びウイルス感染細胞を含む異常細胞を認識及び破壊する。これらの天然免疫細胞の細胞傷害活性は、細胞表面上に存在する阻害性及び活性化受容体の各々からのシグナル伝達の平衡によって調節される。前者は、健常細胞の表面上に発現される自己分子に結合する一方、後者は、異常細胞上に発現されるリガンドに結合する。阻害性受容体に対する活性化受容体の会合の増加により、NK細胞の活性化及び標的細胞の溶解をもたらされる。ナチュラルキラーグループ2メンバーD（NKGD2）は、ストレス及び異常細胞上に発現されるいくつかのリガンドを認識する重要なNK細胞の活性化受容体である。様々なNKGD2リガンドの表面発現は、健常細胞において一般に低い、悪性形質転換又はウイルス感染時に上方制御される。NKGD2によって認識されるリガンドの非限定例として、限定されないが、MICA、MICB、ULBP1、ULBP2、ULBP3、ULBP4、ULBP5及びULBP6並びにNK細胞の細胞溶解又は細胞傷害性機能を制御する、標的細胞上に発現される他の分子が挙げられる。

【0113】

細胞ストレス及び感染の複数の表面マーカーを認識するNKGD2の能力は、それをキメラ受容体に基づく免疫療法アプローチの潜在的に有用な成分にする。しかし、キメラ受容体としてのNKGD2の使用を複雑化していることは、パートナーDAP10とのその関係性である。NKGD2は、ホモ二量体を形成し、DNAX活性化タンパク質10（DAP10）の2つのホモ二量体と集合し、膜表面上に六量体複合体を生成するII型膜貫通糖タンパク質である。このNKGD2-DAP10の会合は、内因性NKGD2の表面膜発現とリガンド結合時の活性化シグナルの伝達との両方にとって必要である。いくつかの実施形態では、完全長NKGD2が用いられる。一実施形態では、完全長NKGD2は、配列番号1の核酸配列を有する。本明細書で開示されるいくつかの実施形態によると、

キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、細胞外受容体ドメインは、その天然膜貫通又は細胞内ドメインを欠いているが、有利にはNK G 2 Dの天然リガンドに結合するとともに、リガンド結合時に活性化シグナルを伝達するその能力を保持するNK G 2 Dの断片である。したがって、いくつかの実施形態では、本明細書で開示されるポリペプチドによってコードされるキメラ受容体は、DAP10を含まない。いくつかの実施形態では、NK G 2 D断片は、配列番号2によってコードされる。いくつかの実施形態では、NK G 2 Dの断片は、完全長野生型NK G 2 Dと少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同である。いくつかの実施形態では、この断片は、配列番号2から1つ以上の追加的な突然変異を有し得るが、リガンド結合機能を保持するか、又はいくつかの実施形態では増強している。いくつかの実施形態では、NK G 2 D断片は、二量体、三量体又は他のコンカテマー形式として提供され、かかる実施形態は、リガンド結合活性の増強をもたらす。いくつかの実施形態では、NK G 2 D断片をコードする配列は、任意選択により完全に又は部分的にコドン最適化される。一実施形態では、コドン最適化されたNK G 2 D断片をコードする配列は、配列番号3の配列を含む。加えて、いくつかの実施形態では、シグナルペプチドが用いられる。シグナルペプチドの種又は配列は、構築物とともに変化し得る。しかし、いくつかの実施形態では、CD8由来のシグナルペプチドが用いられる。一実施形態では、シグナルペプチドは、CD8aに由来し、配列番号4の配列を有する。一実施形態では、コドン最適化されたNK G 2 D断片をコードする配列は、配列番号68の配列を含む。いくつかの実施形態では、この断片は、配列番号68から1つ以上の追加的な突然変異を有し得るが、リガンド結合機能を保持する。いくつかの実施形態では、この断片は、配列番号68から1つ以上の追加的な突然変異を有し得るが、改善されたりリガンド結合機能を有する。

【0114】

膜貫通、シグナル伝達及び組み合わせドメイン

上記の通り、一般的なキメラ抗原受容体構造は、リガンド結合ドメインをシグナル伝達ドメインに連結する少なくとも1つの膜貫通ドメインを含む。いくつかの実施形態では、しかし、膜貫通ドメインは、シグナル伝達機能を提供することにも役立ち得る。

【0115】

いくつかの実施形態では、NK G 2 D断片は、その正常な膜貫通ドメインの少なくとも一部を保持する。いくつかの実施形態では、膜貫通ドメインは、通常、T細胞及びNK細胞の両方で発現される膜貫通糖タンパク質であるCD8の少なくとも一部を含む。いくつかの実施形態では、膜貫通ドメインがCD8を含む一方、いくつかの実施形態では、CD8が用いられる。いくつかの実施形態では、CD8の「ヒンジ」は、配列番号5の配列を有する。いくつかの実施形態では、CD8は、配列番号5の配列を有するCD8と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%、少なくとも95%相同であるように切断又は修飾され得る。いくつかの実施形態では、CD8は、配列番号6の配列を有する。いくつかの実施形態では、CD8は、配列番号6の配列を有するCD8と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%、少なくとも95%相同であるように切断又は修飾され得る。いくつかの実施形態では、CD8及びCD8の二量体が用いられる。

【0116】

いくつかの実施形態では、膜貫通ドメインは、シグナル伝達ドメインとして同様に役立つCD16を含む。CD16は、2つのアイソフォームa及びb(それぞれFc受容体IIIa及びIIIbとしても公知)で存在する。これらの受容体は、通常、順番にNK細胞を活性化するIgG抗体のFc部分に結合する。したがって、いくつかの実施形態では、膜貫通ドメインがCD16aを含む一方、いくつかの実施形態では、CD16bが用いられる。いくつかの実施形態では、CD16aは、配列番号7の配列を有する。いくつかの実施形態では、CD16aは、配列番号7の配列を有するCD16aと少なくとも7

0%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%、少なくとも95%相同であるように切断又は修飾され得る。いくつかの実施形態では、CD16bは、配列番号8の配列を有する。いくつかの実施形態では、CD16bは、配列番号8の配列を有するCD16bと少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%、少なくとも95%相同であるように切断又は修飾され得る。いくつかの実施形態では、CD16a及びCD16bの二量体が用いられる。いくつかの実施形態では、CD16膜貫通ドメインに対する修飾は、ドメインの長さを増加するための追加的な核酸残基を含む。代わりに、CD16は、短縮され得る。CD16の長さに対する修飾は、有利にはリガンド-受容体相互作用の増強を促進し得る。

【0117】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、シグナル伝達ドメインとして同様に役立つナチュラルキラー受容体2B4ドメイン(本明細書中で「2B4」と称され、CD244としても公知である)を含む。2B4は、NK細胞上で発現され、この受容体と標的細胞上のそのリガンドとの相互作用を通じて、非主要組織適合複合体(MHC)制限による殺滅を制御する。いくつかの実施形態では、膜貫通ドメインは、2B4を含む一方、いくつかの実施形態では、2B4ドメインは、細胞内シグナル伝達ドメインである。いくつかの実施形態では、2B4は、配列番号9の配列を有する。いくつかの実施形態では、2B4は、配列番号9の配列を有する2B4と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%、少なくとも95%相同であるように切断又は修飾され得る。いくつかの実施形態では、2B4は、構築物中の唯一の膜貫通/シグナル伝達ドメインとして用いられるが、いくつかの実施形態では、2B4は、1つ以上の他のドメインと併用され得る。例えば、いくつかの実施形態では、CD16、4-1BB及び/又は2B4の組み合わせが用いられる。

【0118】

いくつかの実施形態では、シグナル伝達は、上述した通り、DAP10を通じて達成される。いくつかの実施形態では、NKGD2Dの断片は、NK細胞に前細胞傷害性シグナルを提供するためにDAP10と会合する。いくつかの実施形態では、DAP10の二量体が用いられる。いくつかの実施形態では、膜貫通ドメインは、DAP10を含む。いくつかの実施形態では、DAP10は、配列番号10の配列を有する。いくつかの実施形態では、DAP10は、配列番号10の配列を有するDAP10と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%、少なくとも95%相同であるように切断又は修飾され得る。同様に、いくつかの実施形態では、DAP12もかかるシグナルを伝達し得るために使用可能である。いくつかの実施形態では、DAP12は、配列番号11の配列を有する。いくつかの実施形態では、DAP12は、配列番号11の配列を有するDAP12と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%、少なくとも95%相同であるように切断又は修飾され得る。いくつかの実施形態では、DAP10及びDAP12のヘテロ二量体が用いられる。

【0119】

いくつかの実施形態では、4-1BB(CD137及び腫瘍壊死因子受容体スーパーファミリーメンバー9(TNFRSF9)としても公知である)を通じてシグナル伝達が提供される。4-1BBは、典型的には活性化T細胞のための刺激性分子として機能する(例えば、4-1BBの架橋によりT細胞増殖及び細胞溶解活性が増強される)同時刺激性の免疫チェックポイント分子である。しかし、いくつかの実施形態では、4-1BBの機能は、有利にはNK細胞と併せて用いられる。いくつかの実施形態では、4-1BBは、配列番号12の配列を有する。いくつかの実施形態では、4-1BBは、配列番号12の配列を有する4-1BBと少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%、少なくとも95%相同であるように切断又は修飾され得る。いくつかの実施形態では、4-1BBは、唯一のシグナル伝達ドメインであるが、上で考察の通り、いくつかの実施形態では、4-1BBは、本明細書で開示される他の

10

20

30

40

50

膜貫通/シグナル伝達ドメインの1つ以上と併せて意外にも十分に機能する。例えば、いくつかの実施形態では、CD16は、4-1BBと併せて相乗的刺激効果をもたらす。いくつかの実施形態では、DAP10は、4-1BBと併せて相乗的刺激効果をもたらす。いくつかの実施形態では、DAP10は、4-1BB及び/又は2B4と併せて相乗的刺激効果をもたらす。他の改善された特徴により、いくつかの実施形態では、例えば改善された発現、改善された持続性などが得られる。

【0120】

いくつかの実施形態では、シグナル伝達ドメインは、CD3 T細胞受容体複合体の少なくとも一部を含む。T細胞受容体複合体は、
、
、
、
及びサブユニットを含む複数のサブユニットを含む。いくつかの実施形態では、本明細書で開示されるいくつかの実施形態に従って操作されたNK細胞は、これらサブユニット(又はその断片)の少なくとも1つを含む。いくつかの実施形態では、シグナル伝達ドメインは、CD3 サブユニットを含む。いくつかの実施形態では、CD3 は、配列番号13の配列を有する。いくつかの実施形態では、CD3 は、配列番号13の配列を有するCD3 と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%、少なくとも95%相同であるように切断又は修飾され得る。いくつかの実施形態では、CD3 は、ドメインがもはや基準の免疫受容体チロシンに基づく活性化モチーフ又はITAMモチーフに一致しないように突然変異される(例えば、アミノ酸の突然変異、挿入又は欠失)。したがって、いくつかの実施形態では、NK細胞は、ITAMモチーフを含まない操作された受容体を含む。いくつかの実施形態では、得られる操作されたNK細胞は、特に標的細胞に対して増強された細胞傷害性を示すとともに、有害な副作用は、制限又は低減される。いくつかの実施形態では、これは、その所与の実施形態において用いられるキメラ受容体の様々な部分の相乗的相互作用に起因する。いくつかの実施形態では、CD3 は、4-1BBと併せて相乗的刺激効果をもたらす。いくつかの実施形態では、CD3 は、2B4と併せて相乗的刺激効果をもたらす。いくつかの実施形態では、CD3 は、2B4及び4-1BBと併せて相乗的刺激効果をもたらす。いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、その膜貫通ドメインを介してCD3 の二量体化に影響する。したがって、いくつかの実施形態では、膜貫通ドメインは、CD3 膜貫通ドメイン(又はその断片)を含む。いくつかの実施形態では、1、2、3、4、5、6つ又はそれを超える細胞外CD3 残基(「膜近傍部分」)は、CD3 膜貫通ドメインに直に隣接する。いくつかの実施形態では、CD3 膜貫通ドメインは、配列番号69の配列を有する。いくつかの実施形態では、CD3 膜貫通ドメインは、配列番号69の配列を有するCD3 膜貫通ドメインと少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%、少なくとも95%相同であるように切断又は修飾され得る。いくつかの実施形態では、CD3 膜貫通ドメインに対する修飾は、ドメインの長さを増加させるための追加的な核酸残基を含む。いくつかの実施形態では、CD3 膜貫通ドメイン及びCD3 膜近傍部分は、完全長CD3 分子をシナプスに動員する。いくつかの実施形態では、天然CD3 の(CD3 膜貫通ドメインを有しない受容体と比べて)操作された受容体への動員は、実施形態に応じて、約20%、約30%、約40%、約50%又はそれを超えて増強される。いくつかの実施形態では、CD3 膜貫通ドメインは、CD16、NCR1、NCR2、NCR3、4-1BB、NKp80、FcR、CD3 及び2B4の1つ以上を含むエフェクタードメインに共役される。

【0121】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、CD28ドメインを含む。いくつかの実施形態では、膜貫通ドメインは、CD28を含む一方、いくつかの実施形態では、CD28ドメインは、細胞内シグナル伝達ドメインであり、またいくつかの実施形態では、CD2

8ドメインは、膜貫通/細胞内シグナル伝達ドメインである。いくつかの実施形態では、CD28膜貫通ドメインは、配列番号105の配列を有する。いくつかの実施形態では、CD28膜貫通ドメインは、配列番号105の配列を有するCD28と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%、少なくとも95%相同であるように切断又は修飾され得る。いくつかの実施形態では、CD28細胞内シグナル伝達ドメインは、配列番号106の配列を有する。いくつかの実施形態では、CD28細胞内シグナル伝達ドメインは、配列番号106の配列を有するCD28と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%、少なくとも95%相同であるように切断又は修飾され得る。いくつかの実施形態では、CD28は、構築物中の唯一の膜貫通/シグナル伝達ドメインとして用いられるが、いくつかの実施形態では、CD28は、1つ以上の他のドメインと併用され得る。例えば、いくつかの実施形態では、CD28、OX40、4-1BB及び/又はCD3の組み合わせが用いられる。

10

【0122】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体は、OX40ドメインを含む。いくつかの実施形態では、OX40ドメインは、細胞内シグナル伝達ドメインである。いくつかの実施形態では、OX40細胞内シグナル伝達ドメインは、配列番号107の配列を有する。いくつかの実施形態では、OX40細胞内シグナル伝達ドメインは、配列番号107の配列を有するOX40と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%、少なくとも95%相同であるように切断又は修飾され得る。いくつかの実施形態では、OX40は、構築物中の唯一の膜貫通/シグナル伝達ドメインとして用いられるが、いくつかの実施形態では、OX40は、1つ以上の他のドメインと併用され得る。例えば、いくつかの実施形態では、CD28、OX40、4-1BB及び/又はCD3の組み合わせが用いられる。

20

【0123】

なおさらなる実施形態では、キメラ受容体のシグナル伝達部分は、ITAMの一部、例えばヘミ-タムを含む。いくつかの実施形態では、これらの部分は、基準のITAM配列を構成しないというよりも、NK細胞の細胞傷害性に要求されるシグナルをさらに伝達し得る部分を含む。いくつかの実施形態では、ヘミ-タムは、配列番号14の配列を有する(ここで、Xは、任意の残基であり得る)。いくつかの実施形態では、ヘミ-タムは、配列番号14の配列を有するヘミ-タムと少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%、少なくとも95%相同であるように切断又は修飾され得る。いくつかの実施形態では、キメラ受容体構築物は、配列番号14のヘミ-タムを含む。いくつかの実施形態では、複数のヘミ-タムは、例えば、ヘッドトゥテール、テールトゥヘッド、ヘッドトゥヘッド又はテールトゥテールの配置で使用可能である。いくつかの実施形態では、少なくとも1つのヘミ-タムの存在は、少なくとも1つのヘミ-タムを用いるキメラ受容体を含むNK細胞に対し、増強されたシグナル伝達及び細胞傷害性をもたらす。以下により詳細に考察される通り、いくつかのキメラ受容体は、ヘミ-タムの1つの非限定例であるNKp80を含む。

30

【0124】

いくつかの実施形態では、例えば、シグナル伝達リンパ球活性化分子(SLAM)ファミリーの受容体に由来するシグナル伝達領域を含む追加的なシグナル伝達領域が用いられる。これらの受容体として、限定されないが、2B4(上で考察)が挙げられる。SLAMファミリーの受容体は、それらの細胞質側末端においてチロシンに基づく共通モチーフを共有する。そのモチーフは、免疫受容体チロシンに基づくスイッチモチーフ(ITSM)と称されるS/TxYxxL/Iである(配列番号15)。これらの受容体は、チロシンキナーゼFynを動員するSLAM関連タンパク質(SAP、遺伝子SH2D1Aによってコードされる)を通じて活性化シグナルを伝達する。したがって、いくつかの実施形態によると、シグナル伝達領域は、ITSMモチーフを含むポリペプチド配列(又はそれをコードする核酸)を含む。いくつかの実施形態では、ITSMモチーフは、完全にコー

40

50

ドされる必要はないが、シグナル伝達領域は、SAP（又は別の類似経路）を通じて活性化シグナルを伝達することができる。いくつかの実施形態では、ITSMモチーフは、配列番号15の配列を有する（ここで、Xは、任意のアミノ酸残基であり得る）。いくつかの実施形態では、ITSMモチーフは、配列番号15の配列を有するITSMモチーフと少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%、少なくとも95%相同であるように切断又は修飾され得る。いくつかの実施形態では、ITSMモチーフは、配列番号15の配列を含む。

【0125】

NKG2D受容体、膜貫通ドメイン及びシグナル伝達ドメイン（及び膜貫通/シグナル伝達ドメインの組み合わせ）におけるこれらのバリエーションに加えて、いくつかの実施形態では、追加的な同時活性化分子が提供され得る。例えば、いくつかの実施形態では、NK細胞は、膜結合性インターロイキン15（mbIL15）を発現するように操作される。かかる実施形態では、NK細胞上でのmbIL15の存在は、NK細胞の増殖及び寿命を相乗的に高めることにより、NK細胞の細胞傷害性効果をさらに増強するように機能する。いくつかの実施形態では、mbIL15は、配列番号16の核酸配列を有する。いくつかの実施形態では、mbIL15は、配列番号16の配列と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%、少なくとも95%相同であるように切断又は修飾され得る。いくつかの実施形態では、mbIL15は、配列番号17のアミノ酸配列を有する。本明細書で開示されるキメラ受容体と併せて、かかる実施形態は、特定の標的細胞を標的化及び破壊するのに特に有効なNK細胞組成物を提供する。

10

20

【0126】

キメラ受容体構築物

本明細書に記載された本開示を考慮して、特定の標的細胞（例えば、疾患細胞又は癌細胞）に標的を定めて破壊するために、NK細胞中で生成及び発現され得る様々なキメラ受容体が存在する。そのようなキメラ受容体の非限定的な例を下記でより詳細に論じる。

【0127】

上記で論じたように、T細胞受容体複合体の一部（具体的にはCD3）は、免疫シグナル伝達カスケードの強力な活性化因子として機能する。同様に、腫瘍壊死因子スーパーファミリーのメンバーである受容体4-1BBは、リガンドの結合時にNK細胞を活性化する。いくつかの実施形態では、これらの2つのシグナル伝達成分は、キメラ受容体へのリガンドの結合時に相乗的に作用してNK細胞を活性化する。そのため、いくつかの実施形態では、NKG2D/CD8a/4-1BB/CD3キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、NKG2Dの天然リガンドに結合するNKG2D断片細胞外受容体ドメインと、CD8膜貫通領域と、4-1BB及びCD3のシグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインとを含む。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号18の核酸配列によってコードされる。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号108の核酸配列によってコードされる。さらに別の実施形態では、NKG2D-CD8a-4-1BB-CD3キメラ受容体は、配列番号19のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、この構築物は、NK細胞がmbIL15を同時に発現する場合に特に有効であり、mbIL15は、NK細胞の活性化及び細胞傷害性に関してさらなる相乗効果をもたらす。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号18と異なり得る（例えば、配列番号108）が、実施形態に応じて、配列番号18と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号18と異なり得る（例えば、配列番号108）が、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。

30

40

【0128】

受容体2B4は、いくつかの免疫受容体チロシンベーススイッチモチーフ（ITSM）

50

を有し、活性化シグナルを伝達する可能性がある。同様に、腫瘍壊死因子スーパーファミリーのメンバーである受容体 4 - 1 B B を介したシグナル伝達モリグンドの結合時に N K 細胞を活性化する。そのため、これらのシグナル伝達分子が協働して細胞傷害性 N K 細胞を予想外にも効果的に生成する能力を利用して、いくつかの実施形態では、N K G 2 D / C D 8 a / 2 B 4 / 4 - 1 B B キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、N K G 2 D の天然リグンドに結合する N K G 2 D 断片細胞外受容体ドメインと、C D 8 a 膜貫通領域と、4 - 1 B B 及び 2 B 4 のシグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインとを含む。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択により m b I L 1 5 と同時発現され得る。

【 0 1 2 9 】

いくつかの実施形態では、2 B 4 と C D 3 との組み合わせは、N K 細胞とともに使用されて標的細胞に対する細胞傷害性を高める。そのため、いくつかの実施形態では、N K G 2 D / C D 8 a / 2 B 4 / C D 3 キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、N K G 2 D の天然リグンドに結合する N K G 2 D 断片細胞外受容体ドメインと、C D 8 a 膜貫通領域と、C D 3 及び 2 B 4 のシグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインとを含む。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択により m b I L 1 5 と同時発現され得る。上記で論じたように、4 - 1 B B は、C D 3 及び 2 B 4 と同様に、免疫シグナル伝達カスケードの強力な活性化因子として機能し得る。いくつかの実施形態では、これらの 3 つのシグナル伝達成分は、キメラ受容体へのリグンドの結合時に相乗的に作用して N K 細胞を活性化する。そのため、いくつかの実施形態では、N K G 2 D / C D 8 a / 4 - 1 B B / 2 B 4 / C D 3 キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、N K G 2 D の天然リグンドに結合する N K G 2 D 断片細胞外受容体ドメインと、C D 8 膜貫通領域と、4 - 1 B B 、2 B 4 及び C D 3 のシグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインとを含む。一実施形態では、このキメラセレプターは、配列番号 5 8 の核酸配列によってコードされる。さらに別の実施形態では、N K G 2 D - C D 8 a - 4 - 1 B B - C D 3 キメラ受容体は、配列番号 5 9 のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、この構築物は、N K 細胞が m b I L 1 5 を同時に発現する場合に特に有効であり、m b I L 1 5 は、N K 細胞の活性化及び / 又は細胞傷害性に関してさらなる相乗効果をもたらす。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号 5 8 と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号 5 8 と少なくとも 7 0 %、少なくとも 7 5 %、少なくとも 8 0 %、少なくとも 8 5 %、少なくとも 9 0 % 又は少なくとも 9 5 % 相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号 5 8 と異なり得るが、このキメラ受容体は、N K 細胞の活性化機能及び / 又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。

【 0 1 3 0 】

いくつかの代替実施形態では、N K G 2 D / C D 8 a / D A P 1 0 / 4 - 1 B B キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、N K G 2 D の天然リグンドに結合する N K G 2 D 断片細胞外受容体ドメインと、C D 8 a 膜貫通領域と、4 - 1 B B 及び D A P 1 0 のシグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインとを含む。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号 6 0 の核酸配列によってコードされる。さらに別の実施形態では、N K G 2 D - C D 8 a - 4 - 1 B B - D A P 1 0 キメラ受容体は、配列番号 6 1 のアミノ酸配列を含む。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択により m b I L 1 5 と同時発現され得る。いくつかの実施形態では、この構築物は、N K 細胞が m b I L 1 5 を同時に発現する場合に特に有効であり、m b I L 1 5 は、N K 細胞の活性化及び細胞傷害性に関してさらなる相乗効果をもたらす。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号 6 0 と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号 6 0 と少なくとも 7 0 %、少なくとも 7 5 %、少なくとも 8 0 %、少なくとも 8 5 %、少なくとも 9 0 % 又は少なくとも 9 5 % 相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号 6 0 と異なり得るが、このキメラ受容体は、N K 細胞の活性化機能及び / 又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強し

10

20

30

40

50

ている。さらに、上記で論じたように、2 B 4 は、D A P 1 0 及び 4 - 1 B B と同様に、免疫シグナル伝達カスケードの強力な活性化因子である。いくつかの実施形態では、これらの3つのシグナル伝達成分は、キメラ受容体へのリガンドの結合時に相乗的に作用してNK細胞を活性化する。そのため、いくつかの実施形態では、N K G 2 D / C D 8 a / 4 - 1 B B / D A P 1 0 / 2 B 4 キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、N K G 2 D の天然リガンドに結合するN K G 2 D 断片細胞外受容体ドメインと、C D 8 膜貫通領域と、4 - 1 B B、2 B 4 及びD A P 1 0 のシグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインとを含み、4 - 1 B B の後にD A P 1 0 が続き、D A P 1 0 の後に2 B 4 が続く。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号62の核酸配列によってコードされる。さらに別の実施形態では、N K G 2 D - C D 8 a - 4 - 1 B B - C D 3 キメラ受容体は、配列番号63のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、この構築物は、NK細胞がm b I L 1 5 を同時に発現する場合に特に有効であり、m b I L 1 5 は、NK細胞の活性化及び細胞傷害性に関してさらなる相乗効果をもたらす。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号62と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号62と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号62と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。いくつかの他の実施形態では、N K G 2 D / C D 8 a / 4 - 1 B B / 2 B 4 / D A P 1 0 キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、N K G 2 D の天然リガンドに結合するN K G 2 D 断片細胞外受容体ドメインと、C D 8 膜貫通領域と、4 - 1 B B、2 B 4 及びD A P 1 0 のシグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインとを含み、4 - 1 B B の後に2 B 4 が続き、2 B 4 の後にD A P 1 0 が続く。一実施形態では、このキメラセレプターは、配列番号64の核酸配列によってコードされる。さらに別の実施形態では、N K G 2 D - C D 8 a - 4 - 1 B B - C D 3 キメラ受容体は、配列番号65のアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、この構築物は、NK細胞がm b I L 1 5 を同時に発現する場合に特に有効であり、m b I L 1 5 は、NK細胞の活性化及び細胞傷害性に関してさらなる相乗効果をもたらす。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号64と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号64と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号64と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。

【0131】

いくつかの追加的な実施形態では、本キメラ受容体の膜貫通ドメイン及びエフェクタードメイン(並びに関連する機能)は、同一のペプチドに由来する。C D 1 6 は、NK細胞の表面上で発現される強力な活性化受容体である。そのため、いくつかの実施形態では、N K G 2 D / C D 1 6 キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、N K G 2 D の天然リガンドに結合するN K G 2 D 断片細胞外受容体ドメインと、膜貫通領域及び細胞内エフェクタードメインの両方を含むC D 1 6 ペプチドとを含む。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号23の核酸配列を含む。さらに別の実施形態では、このキメラセレプターは、配列番号24のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号23と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号23と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号23と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりm b I L 1 5 と同時発現され得る。

【 0 1 3 2 】

いくつかの追加的な実施形態では、NKG2D / CD16 / 4 - 1BBキメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、4 - 1BBのシグナル伝達ドメインは、エフェクタードメイン中における活性化シグナルの第2のトランスドューサーとして機能する。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりm b I L 1 5と同時発現され得る。

【 0 1 3 3 】

CD3 は、その膜貫通ドメインを介して二量体化する。そのため、いくつかの実施形態では、CD3 膜貫通ドメインがシナプスに完全長CD3 分子を補充するキメラ受容体が提供される。いくつかの実施形態では、NKG2Dの天然リガンドに結合するNKG 2 D断片と、CD8 aヒンジと、CD3 膜貫通ドメインに直接隣接する0、1、2、3、4、5、6つ又はより多くの細胞外CD3 残基(「膜近傍部分」と、CD16、NCR1、NCR2、NCR3、4 - 1BB、Nkp80、FcR、CD3 及び2B4の1つ又は複数を含むエフェクタードメインとを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供される。

10

【 0 1 3 4 】

いくつかの実施形態では、CD3 膜貫通ドメインが、4 - 1BB及びCD16の一方又は両方を含むエフェクタードメインに共役されているキメラ受容体が提供される。そのため、いくつかの実施形態では、NKG2D / CD3 TM / 4 - 1BBキメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラセレプターは、CD8 aヒンジに共役されている、コドン最適化されているNKG2Dの断片と、CD3 膜貫通領域と、4 - 1BBを含むエフェクタードメインとを含む。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号78の核酸配列を含む。さらの別の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号79のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号78と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号78と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号78と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりm b I L 1 5と同時発現され得る。

20

30

【 0 1 3 5 】

いくつかの実施形態では、NKG2D / CD3 TM / CD16 / 4 - 1BBキメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、CD8 aヒンジに共役されている、コドン最適化されているNKG2Dの断片と、CD3 膜貫通領域と、CD16及びそれに続く4 - 1BBを含むエフェクタードメインとを含む。一実施形態では、このキメラセレプターは、配列番号70の核酸配列を含む。さらに別の実施形態では、このキメラセレプターは、配列番号71のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号70と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号70と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号70と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりm b I L 1 5と同時発現され得る。さらに、いくつかの実施形態では、NKG2D / CD3 TM / 4 - 1BB / CD16キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラセレプターは、CD8 aヒンジに共役されている、コドン最適化されているNKG2Dの断片と、CD3 膜貫通領域と、4 - 1BB及びそれに続くCD16を含むエフェクタードメインとを含む。一部の実施形態では、このエフェクタードメインは、GS3リンカーをさらに含む。一部の実施形態では、このGS3リンカーは、4 - 1BBとCD16との間に位置する。一実施形態では、このキメラセレプターは、配列番号84の核酸配列を含

40

50

む。さらに別の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号 85 のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号 84 と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号 84 と少なくとも 70%、少なくとも 75%、少なくとも 80%、少なくとも 85%、少なくとも 90% 又は少なくとも 95% 相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号 84 と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK 細胞の活性化機能及び / 又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択により m b I L 15 と同時発現され得る。さらに、いくつかの実施形態では、NK G 2 D x 2 / C D 3 T M / C D 1 6 / 4 - 1 B B キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、G S 3 リンカーに共役されている、コドン最適化されている NK G 2 D の断片と、追加的な NK G 2 D 断片と、C D 8 a ヒンジと、C D 3 膜貫通領域と、C D 1 6 及び 4 - 1 B B を含むエフェクタードメインとを含む。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号 72 の核酸配列を含む。さらに別の実施形態では、このキメラセレプターは、配列番号 73 のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号 72 と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号 72 と少なくとも 70%、少なくとも 75%、少なくとも 80%、少なくとも 85%、少なくとも 90% 又は少なくとも 95% 相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号 72 と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK 細胞の活性化機能及び / 又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択により m b I L 15 と同時発現され得る。

【 0 1 3 6 】

いくつかの実施形態では、C D 3 膜貫通ドメインが、NK p 8 0 を含むエフェクタードメインに共役されているキメラ受容体が提供される。そのため、いくつかの実施形態では、NK G 2 D / C D 3 T M / C D 1 6 / 4 - 1 B B / NK p 8 0 キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラセレプターは、C D 8 a ヒンジに共役された NK G 2 D の断片と、C D 3 膜貫通領域と、C D 1 6、4 - 1 B B 及び NK p 8 0 を含むエフェクタードメインとを含む。一部の実施形態では、このエフェクタードメインは、G S 3 リンカーをさらに含む。一部の実施形態では、この G S 3 リンカーは、4 - 1 B B と NK p 8 0 との間に位置する。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号 74 の核酸配列を含む。さらに別の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号 75 のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号 74 と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号 74 と少なくとも 70%、少なくとも 75%、少なくとも 80%、少なくとも 85%、少なくとも 90% 又は少なくとも 95% 相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号 74 と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK 細胞の活性化機能及び / 又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択により m b I L 15 と同時発現され得る。さらに、いくつかの実施形態では、2 x NK G 2 D / C D 3 T M / C D 1 6 / 4 - 1 B B / NK p 8 0 キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、G S 3 リンカーに共役されている、コドン最適化されている NK G 2 D の断片と、追加的な NK G 2 D 断片と、C D 8 a ヒンジと、C D 3 膜貫通領域と、C D 1 6、4 - 1 B B 及び NK p 8 0 を含むエフェクタードメインとを含む。一部の実施形態では、このエフェクタードメインは、G S 3 リンカーをさらに含む。一部の実施形態では、この G S 3 リンカーは、4 - 1 B B と NK p 8 0 との間に位置する。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号 76 の核酸配列を含む。さらに別の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号 77 のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号 76 と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号 76 と少なくとも 70%、少なくとも 75%、少なくとも 80%、少なくとも 85%、少なくとも 90% 又は少なくとも 95% 相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号 76

と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりmbIL15と同時発現され得る。さらに、いくつかの実施形態では、NKG2D/CD3 TM/4-1BB/NKp80キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、CD8aヒンジに共役されている、コドン最適化されているNKG2Dの断片と、CD3 膜貫通領域と、4-1BB及びNKp80を含むエフェクタードメインとを含む。一部の実施形態では、このエフェクタードメインは、GS3リンカーをさらに含む。一部の実施形態では、このGS3リンカーは、4-1BBとNKp80との間に位置する。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号82の核酸配列を含む。さらに別の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号83のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号82と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号82と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号82と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりmbIL15と同時発現され得る。

10

20

30

40

50

【0137】

いくつかの実施形態では、CD3 膜貫通ドメインが、CD3 を含むエフェクタードメインに共役されているキメラ受容体が提供される。そのため、いくつかの実施形態では、NKG2D/CD3 TM/4-1BB/CD3 キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、CD8aヒンジに共役されている、コドン最適化されているNKG2Dの断片と、CD3 膜貫通領域と、4-1BB及びCD3 を含むエフェクタードメインとを含む。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号80の核酸配列を含む。さらに別の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号81のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号80と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号80と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号80と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりmbIL15と同時発現され得る。

【0138】

いくつかの実施形態では、CD3 膜貫通ドメインが、FcR を含むエフェクタードメインに共役されているキメラ受容体が提供される。そのため、いくつかの実施形態では、NKG2D/CD3 TM/4-1BB/FcR キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、CD8aヒンジに共役されたNKG2Dの断片と、CD3 膜貫通領域と、4-1BB及びFcR を含むエフェクタードメインとを含む。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号86の核酸配列を含む。さらに別の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号87のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号86と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号86と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号86と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりmbIL15と同時発現され得る。

【0139】

いくつかの実施形態では、CD3 膜貫通ドメインが、CD28を含むエフェクタードメインに共役されているキメラ受容体が提供される。そのため、いくつかの実施形態では

、NK G 2 D / C D 3 T M / C D 2 8 / C D 3 キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、NK G 2 Dの天然リガンドに結合するNK G 2 D断片細胞外受容体ドメインと、C D 8 aヒンジと、C D 3 膜貫通領域と、C D 2 8及びC D 3 を含む細胞内エフェクタードメインとを含む。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号102の核酸配列を含む。さらに別の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号103のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号102と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号102と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号102と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりm b I L 1 5と同時発現され得る。

10

【0140】

いくつかの実施形態では、細胞外ドメインが、I L 1 5に結合したNK G 2 Dの断片を含むキメラ受容体が提供される。そのため、いくつかの実施形態では、I L 1 5 / NK G 2 D / C D 8 a / 4 - 1 B B / C D 3 キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、I L - 1 5に共役されたNK G 2 Dの天然リガンドに結合するNK G 2 D断片細胞外受容体ドメインと、C D 8 aヒンジと、C D 8 a膜貫通ドメインと、4 - 1 B B及びC D 3 zを含む細胞内エフェクタードメインとを含む。一部の実施形態では、この細胞外ドメインは、G S 3リンカーをさらに含む。一部の実施形態では、このG S 3リンカーは、I L 1 5とNK G 2 D断片細胞外受容体ドメインとの間に位置する。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号88の核酸配列を含む。さらに別の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号89のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号88と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号88と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号88と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。

20

30

【0141】

いくつかの実施形態では、細胞外ドメインが、I g G短ヒンジに共役されたNK G 2 Dの断片を含むキメラ受容体が提供される。そのため、いくつかの実施形態では、NK G 2 D / I g G 4 / C D 8 a / 4 - 1 B B / C D 3 キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、NK G 2 Dの天然リガンドに結合するNK G 2 D断片細胞外受容体ドメインと、I g G 4短ヒンジと、C D 8 a膜貫通ドメインと、4 - 1 B B及びC D 3 を含む細胞内エフェクタードメインとを含む。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号96の核酸配列を含む。さらに別の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号97のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号96と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号96と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号96と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりm b I L 1 5と同時発現され得る。

40

【0142】

いくつかの実施形態では、エフェクタードメインがO X 4 0を含むキメラ受容体が提供される。そのため、いくつかの実施形態では、NK G 2 D / C D 8 a / O X 4 0 / C D 3 zキメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、NK G

50

2 Dの天然リガンドに結合するNK G 2 D断片細胞外受容体ドメインと、CD 8 a ヒンジと、CD 8 a 膜貫通ドメインと、OX 4 0 及びCD 3 z を含む細胞内エフェクタードメインとを含む。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号9 0の核酸配列を含む。さらに別の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号9 1のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号9 0と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号9 0と少なくとも7 0%、少なくとも7 5%、少なくとも8 0%、少なくとも8 5%、少なくとも9 0%又は少なくとも9 5%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号9 0と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりmb I L 1 5と同時発現され得る。いくつかの実施形態では、NK G 2 D / I g G 4 / C D 8 a / O X 4 0 / C D 3 キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、NK G 2 Dの天然リガンドに結合するNK G 2 D断片細胞外受容体ドメインと、I g G 4 ヒンジと、CD 8 a 膜貫通ドメインと、OX 4 0 及びCD 3 を含む細胞内エフェクタードメインとを含む。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号1 0 0の核酸配列を含む。さらに別の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号1 0 1のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号1 0 0と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号1 0 0と少なくとも7 0%、少なくとも7 5%、少なくとも8 0%、少なくとも8 5%、少なくとも9 0%又は少なくとも9 5%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号1 0 0と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりmb I L 1 5と同時発現され得る。

10

20

30

40

50

【0 1 4 3】

いくつかの実施形態では、膜貫通領域及び細胞内エフェクタードメインの両方を含むCD 2 8 ペプチドを含むキメラ受容体が提供される。そのため、いくつかの実施形態では、NK G 2 D / C D 2 8 / C D 3 キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、NK G 2 Dの天然リガンドに結合するNK G 2 D断片細胞外受容体ドメインと、CD 8 a ヒンジと、CD 2 8 膜貫通/細胞内ドメインと、CD 3 とを含む。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号9 2の核酸配列を含む。さらに別の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号9 3のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号9 2と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号9 2と少なくとも7 0%、少なくとも7 5%、少なくとも8 0%、少なくとも8 5%、少なくとも9 0%又は少なくとも9 5%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号9 2と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりmb I L 1 5と同時発現され得る。さらなる実施形態では、NK G 2 D / C D 2 8 / C D 3 / 4 - 1 B Bキメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、NK G 2 Dの天然リガンドに結合するNK G 2 D断片細胞外受容体ドメインと、CD 8 a ヒンジと、CD 2 8 膜貫通/細胞内ドメインと、4 - 1 B B 及びCD 3 とを含む。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号9 4の核酸配列を含む。さらに別の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号9 5のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号9 4と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号9 4と少なくとも7 0%、少なくとも7 5%、少なくとも8 0%、少なくとも8 5%、少なくとも9 0%又は少なくとも9 5%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号9 4と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりmb I L 1 5と同時発現され得る。さらなる実施形態では、NK G 2 D / I g G 4 / C D 2 8

／CD3 キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、NK G2Dの天然リガンドに結合するNK G2D断片細胞外受容体ドメインと、Ig G4ヒンジと、CD28膜貫通／細胞内ドメインと、CD3 とを含む。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号98の核酸配列を含む。さらに別の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号99のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号98と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号98と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号98と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び／又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりm b I L 15と同時発現され得る。

10

【0144】

NCR1 (NKp46)、NCR2 (NKp44)及びNCR3 (NKp30)は、リガンドの結合時に活性化シグナルを伝達する、NK細胞上の受容体である。そのため、いくつかの実施形態では、NK G2D / NCR1キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、NK G2Dの天然リガンドに結合するNK G2D断片細胞外受容体ドメインと、膜貫通領域及び細胞内エフェクタードメインの両方を含むNCR1ペプチドとを含む。一実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号27の核酸配列を含む。さらに別の実施形態では、このキメラセレプターは、配列番号28のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号30と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号27と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号27と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び／又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりm b I L 15と同時発現され得る。

20

【0145】

いくつかの追加的な実施形態では、NK G2D / NCR1 / 4 - 1BBキメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、4 - 1BBのシグナル伝達ドメインは、エフェクタードメイン中における活性化シグナルの第2のトランスデューサーとして機能し、NK細胞の活性化及び細胞傷害性が相乗的に増強される。いくつかの追加的な実施形態では、NK G2D / NCR2キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、NK G2Dの天然リガンドに結合するNK G2D断片細胞外受容体ドメインと、膜貫通領域及び細胞内エフェクタードメインの両方を含むNCR2ペプチドとを含む。NCR1と同様に、いくつかの実施形態では、これらの構築物は、それらの比較的小さいサイズ及び配列の単純さに起因して、このキメラ受容体を発現するNK細胞の作成での使用に特に適している。しかしながら、これらの構築物は、いくつかの実施形態では、この構築物の見かけ上の単純さにもかかわらず、非常に効果的なNK細胞を生じる能力を保持する。加えて、いくつかの実施形態では、これらの構築物は、任意選択によりm b I L 15と同時発現され得る。

30

40

【0146】

いくつかの追加的な実施形態では、NK G2D / NCR3キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、このキメラ受容体は、NK G2Dの天然リガンドに結合するNK G2D断片細胞外受容体ドメインと、膜貫通領域及び細胞内エフェクタードメインの両方を含むNCR3ペプチドとを含む。NCR1及び又はNCR2と同様に、いくつかの実施形態では、これらの構築物は、それらの比較的小さいサイズ及び配列の単純さに起因して、このキメラ受容体を発現するNK細胞の作成での使用に特に適している。しかしながら、これらの構築物は、いくつかの実施形態では、この構築物の見かけ上の単純さにもかかわらず、非常に効果的なNK細胞を生じる能力を保持する。一実施形態では、このキ

50

メラ受容体は、配列番号29の核酸配列を含む。さらに別の実施形態では、このキメラレプターは、配列番号30のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体の配列は、配列番号29と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号29と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号29と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりmbIL15と同時発現され得る。

【0147】

いくつかの追加的な実施形態では、NKG2D/NCR2/4-1BBキメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、4-1BBのシグナル伝達ドメインは、エフェクタードメイン中における活性化シグナルの第2のトランスドューサーとして機能し、それにより、シグナル伝達ドメイン間の相乗効果と、予想外にも効果的な細胞傷害性NK細胞とが生じる。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりmbIL15と同時発現され得る。

【0148】

いくつかの追加的な実施形態では、NKG2D/NCR3/4-1BBキメラ受容体をコードするポリヌクレオチドが提供され、4-1BBのシグナル伝達ドメインは、エフェクタードメイン中における活性化シグナルの第2のトランスドューサーとして機能し、それにより、シグナル伝達ドメイン間の相乗効果と、予想外にも効果的な細胞傷害性NK細胞とが生じる。加えて、いくつかの実施形態では、この構築物は、任意選択によりmbIL15と同時発現され得る。

【0149】

一部の実施形態では、本明細書で開示されたキメラ受容体の表面発現及び効力は、いくつかの実施形態では、NKG2D断片と膜貫通ドメインとの間の細胞外ドメインに位置するスペーサー領域(ヒンジ)の変動により増強される。一部の実施形態では、このヒンジ領域は、このキメラ受容体の他の部分間(例えば、細胞内ドメインと膜貫通ドメインとの間又は複数の細胞内ドメイン間)に含まれ得る。一部の実施形態では、本明細書の他の箇所が開示される特定の目的に役立つドメインは、追加的な機能を果たし得る。例えば、いくつかの実施形態では、CD8aは、(いくつかの実施形態では配列番号5の核酸配列によってコードされる)ヒンジ領域として機能するように再利用される。さらに別の実施形態では、このヒンジ領域は、CD8aのN末端切頭型及び/又はCD8aのC末端切頭型を含む。実施形態に応じて、これらの切頭は、配列番号5によってコードされるヒンジに対して少なくとも約50%、少なくとも約60%、少なくとも約70%、少なくとも約80%又は少なくとも約90%相同であり得る。いくつかの追加的な実施形態では、このヒンジは、グリシン残基及びセリン残基のスパン(本明細書では「GSリンカー」と称される)を含み、GS_nは、配列(Gly-Gly-Gly-Gly-Ser)_n(配列番号42)を表す。一実施形態では、このヒンジは、CD8a及びGS3の両方を含み、配列番号32のアミノ酸配列によってコードされ、例えばn=3である。追加的な実施形態では、nの値は、実施形態に応じて、1、2、3、4、5、6、7、8、9、10、11、12、13、14、15と等しいか又はそれより高いことができる。いくつかの実施形態では、このヒンジは、GS_n/CD8aとして構成されている可能性もある。代わりに、このGSリンカーは、ヒンジ領域全体を含み得る。そのような一実施形態では、このヒンジ領域は、配列番号33の核酸配列によってコードされる。別のそのような実施形態では、このヒンジ領域は、配列番号34の核酸配列によってコードされる。いくつかの実施形態では、IGG4は、(いくつかの実施形態では配列番号104の核酸配列によってコードされる)ヒンジ領域として再利用される。さらに別の実施形態では、このヒンジ領域は、IGG4のN末端切頭型及び/又はIGG4のC末端切頭型を含む。実施形態に応じて、これらの切頭は、配列番号104によってコードされるヒンジに対して少なくとも約5

10

20

30

40

50

0%、少なくとも約60%、少なくとも約70%、少なくとも約80%又は少なくとも約90%相同であり得る。

【0150】

いくつかの実施形態では、本キメラ受容体構築物は、2B4細胞内シグナル伝達ドメインを利用する。いくつかの実施形態では、このドメインは、配列番号35のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、この2B4ドメインは、配列番号36の核酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、キメラ受容体中で使用される2B4細胞内ドメインの配列は、配列番号36と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号36と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体のシグナル伝達ドメインは、配列番号36と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。同様に、いくつかの実施形態では、NKp80細胞内ドメインがいくつかの実施形態で使用される。一部の実施形態では、このNKp80ドメインは、唯一の細胞内シグナル伝達ドメインであるが、一部の実施形態では、このドメインは、1つ又は複数の追加的なドメインとともに使用される。いくつかの実施形態では、このNKp80は、配列番号37のアミノ酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、このNKp80ドメインは、配列番号38の核酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、キメラ受容体中で使用されるNKp80細胞内ドメインの配列は、配列番号38と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号38と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体のシグナル伝達ドメインは、配列番号38と異なり得るが、このキメラ受容体は、NK細胞の活性化機能及び/又は細胞傷害機能を保持するか、又は一部の実施形態では増強している。

10

20

【0151】

いくつかの実施形態では、本キメラ受容体は、膜貫通ドメインとして アドレナリン受容体の一部を使用する。いくつかの実施形態では、この部分は、アドレナリン細胞外ドメインの一部を含む。いくつかの実施形態では、この部分は、アドレナリン受容体膜貫通ドメインの一部である。いくつかの実施形態では、アドレナリン受容体の細胞外ドメイン及び膜貫通ドメインの組み合わせが使用される。実施形態に応じて、この部分は、
- 1及び/ - 2のアドレナリン受容体に由来する。いくつかの実施形態では、この
- 2アドレナリン受容体のN末端細胞外領域の一部が使用される。いくつかの実施形態では、この部分は、配列番号39のアミノ酸配列を有する。一部の実施形態では、細胞外
- 2アドレナリンドメインは、配列番号40の核酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、キメラ受容体中で使用される細胞外
- 2アドレナリンドメインの配列は、配列番号39と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号39と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、この
- 2アドレナリン受容体の第1の膜貫通ヘリックスは、任意選択により細胞外
- 2アドレナリンドメインとともに使用される。いくつかの実施形態では、この
- 2アドレナリン受容体の第1の膜貫通ヘリックスは、配列番号41のアミノ酸配列を有する。一部の実施形態では、この
- 2アドレナリン受容体の第1の膜貫通ヘリックスは、配列番号42の核酸配列によってコードされる。一部の実施形態では、キメラ受容体中で使用される
- 2アドレナリン受容体の第1の膜貫通ヘリックスの配列は、配列番号41と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号41と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。

30

40

【0152】

一実施形態では、本キメラ受容体は、CD8、切頭型NKG2D、CD8a、膜貫通ドメイン、CD16細胞内ドメイン及び共刺激分子として4-1BBを含む。いくつかの実施形態では、そのような構築物は、配列番号25によってコードされる。一部の実施形態

50

では、このキメラ受容体は、配列番号25と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号25と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、CD8を囲むヒンジ領域は、非限定的な例としてGS3等のGSリンカー（本明細書で開示されている）の追加により増加する。そのような実施形態では、この構築物は、配列番号43の核酸によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号43と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号43と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、CD8を囲むヒンジ領域は、GS12等のより長いGSリンカー又は他のリンカーの追加により増加する。いくつかの実施形態では、ヒンジ領域は、CD8を切頭することにより減少する。例えば、いくつかの実施形態では、CD8aのN末端領域は、少なくとも20%、少なくとも30%、少なくとも40%又は少なくとも50%切頭されている。いくつかの実施形態では、このCD8ヒンジ領域は、GSリンカーに置き換えられている。例えば、いくつかの実施形態では、このヒンジ領域は、GS3リンカーを含み、それにより、構築物は、NKG2D-GS3-CD16-4-1BBを含む。一実施形態では、そのような構築物は、配列番号44の核酸によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号44と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号44と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、CD8又はGSnのいずれも使用されない。一実施形態では、そのような構築物は、配列番号45の核酸によってコードされる。一部の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号45と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号45と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。

10

20

30

40

50

【0153】

上記で論じたように、いくつかの実施形態では、コドン最適化された配列が利用される。例えば、いくつかの実施形態では、コドン最適化（完全又は部分的）は、キメラ受容体のNKG2Dドメイン上で実施される。しかしながら、いくつかの実施形態では、コドン最適化は、実施されない。いくつかの実施形態では、キメラ受容体構築物は、最適化されていないNKG2D細胞外ドメインと、CD8aヒンジと、4-1BBシグナル伝達ドメインとを備えている。いくつかの実施形態では、キメラ受容体構築物は、最適化されていないNKG2D細胞外ドメインと、CD8ヒンジ及び膜貫通ドメインと、4-1BBシグナル伝達ドメインとを備えている。いくつかの実施形態では、キメラ受容体構築物は、最適化されていないNKG2D細胞外ドメインと、CD8aヒンジ及び膜貫通ドメインと、4-1BBシグナル伝達ドメインと、2B4シグナル伝達ドメインとを備えている。いくつかの実施形態では、そのような構築物は、配列番号46の核酸配列を有する。一部の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号46と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号46と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。

【0154】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体構築物は、最適化されていないNKG2D細胞外ドメインと、アドレナリン由来膜貫通ドメインと、4-1BBシグナル伝達ドメインとを備えている。いくつかの実施形態では、キメラ受容体構築物は、最適化されていないNKG2D細胞外ドメインと、 α -2アドレナリン受容体の細胞外領域及び α -2アドレナリン受容体の第1の膜貫通ヘリックスで構成されているアドレナリン由来膜貫通ドメインと、4-1BBシグナル伝達ドメインとを備えている。いくつかの実施形態では、キメラ受容体構築物は、最適化されていないNKG2D細胞外ドメインと、 α -2アドレナリン受容体の細胞外領域及び α -2アドレナリン受容体の第1の膜貫通ヘリックスで構成されているアドレナリン由来膜貫通ドメインと、4-1BBシグナル伝達ドメインと、2B4シグナル伝達ドメインとを備えている。いくつかの実施形態では、そのような構築

物は、配列番号47の核酸配列を有する。一部の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号47と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号47と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。

【0155】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体構築物は、最適化されていないNKG2D細胞外ドメインと、CD8aヒンジと、2B4シグナル伝達ドメインとを備えている。いくつかの実施形態では、キメラ受容体構築物は、最適化されていないNKG2D細胞外ドメインと、CD8aヒンジ及び膜貫通ドメインと、2B4シグナル伝達ドメイン及び4-1BBシグナル伝達ドメインの両方とを備えている。いくつかの実施形態では、キメラ受容体構築物は、最適化されていないNKG2D細胞外ドメインと、CD8ヒンジ及び膜貫通ドメインと、4-1BBシグナル伝達ドメイン及び2B4シグナル伝達ドメインと、NKp80ドメインとを備えている。いくつかの実施形態では、2B4ドメイン及びNKp80ドメインは、GS3リンカー等のGSリンカーにより連結されている。いくつかの実施形態では、そのような構築物は、配列番号48の核酸配列を有する。一部の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号48と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号48と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。

10

【0156】

いくつかの実施形態では、キメラ受容体構築物は、最適化されていないNKG2D細胞外ドメインと、CD8aヒンジと、NKp80シグナル伝達ドメインとを備えている。いくつかの実施形態では、キメラ受容体構築物は、最適化されていないNKG2D細胞外ドメインと、CD8aヒンジ及び膜貫通ドメインと、NKp80シグナル伝達ドメインとを備えている。いくつかの実施形態では、キメラ受容体構築物は、最適化されていないNKG2D細胞外ドメインと、CD8aヒンジ及び膜貫通ドメインと、4-1BBシグナル伝達ドメインと、NKp80ドメインとを備えている。いくつかの実施形態では、4-1BBドメイン及びNKp80ドメインは、GS3リンカー等のGSリンカーにより連結されている。いくつかの実施形態では、そのような構築物は、配列番号49の核酸配列を有する。一部の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号49と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号49と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。

20

30

【0157】

いくつかの実施形態では、CD8膜貫通ドメインは、2B4細胞内ドメインに共役されている。いくつかの実施形態では、CD8膜貫通ドメインは、膜貫通であり且つ細胞内である2B4ドメインに置き換えられている。いくつかの実施形態では、このCD8膜貫通ドメインは、2B4に置き換えられており、4-1BBは、近位配置で発現される。

【0158】

いくつかの実施形態では、CD16細胞内シグナル伝達ドメインは、本明細書で説明されたキメラ受容体に対してトランスで外因的に発現されるCD3又はサブユニットに共役されている。上記で論じたように、そのような構築物は、予想外にも増強されたシグナル伝達をもたらし得、そのため、NK細胞の細胞毒性効果の予想外の増加をもたらし得る。

40

【0159】

いくつかの実施形態では、本明細書でさらに詳細に論じられているように、本キメラ受容体は、二量体化するように構成されている。いくつかの実施形態では、本明細書で開示されたいくつかの実施形態に係る切頭型NKG2D受容体は、任意選択により二量体化されている。二量体化は、実施形態に応じてホモ二量体又はヘテロ二量体を含み得る。いくつかの実施形態では、二量体化により、このキメラ受容体（したがって、この受容体を発現するNK細胞）のアビディティは、有害な毒性効果の減少（又は欠如）における同等のバランスを有してより良好なリガンド認識にシフトされる。さらなる実施形態では、細胞

50

外受容体ドメインは、CD8aシグナルペプチドをさらに含む。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、内部二量体を利用するか、又は1つ若しくは複数の成分サブユニットの繰り返しを利用する。例えば、いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、第2のNKGD2D細胞外ドメインに共役されたNKGD2D細胞外ドメインと、膜貫通/シグナル伝達領域（又は別個のシグナル伝達領域とともに別個の膜貫通領域）とを含む。いくつかの実施形態では、このNKGD2D細胞外ドメインの1つ又は複数は、コドン最適化されている。いくつかの実施形態では、2つのNKGD2D細胞外ドメインがリンカー（例えば、GSnリンカー）により分離されている。一実施形態では、GS3リンカーが使用される。いくつかの実施形態では、膜貫通ドメインは、アドレナリン受容体の細胞外領域を含む。いくつかの実施形態では、膜貫通ドメイン膜貫通ドメインは、-2アドレナリン受容体の細胞外領域を含み、-2アドレナリン受容体の第1の膜貫通ドメインをさらに含む。いくつかの実施形態では、シグナル伝達領域は、4-1BBを含む。いくつかの実施形態では、シグナル伝達領域は、NKp80を含む。いくつかの実施形態では、シグナル伝達領域は、CD16膜貫通-細胞内ドメインを含む。いくつかの実施形態では、シグナル伝達領域は、NKp80又はCD16膜貫通-細胞内ドメインとともに4-1BBを含む。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号50の核酸配列を有する。一部の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号50と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号50と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号51の核酸配列を有する。一部の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号51と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号51と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号52の核酸配列を有する。一部の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号52と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号52と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、ヒンジ領域を含む。いくつかの実施形態では、CD8aは、（いくつかの実施形態では配列番号5の核酸配列によってコードされる）ヒンジ領域として機能するように再利用される。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、CD8a膜貫通ドメインを含む。いくつかの実施形態では、このシグナル伝達領域は、2B4及びCD3とともに4-1BBを含む。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、GS3リンカーに共役されている、コドン最適化されているNKGD2Dの断片と、追加的なNKGD2D断片と、CD8aヒンジと、CD8a膜貫通ドメインと、4-1BB及びCD3を含むエフェクタードメインとを含む。いくつかの実施形態では、このキメラセプターは、配列番号66の核酸配列を有する。一部の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号66と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号50と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。いくつかの実施形態では、このキメラセプターキメラ受容体は、配列番号67のアミノ酸配列を含む。一部の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号66と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号50と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。

【0160】

いくつかの実施形態では、本明細書でさらに詳細に論じられているように、本キメラ受容体は、二重特異性であるように構成されている。いくつかの実施形態では、本明細書で開示されたいくつかの実施形態に係る切頭型NKGD2D受容体は、例えば、非NKGD2Dリガンドに結合する第2のペプチドに起因して二重特異性である。いくつかの実施形態では、二重特異性により、このキメラ受容体（したがって、この受容体を発現するNK細胞）のターゲティングは、有害な毒性効果の減少（又は欠如）における同等のバランスを有してより良好な標的細胞認識にシフトされる。さらなる実施形態では、細胞外受容体ドメ

インは、CD8シグナルペプチドをさらに含む。例えば、いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、他の（非NKGD2D）リガンドに結合する第2の細胞外ドメインに共役されたNKGD2D細胞外ドメインと、膜貫通/シグナル伝達領域（又は別個のシグナル伝達領域とともに別個の膜貫通領域）とを含む。いくつかの実施形態では、2つの細胞外ドメインがリンカー（例えば、GSnリンカー）により分離されている。一実施形態では、GS3リンカーが使用される。

【0161】

本明細書で開示されたいくつかの実施形態によれば、コドン最適化されたNKGD2Dドメインを利用する追加的なキメラ受容体が提供される（任意選択により、この構築物は、最適化されていないか又は部分的に最適化されたドメインによっても複製され得る）。例えば、いくつかの実施形態では、コドン最適化された細胞外ドメインは、ヒンジ及び少なくとも2つの膜貫通/シグナル伝達ドメインに共役されている。いくつかの実施形態では、複数のシグナル伝達ドメインによりNK細胞の細胞傷害効力が増強され、なぜなら、複数の非冗長のシグナルカスケードが開始されるからである。いくつかの実施形態では、これらの複数の経路は、単一のシグナル伝達分子（例えば、IFN）に収束し得るが、細胞傷害エンドポイントを駆動するシグナル伝達分子の全体的な大きさのため、全体的な細胞傷害効果が予想外にも増加する。非限定的な例として、いくつかの実施形態では、NKGD2Dは、CD16膜貫通-細胞内シグナル伝達ドメイン及び4-1BBシグナル伝達ドメインが後に続くCD8aヒンジに共役されている。いくつかの実施形態では、この構築物は、2B4シグナル伝達ドメインをさらに含む。いくつかの実施形態では、そのようなキメラ受容体は、配列番号53の核酸配列を有する。一部の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号53と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号53と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。追加的な実施形態では、NKGD2D-CD8a-CD16IC/TM構築物は、NKp80シグナル伝達ドメインをさらに含む。いくつかの実施形態では、そのような構築物は、4-1BBドメインとNKp80ドメインとの間にGS3リンカーをさらに含む。いくつかの実施形態では、そのようなキメラ受容体は、配列番号54の核酸配列を有する。一部の実施形態では、このキメラ受容体は、配列番号54と異なり得るが、実施形態に応じて、配列番号54と少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%又は少なくとも95%相同のままである。

【0162】

さらに追加的な実施形態では、キメラ受容体の特定の成分は、効力（例えば、NK細胞の活性化又は細胞傷害性）の増強をもたらす1つ又は複数の追加的なサブユニットに置き換えられ得る。例えば、一実施形態では、CD16細胞内シグナル伝達ドメインは、DAP10の四重反復（例えば、4xDAP10）に置き換えられ得る。追加的な実施形態では、CD16細胞内シグナル伝達ドメインは、Zap70サブユニットに置き換えられ得る。特定のそのような実施形態は、NK細胞の細胞傷害性の予想外の増強をもたらす。

【0163】

いくつかの追加的な実施形態では、エフェクタードメインは、リガンドの結合時に活性化シグナル伝達を増強するために1つ又は複数のコンセンサスヘミITAM配列を含む。追加的な実施形態では、4-1BB、CD16、NCR1、NCR2及び/又はNCR3のシグナル伝達ドメイン間のGSリンカーの包含によりシグナル伝達が増強される。さらに、いくつかの実施形態では、CD3及びFcRの一方又は両方は、（同一又は別個の構築物上で）本明細書で説明されたキメラ受容体とともにさらに発現され、これによりシグナル伝達が増強され、そのため、NK細胞の細胞傷害効果が予想外にも増加する。実施形態に応じて、CD3及びFcRの1つ又は複数の操作された発現は、NK細胞によるこれらの分子の内因性発現を補い、それによりNK細胞のシグナル伝達及び究極の細胞傷害効力がさらに増強される。

【0164】

任意選択により、実施形態に応じて、本明細書で開示されたポリヌクレオチドのいずれかは、キメラ受容体の構成サブユニットの1つ又は複数の切頭及び/又はバリエーションコードし得、NK細胞を標的細胞に向ける能力を依然として保持し得、いくつかの実施形態では、結合時に細胞傷害性を予想外にも増強し得る。加えて、本明細書で開示されたポリヌクレオチドのいずれかは、任意選択により、キメラ受容体の様々な構成サブユニットをコードするコドン最適化ヌクレオチド配列も含み得る。本明細書で使用される場合、用語「断片」及び「切頭型」は、それらの通常の意味が与えられるものとし、且つタンパク質のN末端欠失バリエーション及びC末端欠失バリエーションも含むものとする。

【0165】

本明細書で説明されたキメラ受容体をコードするポリヌクレオチドをベクターに挿入して、NK細胞中での組換えタンパク質発現を達成し得る。一実施形態では、このポリヌクレオチドは、このキメラ受容体の発現のための少なくとも1つの調節エレメントに作動可能に連結されている。具体的な実施形態では、本明細書で開示されたペプチドに対して異種の転写調節エレメント（例えば、内部リボソーム侵入部位（IRES）又はエンハンサーエレメント）を利用して、このキメラ受容体の転写が指示される。いくつかの実施形態では、このポリヌクレオチドは、1つ又は複数の細胞質プロテアーゼ開裂部位を含む。いくつかの実施形態では、この開裂部位は、細胞質プロテアーゼにより認識されて開裂される。一部の実施形態では、この開裂部位は、T2A開裂部位、P2A開裂部位、E2A開裂部位及びF2A開裂部位を含む群から選択される。実施形態に応じて、キメラ受容体の様々な構成部分は、単一のベクターで又は代わりに複数のベクターでNK細胞に送達され得る。一部の実施形態では、キメラ受容体構築物は、単一のベクターで送達されるが、キメラ受容体の効力を増強する別の因子（例えば、mbIL15）は、別個のベクターで送達される。いくつかの実施形態では、キメラ受容体及びこのキメラ受容体の効力を増強する因子（例えば、mbIL15）は、単一のベクターで送達される。使用されるベクターの数に関係なく、任意のポリヌクレオチドは、タグ配列を任意選択により含み得、この構築物を発現するNK細胞の存在の認識を可能にする。例えば、いくつかの実施形態では、FLAGタグ（DYKDDDDK、配列番号55）が使用される。同様に利用可能であるのは、他のタグ配列であり、例えばポリヒスチジンタグ（His-タグ）（HHHHHH、配列番号56）、HA-タグ又はmyc-タグ（EQKLISEEDL；配列番号57）である。代わりに、緑色蛍光タンパク質又は他の蛍光部分が使用される。タグのタイプの組み合わせも使用して、キメラ受容体のサブコンポーネントを個別に認識し得る。

【0166】

いくつかの実施形態では、本キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドは、エレクトロポレーションによりNK細胞中に導入され得るmRNAである。別の実施形態では、ベクターは、形質導入によりNK細胞中に導入され得るウイルス（好ましくはレトロウイルス）である。いくつかの実施形態では、このベクターは、マウス幹細胞ウイルス（MSCV）である。追加的な実施形態では、他のベクターが使用され得、例えばレンチウイルス、アデノウイルス、アデノ随伴ウイルス及び同様のものが使用され得る。いくつかの実施形態では、非HIV由来レトロウイルスが使用される。選択されるベクターは、様々な因子（例えば、限定されないが、転写調節エレメントの強度及びタンパク質を発現するために使用される細胞）に依存するであろう。このベクターは、プラスミド、ファージミド、コスミド、ウイルスベクター、ファージ、人工染色体及び同様のものであり得る。追加的な実施形態では、このベクターは、エピソームの非相同的に又は相同的に組み込むベクターであり得、このベクターは、このベクターを形質転換するための任意の適切な手段（形質転換、遺伝子導入、コンジュゲーション、プロトプラスト融合、エレクトロポレーション、リン酸カルシウム沈殿、直接マイクロインジェクション等）により、適切な細胞中に導入され得る。いくつかの実施形態では、NK細胞中でキメラ受容体の発現を誘導するための他のアプローチが使用され、このアプローチとして例えば下記が挙げられる：SV40初期プロモーター領域、ラウス肉腫ウイルスの3'長末端反復に含まれるプロモーター、ヘルペスチミジンキナーゼプロモーター、メタロチオネイン遺伝子の調節配列、アデノ

10

20

30

40

50

ウイルス (ADV) プロモーター、サイトメガロウイルス (CMV) プロモーター、ウシパピローマウイルス (BPV) プロモーター、パロウイルス B19p6 プロモーター、ラクタマーゼプロモーター、tac プロモーター、ノバリンシンターゼプロモーター領域又はカリフラワーモザイクウイルス 35S RNA プロモーター、リブ्रोースビスリン酸カルボキシラーゼのプロモーター、Gal 4 プロモーター、ADC (アルコールデヒドロゲナーゼ) プロモーター、PGK (ホスホグリセロールキナーゼ) プロモーター、骨髄増殖性肉腫ウイルスエンハンサーとともに、操作された MoMuLV LTR の U3 領域を含む合成 MND プロモーター及びアルカリホスファターゼプロモーター。

【0167】

本明細書で開示されたキメラ受容体を発現するようにナチュラルキラー細胞を操作し得る。キメラ受容体発現構築物は、当業者に既知の技術のいずれかを使用してNK細胞に導入され得る。一実施形態では、このキメラ受容体は、NK細胞中で一時的に発現される。別の実施形態では、このキメラ受容体は、NK細胞中で安定的に発現される。追加的な実施形態では、このNK細胞は、自己細胞である。さらに別の実施形態では、このNK細胞は、ドナー由来 (同種) 細胞である。

【0168】

本明細書でさらに提供されるのは、癌又は感染性疾患を有する対象を処置する方法であって、本明細書で開示されたキメラ受容体を発現するように操作されたNK細胞を含む組成物を対象に投与することを含み、このキメラ受容体は、損傷又は罹患した細胞又は組織上で差次的に発現される (例えば、正常な細胞又は組織と比較して異なる程度で発現される) マーカー又はリガンドを標的とするように設計されている、方法である。本明細書で使用される場合、用語「発現する」、「発現される」及び「発現」は、それらの通常の意味が与えられ、遺伝子配列又はポリヌクレオチド配列の情報の顕在化を可能にすること又は引き起こすことを指すものとし、例えば対応する遺伝子配列又はDNA配列の転写及び翻訳に關与する細胞機能を活性化させることによるタンパク質の産生を指すものとする。発現産物自体 (例えば、結果として生じるタンパク質) が細胞により「発現される」と呼ばれる場合もある。発現産物は、細胞内、細胞外又は膜貫通として特徴付けられ得る。用語「細胞内」は、その通常の意味が与えられるものとし、且つ細胞の内側を指すものとする。用語「細胞外」は、その通常の意味が与えられるものとし、且つ細胞の外側を指すものとする。用語「膜貫通」は、その通常の意味が与えられるものとし、且つポリペプチドの少なくとも一部が細胞膜に埋め込まれていることを指すものとする。用語「細胞質」は、その通常の意味が与えられるものとし、且つ細胞膜内、核外に存在することを指すものとする。本明細書で使用される場合、対象への治療の投与に關連する用語「処置する」、「処置すること」及び「処置」は、それらの通常の意味が与えられるものとし、且つ対象が治療から得られる有益な効果を指すものとする。いくつかの実施形態では、本明細書で説明された遺伝子操作細胞による対象の処置により、例えば下記で挙げられる効果の1つ、2つ、3つ、4つ又はより多くが達成される：(i) 疾患又はそれに関連する症状の重症度の軽減又は寛解；(ii) 疾患に関連する症状の持続時間の短縮；(iii) 疾患又はそれに関連する症状の進行に対する保護；(iv) 疾患又はそれに関連する症状の退行；(v) 疾患に関連する症状の発生又は発症に対する保護；(vi) 疾患に関連する症状の再発に対する保護；(vii) 対象の入院の減少；(viii) 入院の長さの短縮；(ix) 疾患を有する対象の生存率の増加；(x) 疾患に関連する症状の数の減少；(xi) 別の治療の予防効果又は治療効果の増強、改善、補充、補完又は増大。投与は、様々な経路 (例えば、限定されないが、罹患した組織への静脈内送達、動脈内送達、皮下送達、筋肉内送達、肝内送達、腹腔内送達及び/又は局所送達) によるものであり得る。NK細胞の用量は、所定の対象に關して、この対象の体重、疾患の種類及び状態並びに所望の処置の積極性に基づいて用意に決定され得るが、実施形態に応じて、1kg当たり約 10^5 個の細胞~1kg当たり約 10^{12} 個の細胞の範囲 (例えば、 $10^5 \sim 10^7$ 個、 $10^7 \sim 10^{10}$ 個、 $10^{10} \sim 10^{12}$ 個及びそれらの重複範囲) である。一実施形態では、用量漸増レジメンを使用する。いくつかの実施形態では、ある範囲のNK細胞 (例えば、約 1×10

10

20

30

40

50

⁶個の細胞 / k g ~ 約 1×10^8 個の細胞 / k g) を投与する。実施形態に応じて、様々な種類の癌又は感染性疾患を処置し得る。本明細書で提供される様々な実施形態は、下記の癌の非限定的な例の処置又は予防を含む：例えば、限定されないが、急性リンパ芽球性白血病 (ALL)、急性骨髄性白血病 (AML)、副腎皮質癌、カボジ肉腫、リンパ腫、胃腸癌、虫垂癌、中枢神経癌、基底細胞癌、胆管癌、膀胱癌、骨癌、脳腫瘍 (例えば、限定されないが、星状細胞腫、脊髄腫瘍、脳幹グリオーマ、頭蓋咽頭腫、上衣芽細胞腫、上衣腫、髓芽腫、髓上皮腫)、乳癌、気管支腫瘍、パーキットリンパ腫、子宮頸癌、結腸癌、慢性リンパ性白血病 (CLL)、慢性骨髄性白血病 (CML)、慢性骨髄増殖性障害、乳管癌、子宮内膜癌、食道癌、胃癌、ホジキンリンパ腫、非ホジキンリンパ腫、有毛細胞白血病、腎細胞癌、白血病、口腔癌、上咽頭癌、肝癌、肺癌 (例えば、限定されないが、非小細胞肺癌 (NSCLC) 及び小細胞肺癌)、膵癌、腸癌、リンパ腫、黒色腫、眼癌、卵巣癌、膵癌、前立腺癌、下垂体癌、子宮癌並びに腔癌。

10

【0169】

さらに、本明細書で提供される様々な実施形態は、下記の非限定的な例の感染性疾患の処置又は予防を含み、この感染性疾患として細菌起源の感染が挙げられるが、それに限定されず、例えば下記の属の1つ又は複数からの細菌による感染が含まれ得る：ボルデテラ (Bordetella)、ボレリア (Borrelia)、ブルセラ (Brucella)、カンピロバクター (Campylobacter)、クラミジア (Chlamydia) 及びクラミドフィラ (Chlamydophila)、クロストリジウム (Clostridium)、コリネバクテリウム (Corynebacterium)、エンテロコッカス (Enterococcus)、エシェリキア (Escherichia)、フランシセラ (Francisella)、ヘモフィルス (Haemophilus)、ヘリコバクター (Helicobacter)、レジオネラ (Legionella)、レプトスピラ (Leptospira)、リステリア (Listeria)、マイコバクテリウム (Mycobacterium)、マイコプラズマ (Mycoplasma)、ナイセリア (Neisseria)、シュードモナス (Pseudomonas)、リケッチア (Rickettsia)、サルモネラ (Salmonella)、シゲラ (Shigella)、スタフィロコッカス (Staphylococcus)、ストレプトコッカス (Streptococcus)、トレポネマ (Treponema)、ビブリオ (Vibrio) 及びエルシニア (Yersinia) 並びにこれらの変異体又は組み合わせ。いくつかの実施形態では、ウイルス感染 (例えば、1つ又は複数のウイルスにより引き起こされるもの) を処置するために様々なものを処置する方法が提供され、このウイルスとして下記が挙げられる：アデノウイルス、コクサッキーウイルス、エプスタイン-バーウイルス、a型肝炎ウイルス、b型肝炎ウイルス、c型肝炎ウイルス、単純ヘルペスウイルス1型、単純ヘルペスウイルス2型、サイトメガロウイルス、デボラウイルス、ヒトヘルペスウイルス8型、HIV、インフルエンザウイルス、麻疹ウイルス、ムンプスウイルス、ヒトパピローマウイルス、パラインフルエンザウイルス、ポリオウイルス、狂犬病ウイルス、呼吸器合抱体ウイルス、風疹ウイルス及び水痘帯状疱疹ウイルス。

20

30

【0170】

いくつかの実施形態では、同様に本明細書で提供されるのは、配列番号1~68のそれぞれの核酸配列又はアミノ酸配列と比較して少なくとも80%、85%、90%、95%、96%、97%、98%、99% (及びそれらの中の範囲) 相同であり、且つそれぞれの配列番号1~68と比較して機能の1つ又は複数も示す核酸配列及びアミノ酸配列であり、この機能として下記が挙げられるが、それらに限定されない：(i) 増殖の増強、(ii) 活性化の増強、(iii) 核酸配列及びアミノ鎖配列によってコードされる受容体を有するNK細胞が結合するリガンドを提示する細胞に対する細胞傷害活性の増強、(iv) 腫瘍又は感染部位へのホーミングの増強、(v) オフターゲット細胞傷害効果の減少、(vi) 免疫刺激性サイトカイン及びケモカイン (例えば、限定されないが、IFNg、TNFa、IL-22、CCL3、CCL4 及び CCL5) の分泌の増強、(vii) さらに自然免疫応答及び適応免疫応答を刺激する能力の増強、並びに (viii) これ

40

50

らの組み合わせ。

【0171】

加えて、いくつかの実施形態では、核酸コードの縮重を説明しつつ、本明細書で開示された核酸のいずれかに対応するアミノ鎖配列が提供される。さらに、本明細書で明示的に開示されたものと異なるが、機能の類似性又は均等性を有するこの配列（核酸又はアミノ酸）も本開示の範囲内で企図される。上記には、変異体、切頭、置換又は他の種類の改変が含まれる。

【0172】

本明細書では、いくつかの実施形態に従い、細胞外受容体ドメインを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドであって、この細胞外受容体ドメインは、ナチュラルキラーグループ2メンバーD（NKG2D）の天然リガンドに結合するペプチドを含み、NKG2Dの天然リガンドに結合するペプチドは、膜貫通領域及び細胞内シグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインであるNKG2Dの断片である、ポリヌクレオチドが提供される。いくつかの実施形態では、NKG2Dの断片は、配列番号2、若しくは3、若しくは68の配列を含むポリヌクレオチド又はその機能的均等物によってコードされる。いくつかの実施形態では、このポリヌクレオチドは、CD16を含むエフェクタードメインをコードする。いくつかの実施形態では、このポリヌクレオチドは、NCR1を含むエフェクタードメインをコードする。いくつかの実施形態では、このポリヌクレオチドは、NCR2を含むエフェクタードメインをコードする。いくつかの実施形態では、このポリヌクレオチドは、NCR3を含むエフェクタードメインをコードする。いくつかの実施形態では、このポリヌクレオチドは、4-1BBを含む追加的なエフェクタードメイン部分をコードする。いくつかの実施形態では、このポリヌクレオチドは、NKG2D及びCD16で構成されたキメラ受容体をコードする。いくつかの実施形態では、このポリヌクレオチドは、NKG2D及びNCR1で構成されたキメラ受容体をコードする。いくつかの実施形態では、このポリヌクレオチドは、NKG2D及びNCR2で構成されたキメラ受容体をコードする。追加的な実施形態では、このポリヌクレオチドは、CD16及び任意選択により4-1BBに共役されたNKG2Dで構成されたキメラ受容体をコードする。いくつかの実施形態では、CD16は、NCR1に置き換えられており、いくつかの実施形態では、実施形態に応じて、NCR2又はさらにNCR3に置き換えられている。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、例えば、4-1BBとCD16、NCR1、NCR2又はNCR3の1つとの間にGSリンカーをさらに含む。

【0173】

いくつかの実施形態では、細胞外受容体ドメインは、ヒンジ領域をさらに含む。いくつかの実施形態では、このヒンジ領域は、CD8aを含む。しかしながら、追加的な実施形態では、このヒンジ領域は、1つ又は複数のリンカーを含み、このリンカーは、いくつかの実施形態では、GS9、CD8a/GS3、切頭型CD8a、GS3及び同様のものを含む。

【0174】

いくつかの実施形態では、この細胞外受容体ドメインは、CD8aシグナルペプチドをさらに含む。いくつかの実施形態では、エフェクタードメインは、1つ又は複数のヘミITAM配列を含む。いくつかの実施形態では、本キメラ受容体は、DNA X活性化タンパク質10（DAP10）を含まない。いくつかの実施形態では、このキメラ受容体は、ITAMモチーフを含まず、むしろ代替シグナル伝達領域（例えば、ITSM、ヘミ-タム又は他の共刺激領域）を利用する。

【0175】

一実施形態では、細胞外受容体ドメインを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドであって、この細胞外受容体ドメインは、ナチュラルキラーグループ2メンバーD（NKG2D）の天然リガンドに結合するペプチドを含み、このNKG2Dの天然リガンドに結合するペプチドは、膜貫通領域であるNKG2Dの断片であり、この膜貫通領域は、CD8a及びエフェクタードメインを含み、このエフェクタードメインは、4-1BB

10

20

30

40

50

及びCD3 を含み、このポリヌクレオチドは、膜結合インターロイキン15 (mbIL15) をコードする追加的な構築物と同時発現される、ポリヌクレオチドが提供される。

【0176】

いくつかの実施形態では、細胞外受容体ドメインを含む、キメラ受容体をコードするポリヌクレオチドであって、この細胞外受容体ドメインは、ナチュラルキラーグループ2メンバーD (NKGD2) の天然リガンドに結合するペプチドを含み、このNKGD2の天然リガンドに結合するペプチドは、膜貫通領域であるNKGD2の断片であり、この膜貫通領域は、CD8a及びエフェクタードメインを含み、このエフェクタードメインは、4-1BBと2B4又はDAP10の細胞内ドメインとを含む、ポリヌクレオチドも提供される。本明細書で説明されたキメラ受容体をコードするポリヌクレオチドは、NKGD2の天然リガンドに結合する第2のペプチドを含む。いくつかの実施形態では、NKGD2の天然リガンドとして、MICA、MICB、ULBP1、ULBP2、ULBP3、ULBP4、ULBP5又はULBP6が挙げられるが、それらに限定されない。いくつかの実施形態では、NKGD2の天然リガンドに結合するキメラ受容体の部分は、配列番号1、2、3又は68に対して少なくとも80%相同である。

10

【0177】

いくつかの実施形態では、提供されるポリヌクレオチドは、mRNAである。一部の実施形態では、このポリヌクレオチドは、キメラ受容体の発現のための少なくとも1つの調節エレメントに作動可能に連結されている。本明細書で使用される場合、用語「核酸」、「ヌクレオチド」及び「ポリヌクレオチド」は、その通常の意味が与えられるものとし、デオキシリボヌクレオチド、デオキシリボ核酸、リボヌクレオチド及びリボ核酸並びにそれらのポリマー形態を含むものとし、且つ一本鎖形態又は二本鎖形態を含む。核酸は、天然に存在する核酸(例えば、デオキシリボ核酸(「DNA」)及びリボ核酸(「RNA」))並びに核酸類似体を含む。核酸類似体として、天然に存在するホスホジエステル結合以外の他のヌクレオチドと結合するヌクレオチドである、天然に存在しない塩基を含むもの又はホスホジエステル結合以外の結合を介して付着した塩基を含むものが挙げられる。そのため、核酸類似体として、例えば、限定されないが、ホスホロチオエート、ホスホロジチオエート、ホスホロトリエステル、ホスホルアミデート、ボラノホスフェート、メチルホスホネート、キラルメチルホスホネート、2-O-メチルリボヌクレオチド、ペプチド核酸(PNA)、ロックド核酸(LNA)及び同様のものが挙げられる。本明細書で使用される場合、例えば異種核酸配列に「作動可能に連結されている」調節核酸配列に関連する用語「作動可能に連結されている」は、その通常の意味が与えられるものとし、且つこの調節核酸配列が異種核酸配列と機能的関係に置かれていることを意味するものとする。IRESに関連して、「作動可能に連結されている」は、内部リボソーム侵入部位を含む核酸配列と、異種コード配列が翻訳されるmRNA配列の中央での異種コード配列開始との間の機能的連結を指す。本明細書で使用される場合、用語「ベクター」は、その通常の意味が与えられるものとし、且つDNA配列又はRNA配列(例えば、外来遺伝子)を遺伝子操作細胞中に導入し、遺伝子操作された細胞を形質転換させて、導入された配列の発現(例えば、転写及び/又は翻訳)を促進し得る媒体を指すものとする。ベクターとして、ウイルス、プラスミド、ファージ等が挙げられる。用語「キメラ受容体」は、本明細書で使用される場合、その通常の意味が与えられるものとし、且つ単一タンパク質上で天然に一緒に見出されない少なくとも2つのポリペプチドドメインを含む細胞表面受容体を指すものとする。用語「キメラ受容体複合体」は、本明細書で使用される場合、単一タンパク質上で自然界において一緒に見出されない組み合わせで少なくとも2つのポリペプチドドメインを含み得る第1のポリペプチドを指し、この第1のポリペプチドは、第2のポリペプチド(例えば、アダプターポリペプチド)、シグナル伝達分子又は刺激分子と関連している。本明細書で開示されたキメラ受容体の生成及び使用に関する追加的な用語は、当業者により容易に理解され、且つ国際公開第2014/117121号パンフレット及び米国特許第7,994,298号明細書(これらのそれぞれは、その全体が参照により本明細書に組み込まれる)でも見出され得る。

20

30

40

50

【0178】

いくつかの実施形態に従って追加で提供されるのは、本明細書で提供されたポリヌクレオチドのいずれかをコードするポリヌクレオチドを含むベクターであって、このポリヌクレオチドは、任意選択により、キメラ受容体の発現のための少なくとも1つの調節エレメントに作動可能に連結されている、ベクターである。いくつかの実施形態では、このベクターは、レトロウイルスである。

【0179】

本明細書でさらに提供されるのは、本明細書で開示されたポリヌクレオチド、ベクター又はキメラ受容体を含む操作されたナチュラルキラー細胞である。いくつかの実施形態では、このNK細胞は、疾患（例えば、癌及び/又は感染性疾患）の予防の処置での使用に適している。

10

【実施例】

【0180】

方法

以下の実験方法及び材料は、以下に開示される非限定的な実験例において用いられる。

【0181】

細胞株及び培養条件

ヒト急性リンパ芽球性白血病細胞株REH、ヒト骨肉腫細胞株U-2 OS及びヒト胚性腎線維芽細胞293T(HEK293T)細胞は、アメリカ合衆国培養細胞系統保存機関(ATCC; Manassas, Virginia)から入手した。REH細胞は、10%ウシ胎仔血清(FBS; Hyclone, Logan, Utah)及び1%ペニシリン-ストレプトマイシンを添加したRoswell Park Memorial Instituteシリーズ1640(RPMI-1640; Gibco, Carlsbad, California)中で維持し、増殖させた。HEK293T及びU-2 OS細胞の両方は、10%FBS及び1%ペニシリン-ストレプトマイシンを添加したダルベッコ修飾イーグル培地(DMEM; Hyclone)中で維持し、増殖させた。すべての哺乳動物細胞を5%CO₂下において37℃でインキュベートした。

20

【0182】

DNAプラスミド

キメラ受容体NKG2D-DAP10-CD3を含有するDNAプラスミドを前述のように作製した(Chang et al. Cancer research, Vol. 73(6): 2013を参照されたい)。伸長ポリメラーゼ連鎖反応(SOE-PCR)を重複させることによるスプライシングを用いて、NKG2D-41BB-CD3構築物を形成する個々のドメインを融合させた。次に、その構築物をマウス幹細胞ウイルス(MSCV)レトロウイルスベクターに挿入した(図3A)。NKG2D-CD16及びNKG2D-CD16-41BBにおける構築物は、GenScript(Nanjing, China)により、コドン最適化し、MSCVベクターに挿入した(図3B)。構築物の配列は、DNA配列決定により検証した。

30

【0183】

ヒトNK細胞の拡大

ヒト末梢血単核球(PBMC)は、健常成人ドナーからの血液サンプルのフィコール密度遠心分離により入手した。NK細胞を拡大するため、PBMCを膜結合性IL-15及び4-1BBリガンド(K562-mb15-41BB.L)で遺伝子組換えしたK562とともに培養した。細胞は、40IUのIL-2/mlを2日ごとに添加した幹細胞増殖培地(SCGM; Cell Genix, Freiburg, Germany)中で培養した。

40

【0184】

7日間の培養後、NK細胞において、抗CD3 Dynabeads(Invitrogen, Carlsbad, California)を用いてT細胞を欠失させた。次に、NK細胞を、40~200IUのIL-2/mlを2日ごとに添加したSCGM中で培

50

養した。

【0185】

レトロウイルスの産生及びNK細胞の形質導入

HEK293T細胞にレトロウイルスパッケージングプラスミドを一過性にトランスフェクトすることにより、レトロウイルスの産生を実施した。HEK293T細胞をトランスフェクションの18時間前、まず12ml中 2.5×10^6 個の細胞の濃度のDMEMに播種した。次に、この細胞に、各NKGDキメラ受容体を含有する $3.5 \mu\text{g}$ のMSCVベクター（非限定的な構築物を図1B~1C及び2A~2Bに概略的に示す）、 $3.5 \mu\text{g}$ のpEQ-PAM3及び $3.0 \mu\text{g}$ のpRDFをトランスフェクトした。対照として、GFPを含有する空のMSCVベクターを用いた。X-tremeGENE 9 DNATransfection試薬（Roche, Basel, Switzerland）をトランスフェクションのために用いた。トランスフェクションから24時間後にDMEMを馴化RPMI-1640と交換した。

10

【0186】

培地の変更から18時間後、NKGDキメラ受容体導入遺伝子のNK細胞への形質導入を行った。まずNK細胞を2mlの馴化RPMI-1640に 0.25×10^6 個の細胞の濃度で懸濁した。その後、細胞をレトロネクチン（タカラバイオ株式会社、大津、日本）でコーティングしたチューブに播種した。レトロウイルスを含有するRPMI-1640（ウイルス上清）をHEK293T細胞培養物から収集し、新しい馴化培地を培養物に戻し添加した。ウイルス上清に200IUのIL-2/mlを添加し、ウイルス上清3mlを（播種したNK細胞を含有する）各々のレトロネクチンでコーティングしたチューブに分注した。NK細胞を生成する特定の実施形態に従い、播種したNK細胞に新しいウイルス培地を12時間ごとに1回で6回、形質導入した。次に、形質導入したNK細胞を最終の形質導入から48時間後に収集し、200IUのIL-2/mlを2日ごとに添加したSCGM中で培養した。形質導入したNK細胞を拡大後の14~28日の実験中に用いた。

20

【0187】

フローサイトメトリーによるキメラ受容体発現の検出

形質導入したNK細胞を、アルブミンを含有するリン酸緩衝食塩水で1回洗浄し、ウサギ血清 $2 \mu\text{l}$ を添加した。次に、暗所で細胞をペリジニクロロフィル（PerCP）コンジュゲート抗ヒトNKGD抗体（クローン149810；R&D Systems, Minneapolis, USA）で10分間染色した。対照として、形質導入したNK細胞を各々のPerCPコンジュゲートIgGアイソタイプ抗体で染色した。Accuri C6フローサイトメーター（BD, Franklin Lakes, New Jersey）を用いる分析前、すべてのNK細胞を再洗浄し、0.5%ホルムアルデヒド $300 \mu\text{l}$ で固定した。対応t検定を用いて、データを分析した。

30

【0188】

細胞傷害性アッセイ

REH細胞をカルセインAMの赤-オレンジ（Thermo Fisher Scientific, Waltham, Massachusetts）で染色した。REH細胞を96ウェル丸底プレート（Costar, Corning, New York）に播種した。次に、形質導入したNK細胞を様々なエフェクター：標的（E:T）比で添加した。細胞培養物を37及び5%CO₂で4時間インキュベートした。Accuri C6フローサイトメーターを用いて、染色した生存可能標的細胞をカウントした。U-2OS細胞を96ウェル平底白色プレート（Costar）に播種し、4時間インキュベートした。次に、形質導入したNK細胞を異なるE:T比に応じて添加した。次に、細胞培養物をさらに4時間インキュベートした。分析前、Bright-Glo基質（Promega, Madison, Wisconsin）をこの細胞に添加した。生存可能標的細胞からの発光の強度を、FLx800 Fluorescence Reader（Bio Tek, Winoski, Vermont）を用いて測定した。発光の強度と対照と

40

50

の差を細胞傷害性の百分率に変換した。

【0189】

インターフェロン (IFN) 産生アッセイ

NK細胞によって産生されるIFNの量を判定するため、エフェクター及び標的細胞をまず96ウェル丸底プレート内、(1:1のE:T)又はREH不在で培養した。GolgiPlug(プレフェルジンA; BD Biosciences)の添加前、細胞を1時間インキュベートした。さらに5時間の培養後、細胞をフィコエリトリン(PE)コンジュゲート抗ヒトCD56抗体(クローンMY31, BD Biosciences)で標識した。専売透過処理試薬を用いて細胞を透過処理し、暗所で40分間インキュベートした。次に、この細胞を専売洗浄緩衝液で洗浄した。細胞内IFNを、アロフィコシアニン(APC)コンジュゲートIFN抗体(クローン25723.11; BD Biosciences)を用いて45分間検出した。次に、この細胞を固定し、Accuri C6フローサイトメーターを用いて分析した。

10

【0190】

実施例1 - NKGD2構築物を含有するCD3

本明細書で開示される通り、様々な膜貫通及び/又はシグナル伝達ドメインと共役されたNKGD2及び/又はNKGD2変異体を含む様々な構築物を準備する。CD3シグナル伝達ドメインを含む構築物の発現及び細胞傷害活性を評価するため、本実験を実施した。上記の方法及び材料に従い、2つのCD3構築物を調製し、試験した。構築物に応じて、用いる方法を容易に調節することで、構築物の生成、発現及び試験にとって必要とされるバリエーションを構成することができる。2つの構築物は、NKGD2-DAP10-CD3及びNKGD2-41BB-CD3であった。参照として、図1Aは、内因性NKGD2を概略的に示す。NK細胞では、NKGD2の膜貫通領域間のイオン相互作用により、そのアダプタータンパク質DAP10との会合が可能になる(Wuet al., 1999)。リガンド結合時、NKGD2シグナルは、DAP10上に見出されるシグナル伝達モチーフYxNMを通じて伝達される。CD3は、その免疫受容体チロシンに基づく活性化モチーフ(ITAM; Lanier, 2008)を通じてシグナルを伝達する。2つの実験構築物をそれぞれ図1B及び1Cに概略的に示す。図1Bは、YxNM及びITAMモチーフの両方を通じてシグナル伝達が生じるNKGD2-DAP10-CD3を示す。図1Cは、膜貫通ドメインとしてCD8aヒンジ領域、またシグナル伝達ドメインとして4-1BB及びCD3を用いるNKGD2-41BB-CD3構築物を示す。

20

30

【0191】

まず、NK細胞がこれらの構築物を有効に発現する能力を評価した。健常成人ドナーのPBMCから拡大したNK細胞に2つのキメラ受容体の一方を形質導入した。モック形質導入NK細胞を(GFPのみを含有する空のMSCVベクターを形質導入した)対照として用いた。NK細胞をPer-CPコンジュゲート抗NKGD2抗体で染色することを通じて、キメラ受容体の存在及び相対的存在量を判定した。図4Aは、モック(左パネル)、NKGD2-DAP10-CD3(中央パネル)又はNKGD2-41BB-CD3(右パネル)構築物の形質導入後の、NKGD2陽性NK細胞の百分率に関する代表的なフローサイトメトリーデータを示す。モック形質導入NK細胞は、抗体を用いて、NKGD2の発現を示さない(活性化NK細胞上で天然に高いNKGD2の発現に反して、アイソタイプマッチ非反応性抗体を上回る染色を示さない)一方、NKGD2-DAP10-CD3構築物を形質導入した細胞の60%弱は、アイソタイプマッチ非反応性抗体対照を上回り、またNKGD2-41BB-CD3を形質導入したNK細胞の80%を上回るようなNKGD2の発現を示した。すべてのドナーからのNKGD2陽性NK細胞の百分率についてのプールデータを図4Bに示す。操作したNKGD2構築物の両方は、モックと比べてNKGD2の発現における実質的増加をもたらすが、2つの構築物のパーセント発現間での有意差は、認められない。図4Cは、NKGD2構築物を発現する集団内の細胞がこの構築物を発現する程度を表す、平均蛍光強度(MFI)に基づく発現デー

40

50

タを示す（例えば、1細胞当たりの構築物の複数コピーであれば、より高いMFIを生じることになる）。この尺度によると、NK G 2 D - 4 1 B B - C D 3 の発現は、NK G 2 D - D A P 1 0 - C D 3 構築物の場合よりも有意に高い。

【0192】

まとめると、これらのデータは、本明細書で開示されるいくつかの実施形態によると、操作した構築物がNK細胞上で十分に発現され得ることを示す。いくつかの実施形態では、構築物の増強された発現は、NK細胞への特定構築物の形質導入の反復により達成され得る。いくつかの実施形態では、構築物の成分は、単一のベクターで又は代わりに複数のベクターを用いて細胞に送達され得る。実施形態に応じて、構築物自体が増強された発現をもたらし得、例えば、線状又はヘッドトゥテール構築物は、複数のサブユニット構築物が必要とする細胞内アセンブリの程度減少が理由で、増強された発現をもたらし得る。

10

【0193】

NK細胞上でNK G 2 D構築物を十分に発現することに加えて、NK細胞の有効なシグナル伝達が標的細胞上で作用することが要求される。形質導入したNK細胞の2つの集団の効力を評価するため、細胞傷害性アッセイを、NK細胞活性に対して感受性がある細胞株に対してREH（懸濁細胞）及びU-2 OS（接着性細胞）を用いて実施した。独立ドナーを通じてREH細胞に対するNK細胞の異なる群の2つのE:T比での細胞傷害性百分率をまとめたデータを図5A~5Cに示す（エラーバーは、標準偏差を表す；すべての実験は、3連で実施する；n=3（P<0.001））。図5A~5Cに表す通り、NK G 2 Dキメラ受容体のいずれか（（a）表示の矢印で示すNK G 2 D - D A P 1 0 - C D 3 及び（b）表示の矢印で示すNK G 2 D - 4 1 B B - C D 3 ）を発現するNK細胞は、3つすべてのドナーにおいて、（（c）表示の矢印で示す）モックNK細胞と比べてREHに対する有意により高い細胞傷害性を有した。NK G 2 D - D A P 1 0 - C D 3

20

を発現するNK細胞の細胞傷害性の平均百分率は、91.8%±5.8%（1:1のE:T比）及び83.9%±5.6%（1:2のE:T比）であった。NK G 2 D - 4 1 B B - C D 3 を形質導入したNK細胞は、類似の効力（1:1のE:T比で87.4%±6.1%及び1:2のE:T比で76.2%±4.8%）を示した。キメラ受容体を発現するNK細胞は、モック形質導入NK細胞と比べてU-2 OSに対して増強された細胞傷害性も示した（図6A~6Cを参照されたく、図6Aは、（a）表示の矢印で示すNK G 2 D - D A P 1 0 - C D 3 を表し、図6Bは、（b）表示の矢印で示すNK G 2 D - 4 1 B B - C D 3 を表し、図6Cは、（c）表示の矢印で示すモックNK細胞を表す）。

30

【0194】

これらのデータは、キメラ受容体構築物を発現するように操作され得るだけでなく、キメラ受容体を発現するそれら細胞が、活性化され、標的細胞に対して増強された細胞傷害性効果を十分にもたらすことができるという証拠を提示する。重要なことに、これらのデータは、より多数の（この実験では倍増された）標的細胞の存在下で細胞の効力におけるごくわずかな低下が認められることも示す。これは、臨床使用であり得る状況として、NK細胞が標的細胞と相対的により少数で存在するときでも、操作されたNK細胞の所望の細胞傷害性効果をやはり実現できることを示唆する。さらに、これらのデータは、いくつかの実施形態によると、所与のNK細胞上でのキメラ受容体発現の密度又は程度が低下することが細胞傷害性効果の協調的低下を必ずしももたらさず、それらの構築物発現の低下に照らしたNK細胞の想定外の有効性に関連し得ることを示す。加えて、これらのデータは、いくつかの実施形態に応じて達成される想定外に増強された細胞傷害性を例示する。非操作NK細胞が細胞傷害性を示し、活性化時にNK G 2 Dを有意な量で発現する一方、本明細書で開示される操作された細胞が、細胞傷害性効果を既に達した上限と考え得るもの（例えば天然NK細胞の細胞傷害性）を超えて有意に増強し得ることは、想定外である。

40

【0195】

細胞傷害性データに加えて、NK細胞がこれらの効果を発揮している機構を、様々なN

50

K G 2 D 構築物を発現するNK細胞によるインターフェロン (I F N) の産生を評価することにより試験した。I F N は、マクロファージを動員し、免疫刺激効果を有する、(典型的には自然免疫応答中に)NK細胞によって産生及び放出される主要なサイトカインである。図7Aは、R E H細胞による刺激下又は非刺激下での、モック(左パネル)、N K G 2 D - D A P 1 0 - C D 3 を発現するNK細胞(中央パネル)及びN K G 2 D - 4 1 B B - C D 3 を発現するNK細胞(右パネル)における(M F Iによって測定した)I F N 産生の相対量を示す。NK細胞は、細胞内I F N に対するA P Cコンジュゲート抗I F N 抗体により染色した。データは、対応t検定により分析した。これらのデータは、NK細胞の3群の各々が非刺激下で類似レベルのI F N 産生を有することが認められ、R E H細胞による刺激後に増加が認められたことを示す。いくつかの実施形態において提示される通り、N K G 2 D 構築物を発現する操作されたNK細胞は、強力なサイトカイン産生をもたらす得る。操作されたNK細胞が応答する対象の標的細胞(ここではR E H細胞)の存在により、I F N 産生、最終的に細胞傷害性効果をもたらす生化学的カスケードが開始する。図7Aに示すように、N K G 2 D - 4 1 B B - C D 3 を発現するNK細胞は、刺激性R E H細胞の存在下でI F N の強力な産生を示す。興味深いことに、N K G 2 D - D A P 1 0 - C D 3 を発現するNK細胞は、類似した応答度を示さなかった。これは、図7Bにさらに示され、ここでは、R E H細胞による刺激後のNK細胞の異なる群間でのI F N のレベル(中央値を表示した;データを独立t検定によって分析した)を評価する。すべてのI F N 実験は、3つの独立ドナー(n=9)の場合に3連で実施した。図7Bは、N K G 2 D - D A P 1 0 - C D 3 を発現するNK細胞によるI F N 産生がモック形質導入NK細胞と有意に異ならなかったことを示す。それに対し、N K G 2 D - 4 1 B B - C D 3 を発現するNK細胞は、モック形質導入NK細胞と比べてI F N 産生における有意な増加を示す。これらのデータは、本明細書で考察の通り、リガンド結合に応答したキメラ受容体によるシグナル伝達が、目的の標的細胞に対する細胞傷害性効果をもたらす上での本質的なステップであることを示すことから興味深い。しかし、2つの異なるキメラ受容体を形質導入したNK細胞がいずれも比較的類似した細胞傷害性を示すが、ミラーリングレベルのI F N 産生を伴わないことから、様々な構築物がシグナル伝達するための唯一の経路は存在しない。したがって、いくつかの実施形態によると、正常なNK細胞と比べて、I F N 又は他の免疫刺激サイトカインの増強された産生を通じて細胞傷害性効果を達成する構築物が提供される。しかし、いくつかの実施形態では、増強された細胞傷害性効果を達成するため、I F N の増強された産生が必ずしも達成又は検出されず、むしろ別の免疫刺激経路が所与のキメラ構築物により利用され得る。

【0196】

実施例2 - C D 1 6 及びC D 1 6 - 4 - 1 B B を含有するN K G 2 D 構築物

発現、細胞傷害性及びサイトカイン産生を評価するため、追加的な構築物を作製した。本明細書で提供される通り、いくつかの実施形態は、C D 1 6 膜貫通及び/又はシグナル伝達ドメインを用いる、(いくつかの実施形態ではコドン最適化された)切断されたN K G 2 D を含む構築物に関する。この実験における評価のために作製した構築物を図2A~2Bに概略的に示し、それは、A)N K G 2 D - C D 1 6、及びB)N K G 2 D - C D 1 6 - 4 1 B B キメラ受容体の構造を示す。両方のキメラ受容体は、C D 1 6 の膜貫通領域に依存し、C D 3 又はF c R のいずれかと会合する。これらの構築物を作製するために用いるプラスミドを図3Bに示す。上で考察の通り、いくつかの実施形態では、用いる構築物は、C D 3 又はF c R の内因性発現に依存するが、いくつかの実施形態では、キメラ受容体をコードするプラスミド(又は分離プラスミド)は、NK細胞によるC D 3 及び/又はF c R の発現を高め、それによりこの細胞の効力を増強するように設計する。

【0197】

上記の通り、構築物の発現レベルを評価した。図8Aは、モック(左パネル)、N K G 2 D - D A P 1 0 - C D 3 を発現するNK細胞(中央パネル)及びN K G 2 D - C D 1

6を発現するNK細胞についての代表的なフローサイトメトリーデータを示す(実験は、異なる記号によって表される3つの独立ドナーからの細胞を用いて実施した。データは、対応t検定により分析した)。図8Bは、NK G2D(したがって構築物)を発現する細胞の百分率に関するサマリーデータを示す。予想通り、モックトランスフェクトNK細胞は、抗体を用いると、低レベルのNK G2D発現を示す。それに対し、操作した構築物の両方は、有意に増強された発現を示し、NK G2D-CD16形質導入NK細胞は、モック形質導入NK細胞と比べて $35.8\% \pm 6.9\%$ 高い発現を表した。加えて、MFIによる評価として(図8C)、NK G2D-CD16形質導入NK細胞は、この構築物の増強された発現も示した。これらのデータは、この構築物がNK細胞に有効に導入可能であり、発現されることを実証するために重要である。

10

【0198】

この構築物の発現を樹立しており、それらが細胞傷害性効果を示す能力を評価した。上で考察の通り、3つのドナーからのNK細胞を、REH細胞及びU-2 OS細胞に対する細胞傷害性効果について各々3つのE:T比で試験した(すべての実験を3連で実施した、 $n=3$)。興味深いことに、NK G2D-CD16構築物のモックNK細胞と比べて増強された発現は、細胞傷害性の増強をもたらさなかった(図9A~9Cを参照されたい、エラーバーは、標準偏差を表す)。先行例と同様に、((a)表示の矢印で示す)NK G2D-DAP10-CD3を発現するNK細胞は、確かに増強された細胞傷害性を示した。U-2 OS細胞に対する細胞傷害性に関して、((b)表示の矢印で示す)NK G2D-CD16は、((c)表示の矢印で示す)モックNK細胞と比べて確かに増強された細胞傷害性を示した(図10A~10Cを参照されたい)。これらのデータは、特定の所与の標的細胞型に対する細胞傷害性の影響度がNK構築物の使用とともに変化する場面があることを示す。いくつかの実施形態では、特定の構築物が有効とされないことがあるが、いくつかの実施形態では、NK細胞の集団の組み合わせが使用可能であり、相乗効果を示し得る。換言すれば、NK細胞の集団は、NK G2D-CD16を発現する部分及びNK G2D-DAP10-CD3(又は本明細書で開示される構築物のいずれかの他の組み合わせ)を発現する部分を伴い、いずれかの亜集団単独と比べて予想外に増強された細胞傷害性を示すことがある。

20

【0199】

トランスフェクトNK細胞の作用機構を確認するため、次にインターフェロン産生を測定した。様々な構築物を発現するNK細胞は、REH細胞によって刺激したか又は刺激せず、IFNの産生を測定した。これらのデータを図11に示す(データは、対応t検定により分析した)。NK細胞のすべての群が刺激不在で類似レベルのIFNを有し、REH細胞とのインキュベーション後に増加を有した。NK G2D-CD16を発現するNK細胞は、IFN産生における 634 ± 211 MFIの増加を示し、それは、モック形質導入NK細胞によって示された増加(423 ± 70 MFI)よりも大きかった。しかし、その増加は、 2041 ± 411 MFI増加した、NK G2D-DAP10-CD3を発現するNK細胞で認められた場合よりも低かった。いくつかの実施形態に従うデータと合致して、IFNの産生は、特定の構築物を発現するNK細胞が示す細胞傷害性効果と相関する。

30

40

【0200】

本明細書で開示されるいくつかの実施形態によると、複数のシグナル伝達領域が用いられ得る。拡大されたNK細胞におけるNK G2D-CD16-41BBの発現を評価するため、追加的実験を実施した(実験は、ドナー1名からの細胞を用いて実施した)。発現データを図12A~12Bに示す。図12Aは、4-1BBシグナル伝達領域の追加が、NK G2D-CD16構築物と比べて、NK細胞による構築物の発現を損なうことが有意でないことを実証する生フローサイトメトリーデータを示す。これは、試験したNK細胞群の各々の表面上でのNK G2D受容体の相対量を示す図12Bの要約ヒストグラム中にも反映される。NK G2D-CD16-41BBは、NK G2D-CD16と比べてやや低下したMFIを示すが、両方の構築物は、モックに対して増強された発現を示す。

50

【0201】

REH及びU-2 OS細胞の両方を標的として用いて、細胞傷害性効果を上記のように評価した。図13A～13Bは、得られたデータを示す(エラーバーは、標準偏差を表す;すべての実験は、3連で実施した, n=3)。図13Aは、REH細胞に対する構築物の細胞傷害性効果を示す。上の実験と同様に、(b)表示の矢印で示すNK G2D-CD16を発現する細胞は、(a)表示の矢印で示すモックNK細胞と比べて有意に増強された細胞傷害性効果を示さなかった。それに対し、(c)表示の矢印で示す)NK G2D-CD16-41BBを発現するNK細胞は、REH細胞に対して増強された細胞傷害性を示した。U-2 OS細胞に対する有効性に関して、NK G2D-CD16及びNK G2D-CD16-41BBを発現する細胞の両方は、増強された細胞傷害性を示し、NK G2D-CD16-41BBを発現する細胞は、より強力な細胞傷害性効果を示した。これは、いくつかの実施形態によると、シグナル伝達ドメインの組み合わせの使用により、形質導入NK細胞の有効性における想定外の増強がもたらされ得ることを示す。したがって、上記の通り、いくつかの実施形態では、標的細胞に対する増強された細胞傷害性をもたらすように一緒に相乗的に機能する2つ以上の膜貫通/シグナル伝達ドメインを用いる。

10

【0202】

実施例3 - 追加的なNK G2D構築物

異なる細胞外ドメイン、膜貫通ドメイン及び細胞内エフェクタードメインを有する追加的な構築物を作製し、それらの発現及び細胞傷害性を評価した。この実験において評価のために作製した12の構築物を図14に概略的に示す。これらキメラ受容体変異体の一部は、CD16膜貫通領域に依存し、CD3又はFcRのいずれかと会合する。上で考察の通り、いくつかの実施形態では、用いる構築物は、CD3又はFcRの内因性発現に依存するが、いくつかの実施形態では、このキメラ受容体をコードするプラスミド(又は分離プラスミド)は、NK細胞によるCD3及び/又はFcRの発現を高め、それによりこの細胞の効力を増強するように設計する。上記のように、この構築物の発現レベルを評価した。モックトランスフェクトNK細胞は、MFIによる評価として、低レベルのNK G2D発現を示す(図16A)。それに対し、上記のNK G2D変異体構築物を形質導入したNK細胞は、異なるレベルのNK G2D発現を示し、操作した変異体構築物4及び9は、NK細胞における有意に増強された発現を示した。図16Bは、NK G2D変異体構築物1、4、8、9の、2つのドナーのNK細胞への形質導入後についての代表的なフローサイトメトリーデータを示す。モック形質導入NK細胞と比べて、変異体8及び9の形質導入NK細胞は、キメラ受容体の特に強力な発現を示した。変異体構築物の発現は、形質導入後7日間、2つのドナーのNK細胞において持続し、変異体8及び9は、MFIによる評価として特に上昇したレベルを示した(図16C)。これらのデータは、構築物がNK細胞に有効に導入可能であり、発現されることを実証するために重要である。構築物の発現を樹立しており、それらが細胞傷害性効果を形質導入NK細胞に送達する能力についても評価した。NK G2D変異体構築物4、8及び9の細胞傷害性を、1:1のE:T比でNK細胞に形質導入してから14日後に評価した(図17)。

20

30

【0203】

作製したさらなる変異体構築物を、様々な細胞外ドメイン、膜貫通ドメイン及び細胞内エフェクタードメインを含むキメラ受容体の構造を示す図15に概略的に示す。これらのキメラ受容体変異体の一部は、CD3及び/又は別のシグナル伝達ドメインを含むエフェクタードメインに依存し、リガンド結合時にシグナルを伝達する一方、他のキメラ受容体変異体は、二量体化を通じて完全長CD3分子をシナプスに動員するCD3膜貫通ドメインを含む。上記のように、この構築物の発現レベルを評価した。MFIによる評価として(図18A～B)、操作した構築物を形質導入したNK細胞は、モック形質導入細胞と比べてキメラ受容体の増強された発現を示した。細胞傷害性効果を、1:1のエフェクター:標的比を用いて、上記のように評価した。図19A～Bに示す通り、操作した構築物(特に変異体18)を形質導入したNK細胞は、モック対照と比べて増強された細胞

40

50

傷害性を有する。

【0204】

変異体18が增強された細胞傷害性効果を伴うNK細胞において強力な発現を示したことから、CD3 膜貫通ドメインを含む一連のNKGD2D変異体構築物を作製した。これらの変異体は、「NK39」と称し、図15に概略的に示す。ドナーNK細胞へのトランスフェクションから14日後(低IL-2条件下での4日間の培養を伴う)、形質導入NK細胞の細胞傷害性を評価した。図21は、1:1及び1:2のE:T比で培養したREH細胞に対するこの構築物の細胞傷害性効果を示す。操作されたNK39構築物を発現するNK細胞のすべては、1:1のE:T比で対照NK細胞と比べて有意に增強された細胞傷害性効果を示した。1:2のE:T比で評価したとき、キメラ構築物16-7、39-1、39-2、39-3及び39-5の各々は、それらの各形質導入NK細胞の細胞傷害性効果をモック対照と比べて增強した。活性化受容体の外因性発現がNK細胞のアレルギー及び細胞死をもたらし得ることから、操作した構築物を2つのドナーNK細胞に形質導入し、21日後に生存を評価した。図23A~Bに示すように、NK39-5及びNK39-10形質導入細胞は、2つの試験ドナーにおいてNK16よりも良好な生存を示す。

10

【0205】

実施例4 - NK45 NKGD2D構築物の評価

本明細書で開示される実施形態に記載の異なる細胞外ドメイン、ヒンジ、膜貫通ドメイン及び細胞内エフェクタードメインを有する追加的な構築物を図22に概略的に示す。本実施例において、これらの7つの構築物によって媒介される発現、細胞傷害性、持続性及びサイトカイン産生を、実施例3に記載のNK39構築物の3つ(NK39-5、NK39-6、NK39-10)並びに膜結合性インターロイキン15をバイシストロン性に発現するNK16のバージョン(NK26-8)に対して評価した。本明細書で開示されるいくつかの実施形態によると、複数のシグナル伝達領域を用い得る。これらのキメラ受容体変異体の一部は、CD3 及び/又は別のシグナル伝達ドメイン(例えば、OX40、CD28及び/又は4-1BB同時刺激ドメイン)を含むエフェクタードメインに依存し、リガンド結合時にシグナルを伝達する一方、他のキメラ受容体変異体は、二量体化を通じて完全長CD3 分子をシナプスに動員するCD3 膜貫通ドメインを含む。本明細書で開示される通り、これらの構築物は、膜結合性IL15を同時発現するようにさらに設計する。

20

30

【0206】

上記のように、まずNK細胞がこれらの構築物を有効に発現する能力を評価した。ドナー4名のPBMCから拡大したNK細胞にこの変異体構築物(又はGFPのみを含有する空のMSCVコントロールベクター)を形質導入し、3日後にNKGD2Dの発現をMFIにより評価した。図24に示す通り、モックトランスフェクトNK細胞は、比較的低いレベルのNKGD2Dの発現を示す。それに対し、操作した変異体構築物は、有意に增強された発現を示し、NK45-4(NKGD2D-OX40-CD3)は、意外にもすべてのドナーにおいて強力な発現を示した。OX40は、活性化NK細胞で発現されるが、その役割は、十分に確立されていない。CD28同時刺激ドメイン(NK45-2;NKGD2D-CD28-CD3)を含有するエフェクタードメインを有するキメラ受容体変異体も形質導入から3日後に強力な発現を示した。

40

【0207】

この変異体構築物の発現を樹立しており、それらが細胞傷害性効果を発揮する能力を、標的としてREH及びHL60細胞を用いて、上記のように評価した。形質導入から14日後、1:1のE:T比でREH細胞(図25A)及びHL60細胞(図25B)に対するドナー4名からのNK細胞の効力を試験した。図25A~Bに示す通り、操作した構築物は、4つ全部のドナーにおけるREH及びHL60細胞の両方に対して、モックNK細胞と比べて增強された細胞傷害性を発揮した。その明白な発現特性に加えて、NK45-4(NKGD2D-OX40-CD3)を発現する細胞も、モック対照及び試験した他の構築物と比べて意外にも增強された細胞傷害性を示した。NK45-1及びNK45-2

50

を発現するNK細胞もこれらのアッセイにおいて明白な細胞傷害性を示した。これらのデータは、いくつかの実施形態によると、シグナル伝達ドメインの組み合わせ（特にOX40同時刺激ドメイン）の使用により、形質導入NK細胞の有効性において想定外の増強もたらされ得ることを示す。図28A～Bは、様々なE:T比（1:2及び1:4）での、いくつかの変異体構築物を形質導入したNK細胞のU2OS細胞に対する、より長期間にわたり評価した細胞傷害活性を示す。意外にも、45-4構築物を形質導入したNK細胞は、全期間を通じて細胞傷害活性を維持するようと思われる。有利には、これらの実験は、本明細書で開示されるいくつかの実施形態によると、NKGD2D変異体構築物が、実施形態に応じて、2～3日、3～5日、5～7日、7～8日、8～10日、10～14日、14～21日又は21～50日の範囲（及びエンドポイントを含む、列挙された日数間の任意の範囲）であり得るような長期間にわたり、想定外に増強された細胞傷害性をもたらすことを示す。いくつかの実施形態では、細胞傷害性効果がさらにより長い持続期間で達成される。

10

【0208】

細胞傷害性データに加えて、NK細胞がこれらの効果を発揮している機構を、REH細胞による刺激後にIFN、TNF及びGM-CSFのその産生を評価することにより試験した。図26A～Cに示す通り、変異体構築物の各々の発現により、GFP発現対照NK細胞によって示されたIFN、TNF及びGM-CSFの産生と比べてサイトカイン分泌の増強もたらされた。キメラ受容体NK45-1は、一貫して高いサイトカイン産生を媒介したが、この構築物が実質的にNK26-8（専らヒンジ領域についてそれと異なる）よりも低いレベルで発現することから、それは、意外である。したがって、これらのデータは、刺激に応答した強力なサイトカイン産生を媒介することに対する本明細書で開示されるヒンジ領域の想定外の重要性を示す。加えて、NKGD2D-OX40-CD3を発現するNK細胞もIFN、TNF及びGM-CSFの増強された産生を示した。

20

【0209】

活性化受容体の外因性発現がNK細胞のアネルギー及び細胞死をもたらし得ることから、操作した構築物を2つのドナーNK細胞に形質導入し、形質導入から7、14及び21日後に総細胞数を評価した。意外にも、NK45-4の想定外に強力な発現は、培養下でのNK細胞の持続性低下という不利な状況で生じず、なぜなら、総細胞数は、GFP発現対照細胞と同等のレベルで維持されるからである（図27A及び27B）。同様に、変異体構築物を高いレベルで発現する他のNK細胞は、形質導入後の少なくとも3週間、ドナー2名において増殖し続けた。まとめると、これらのデータは、本明細書で開示されるいくつかの実施形態によると、操作した構築物がNK細胞において高レベルで十分に発現され、細胞傷害性効果を媒介し得ること、したがって、この増強された発現がNK細胞の増殖及び/又は生存の低下という不利な状況で生じないことを示す。

30

【0210】

上に開示された実施形態の具体的特徴及び態様の様々な組み合わせ又は部分的組み合わせが本発明の1つ以上の範囲内に設けられ、さらに属し得ることが考慮される。さらに、本明細書で示されるすべての他の実施形態において、実施形態に関連した任意の特定の特色、態様、方法、特性、特徴、品質、属性、要素などに関する本明細書中の開示を用いることができる。したがって、開示される本発明の異なる態様を形成するため、開示される実施形態の様々な特徴及び態様は、相互に組み合わせるか又は置き換えられ得ることが理解されるべきである。したがって、本明細書で開示される本発明の範囲は、上記の特定の開示される実施形態によって限定されるべきでないことが意図される。さらに、本発明は、様々な修飾形態及び代替形態が可能であるが、その具体例は、図面で示されており、本明細書中で詳述される。しかし、本発明が開示される特定の形態又は方法に限定されるべきでなく、逆に、本発明は、記述される様々な実施形態及び添付の特許請求の範囲の趣旨及び範囲内に入るすべての修飾形態、均等物及び代替物を網羅するべきであることが理解されるべきである。本明細書で開示される任意の方法は、列挙される順序で実施される必

40

50

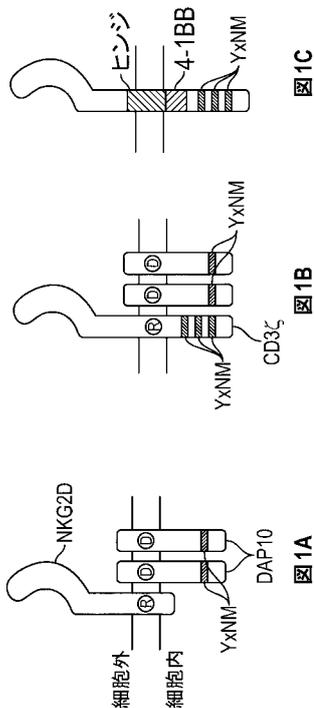
要はない。本明細書で開示される方法は、施術者によってとられる特定の行動を含むが、それらは、明示的又は暗示的のいずれかでそれらの行動についての任意の第三者の指示も含み得る。例えば、「拡大されたNK細胞の集団を投与すること」などの行動は、「拡大されたNK細胞の集団の投与を指示すること」を含む。さらに、本開示の特色又は態様がマーカッシュグループの観点で説明される場合、当業者は、本開示が、それにより、マーカッシュグループの任意の個々のメンバー又はそのメンバーのサブグループの観点でも説明されることを理解するであろう。

【0211】

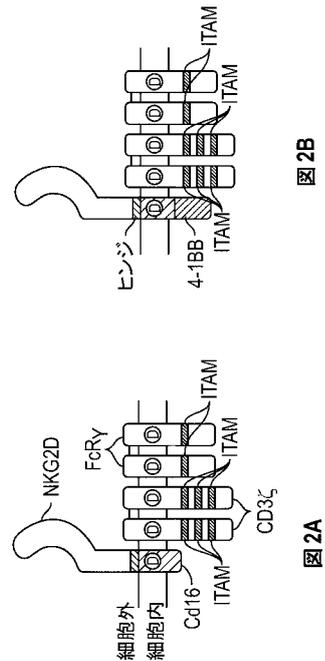
本明細書で開示される範囲は、あらゆる重複、部分範囲及びそれらの組み合わせも包含する。「最大」、「少なくとも」、「～よりも大きい」、「～よりも少ない」、「～の間」などの文言は、列挙される数を含む。「約」又は「概ね」などの用語が先行する数は、列挙される数を含む。例えば、「約90%」は、「90%」を含む。いくつかの実施形態では、少なくとも95%の相同性は、参照配列に対する96%、97%、98%、99%及び100%の相同性を含む。さらに、配列がヌクレオチド又はアミノ酸配列を「含んでいる」として開示されるとき、かかる参照は、別段の指示がない限り、この配列が列挙される配列「を含む」、「からなる」又は「から本質的になる」ことも含むものとする。

10

【図1A - 1C】



【図2A - 2B】



【 図 3 A - 3 B 】

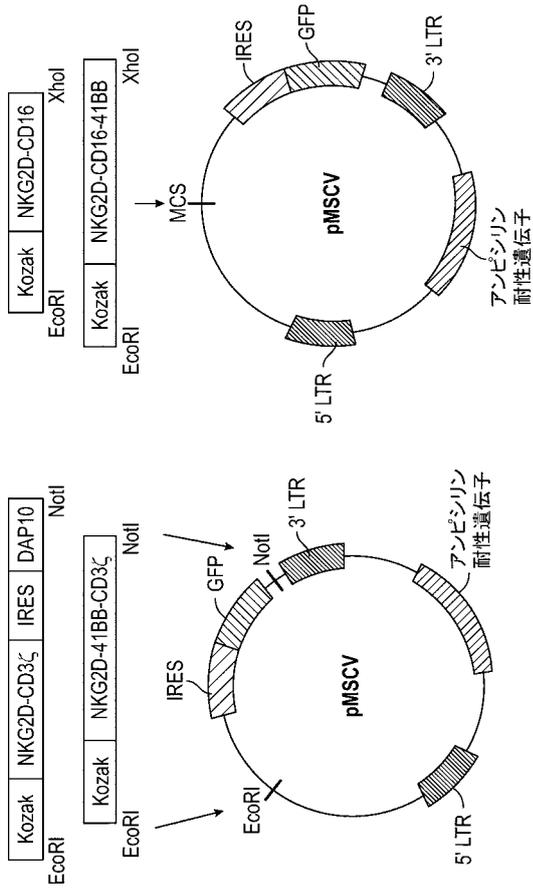


図 3B

図 3A

【 図 4 A 】

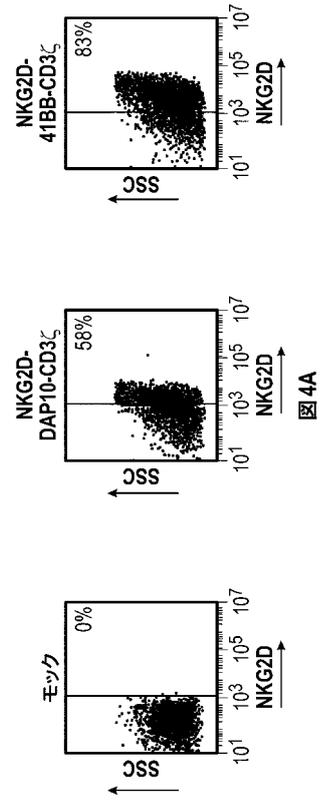


図 4A

【 図 4 B - 4 C 】

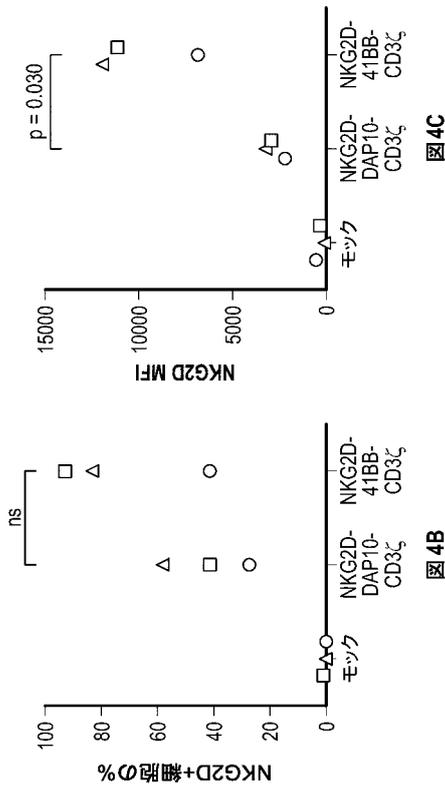


図 4C

図 4B

【 図 5 A - 5 C 】

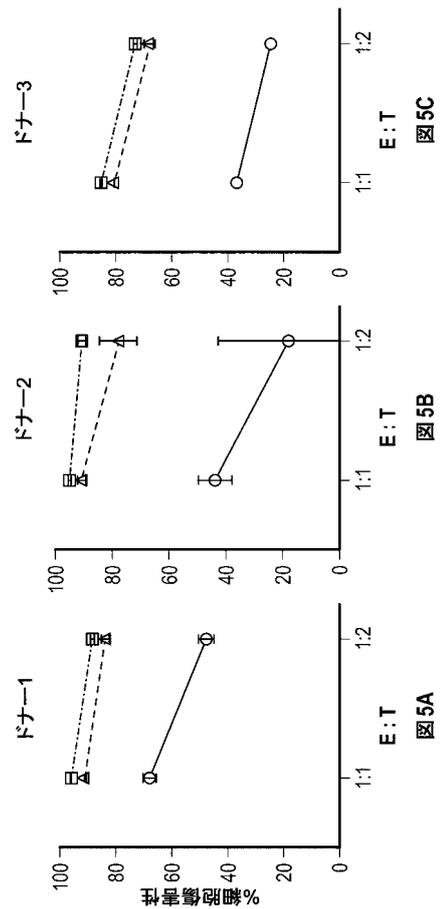
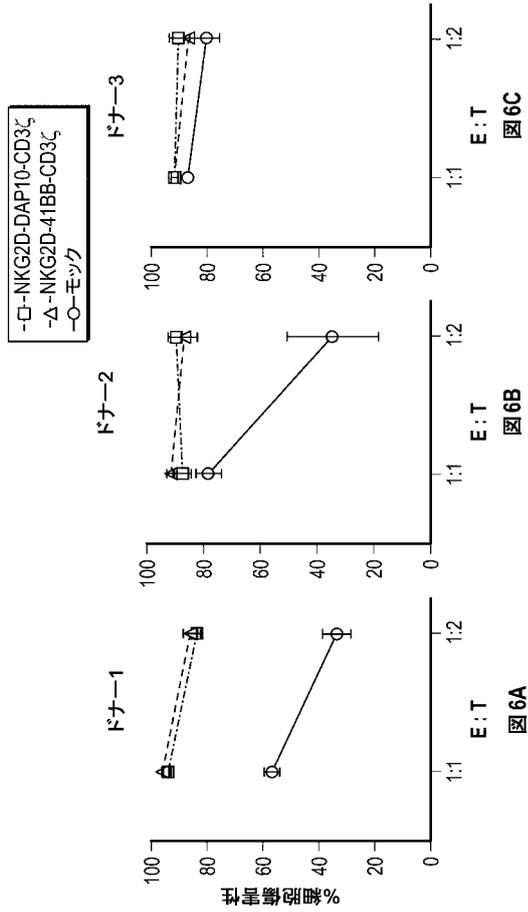


図 5C

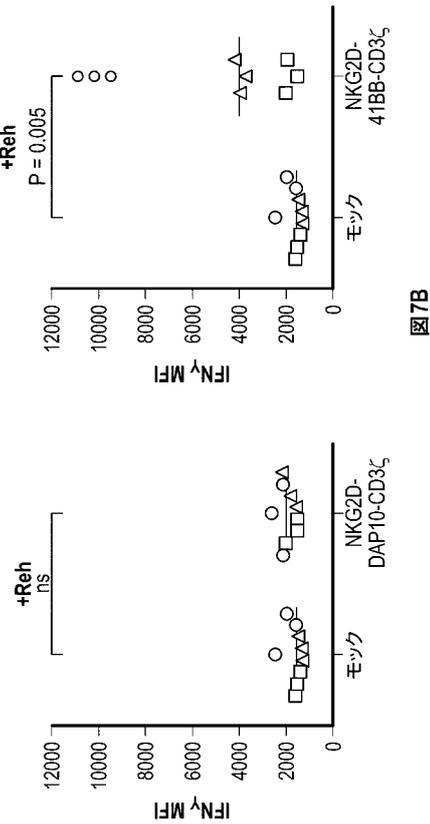
図 5B

図 5A

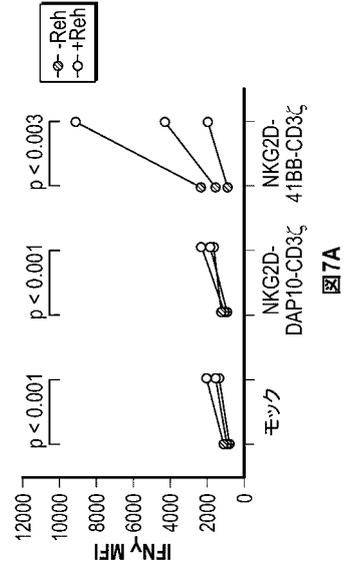
【 図 6 A - 6 C 】



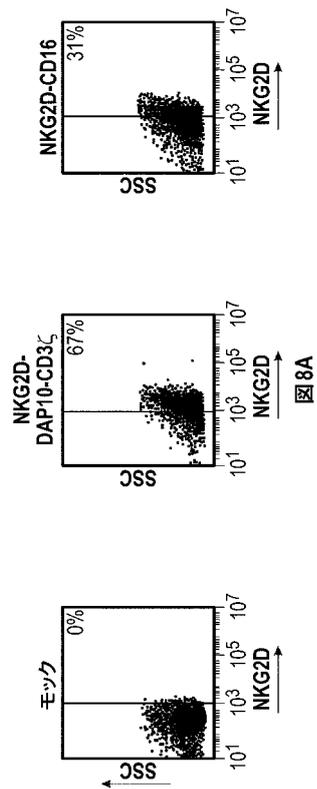
【 図 7 B 】



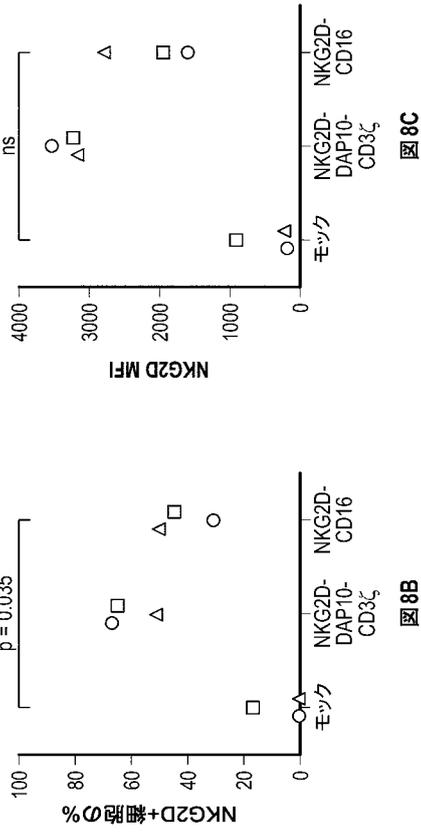
【 図 7 A 】



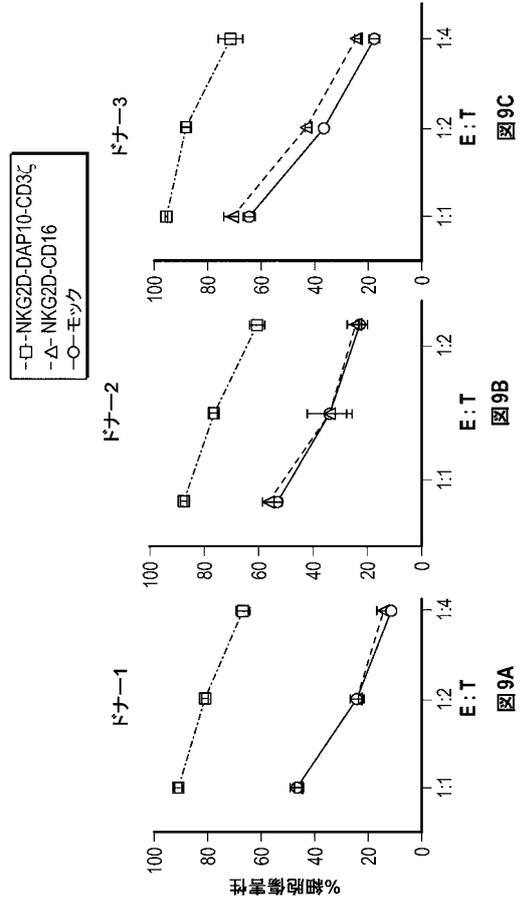
【 図 8 A 】



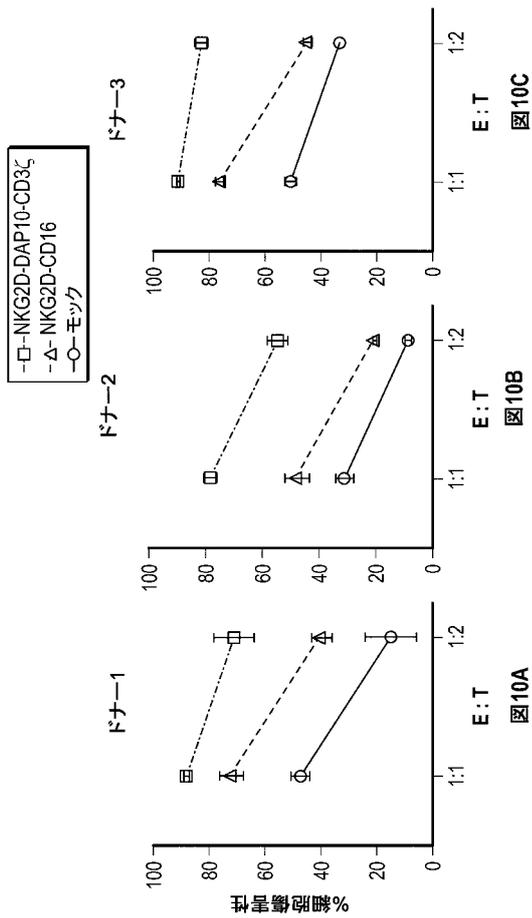
【 図 8 B - 8 C 】



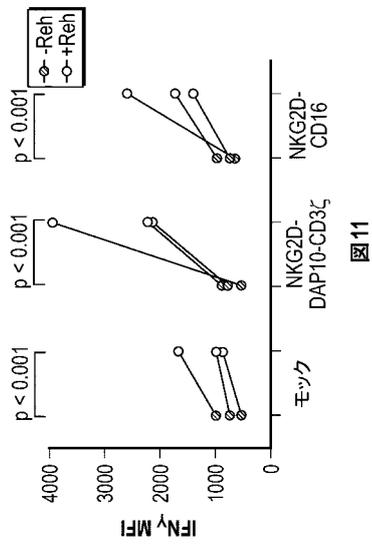
【 図 9 A - 9 C 】



【 図 10 A - 10 C 】



【 図 11 】



【 図 1 2 A - 1 2 B 】

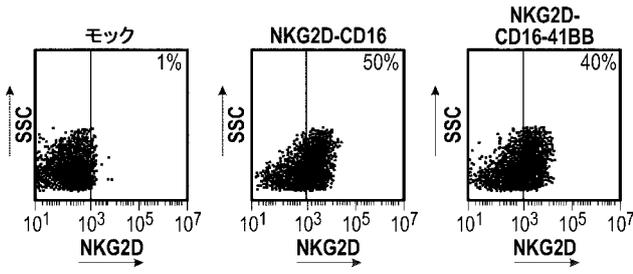


図 12A

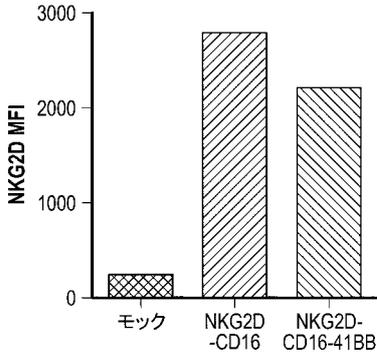


図 12B

【 図 1 3 A - 1 3 B 】

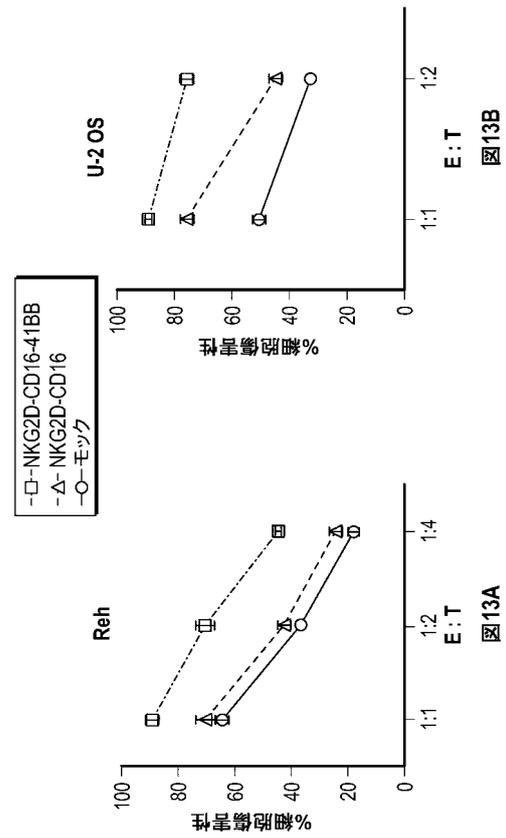


図 13B

図 13A

【 図 1 4 】

- NK15 | NKG2D EC (コドン最適化) | CD8αヘンジ | CD16 TM/IC | 4-1BB
- 変異体 1 | NKG2D EC (コドン最適化) | GS₃ | CD8αヘンジ | CD16 TM/IC | 4-1BB
- 変異体 2 | NKG2D EC (コドン最適化) | GS₃ | CD16 TM/IC | 4-1BB
- 変異体 3 | NKG2D EC (コドン最適化) | CD16 TM/IC | 4-1BB
- 変異体 4 | NKG2D EC | CD8αヘンジ | CD8α TM | 4-1BB | 2B4
- 変異体 5 | NKG2D EC | ADRB2 EC | ADRB2 TM | 4-1BB | 2B4
- 変異体 6 | NKG2D EC | CD8αヘンジ | CD8α TM | 4-1BB | 2B4 | GS₃ | NKp80
- 変異体 7 | NKG2D EC | CD8αヘンジ | CD8α TM | 4-1BB | GS₃ | NKp80
- 変異体 8 | NKG2D EC (コドン最適化) | GS₃ | NKG2D EC | ADRB2 EC | ADRB2 TM | 4-1BB | GS₃ | NKp80
- 変異体 9 | NKG2D EC (コドン最適化) | GS₃ | NKG2D EC | CD8αヘンジ | CD8α TM | 4-1BB | GS₃ | NKp80
- 変異体 10 | NKG2D EC (コドン最適化) | GS₃ | NKG2D EC | CD8αヘンジ | CD16 TM/IC | 4-1BB
- 変異体 11 | NKG2D EC (コドン最適化) | CD8αヘンジ | CD16 TM/IC | 4-1BB | 2B4
- 変異体 12 | NKG2D EC (コドン最適化) | CD8αヘンジ | CD16 TM/IC | 4-1BB | GS₃ | NKp80

図 14

【 図 1 5 - 1 】

- NK16 | NKG2D EC | CD8αヘンジ | CD8α TM | 4-1BB | CD3ζ ITAM
- 変異体 13 | NKG2D EC | CD8αヘンジ | CD8α TM | 4-1BB | 2B4 | CD3ζ ITAM
- 変異体 14 | NKG2D EC | CD8αヘンジ | CD8α TM | 4-1BB | DAP10 IC
- 変異体 15 | NKG2D EC | CD8αヘンジ | CD8α TM | 4-1BB | DAP10 IC | 2B4
- 変異体 16 | NKG2D EC | CD8αヘンジ | CD8α TM | 4-1BB | 2B4 | DAP10 IC
- 変異体 17 | NKG2D EC (コドン最適化) | GS₃ | NKG2D EC | CD8αヘンジ | CD8α TM | 4-1BB | CD3ζ ITAM
- 変異体 18 (NK39) | NKG2D EC (コドン最適化) | CD8αヘンジ | CD3ζ TM | CD16 IC | 4-1BB
- NK39_1 | NKG2D EC (コドン最適化) | GS₃ | NKG2D EC | CD8αヘンジ | CD3ζ TM | CD16 IC | 4-1BB | 2A | mL-15
- NK39_2 | NKG2D EC | CD8αヘンジ | CD3ζ TM | CD16 IC | 4-1BB | GS₃ | NKp80 | 2A | mL-15

図 15

【 図 1 5 - 2 】

NK39_3	NKG2D EC (ロドン最適化)	GS ₃ NKG2D EC CD8α CD3 _ζ TM CD16 IC 4-1BB GS ₃ NKp80 mL-15
NK39_4	NKG2D EC (ロドン最適化)	CD8α CD3 _ζ TM 4-1BB 2A mL-15
NK39_5	NKG2D EC (ロドン最適化)	CD8α CD3 _ζ TM 4-1BB CD3 _ζ 2A mL-15
NK39_6	NKG2D EC (ロドン最適化)	CD8α CD3 _ζ TM 4-1BB GS ₃ NKp80 2A mL-15
NK39_7	NKG2D EC (ロドン最適化)	CD8α CD3 _ζ TM 4-1BB GS ₃ CD16 IC 2A mL-15
NK39_8	NKG2D EC	CD8α CD3 _ζ TM 4-1BB FCγ 2A mL-15
NK39_9	IL-15	GS ₃ NKG2D EC CD8α CD3 _ζ TM 4-1BB CD3 _ζ ITAM
NK39_10	NKG2D EC (ロドン最適化)	CD8α CD3 _ζ TM CD16 IC 4-1BB 2A mL-15
NK16_7	NKG2D EC (ロドン最適化)	GS ₃ NKG2D EC CD8α CD3 _ζ TM 4-1BB CD3 _ζ ITAM 2A mL-15

図15 (続き)

【 図 1 6 A 】

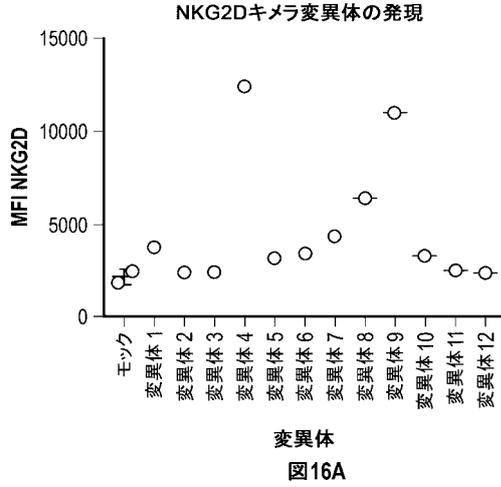


図16A

【 図 1 6 B - 1 】

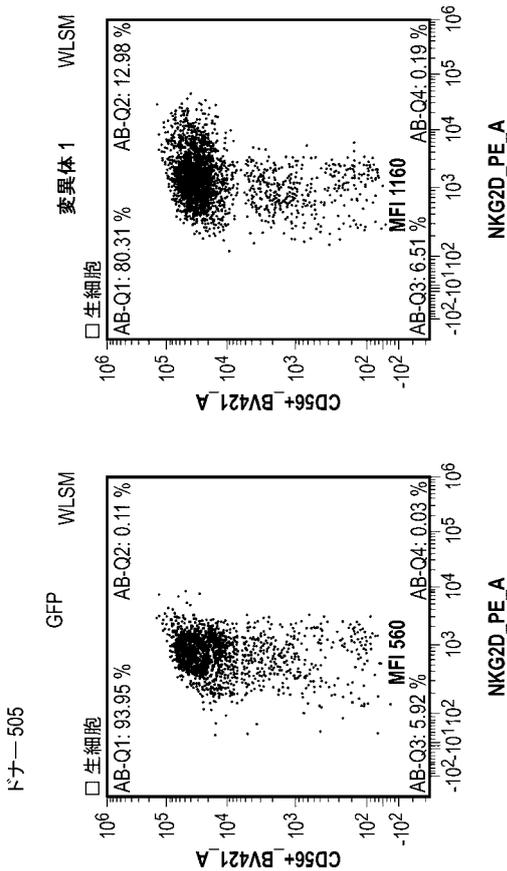


図16B

【 図 1 6 B - 2 】

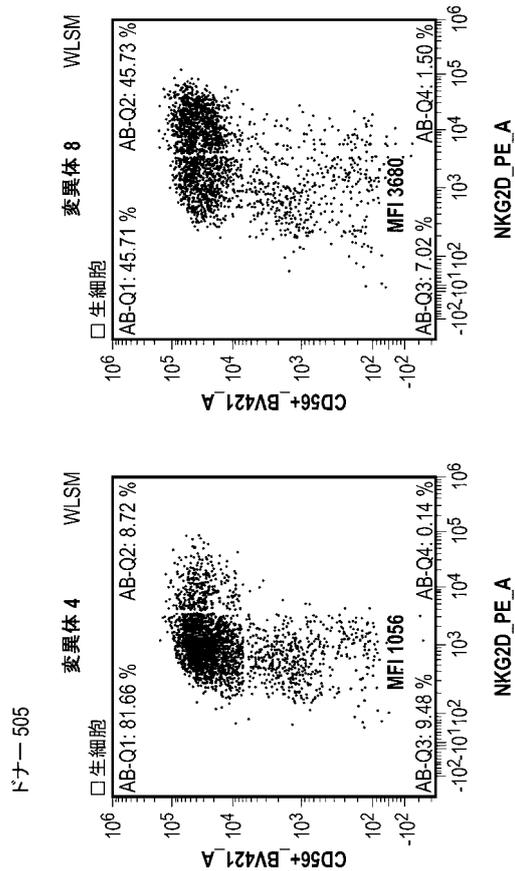
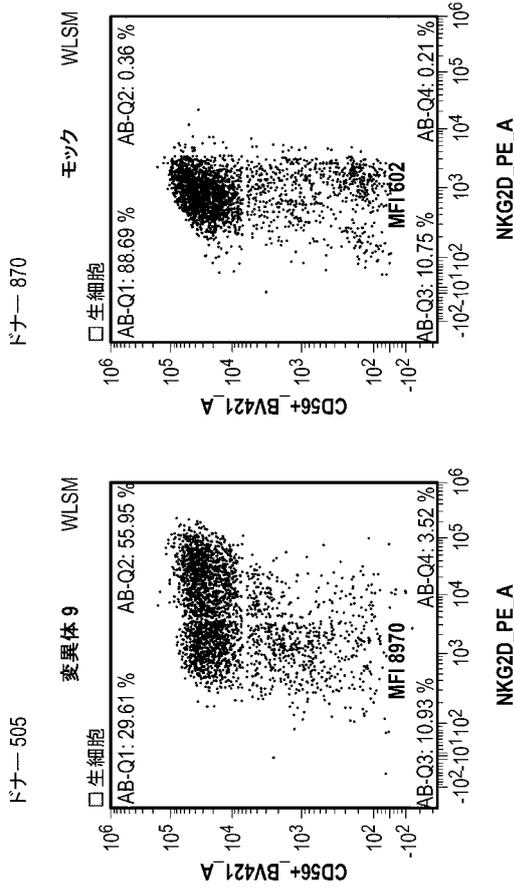


図16B (続き)

【 図 1 6 B - 3 】



【 図 1 6 B - 5 】

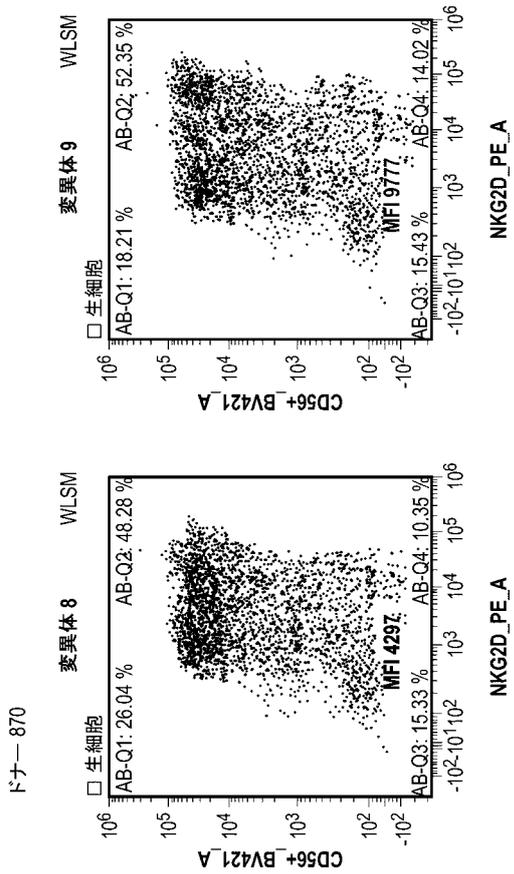


図16B (続き)

【 図 1 6 B - 4 】

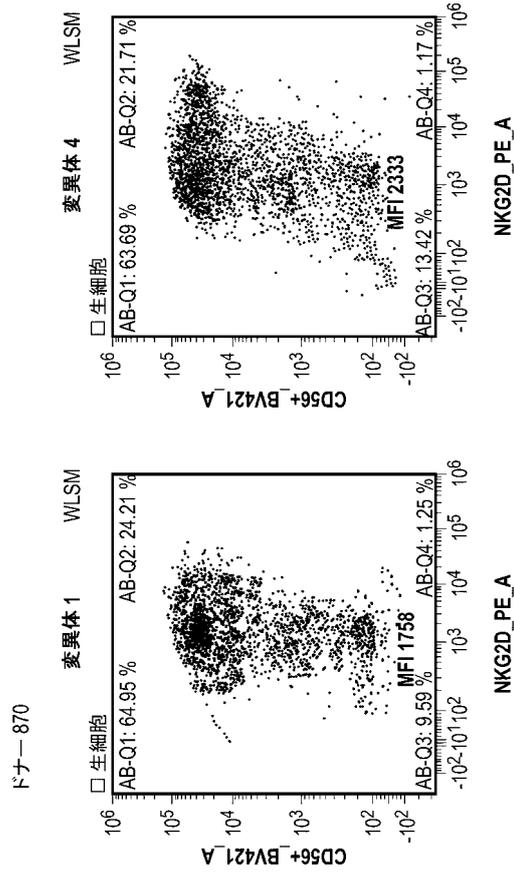
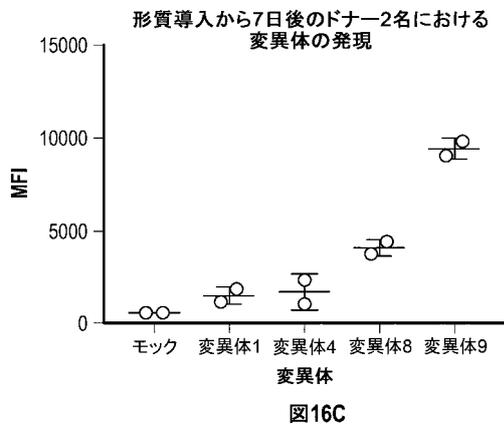
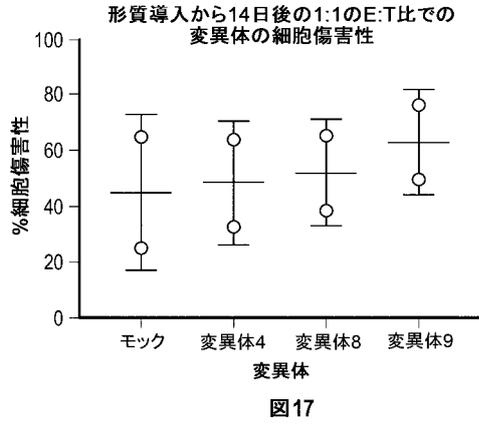


図16B (続き)

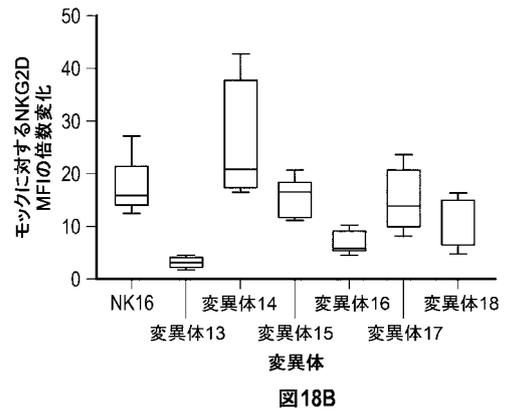
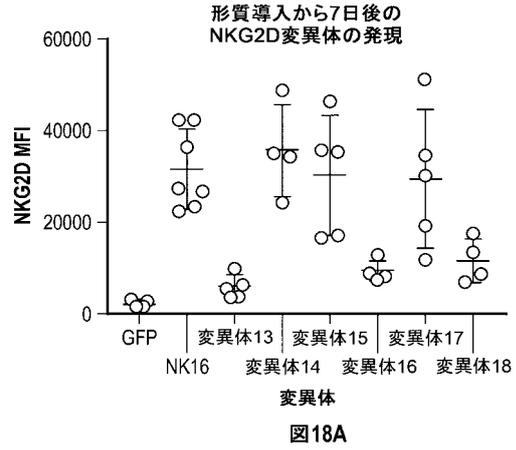
【 図 1 9 C 】



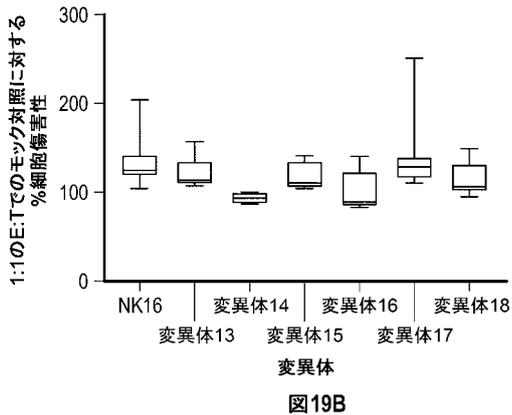
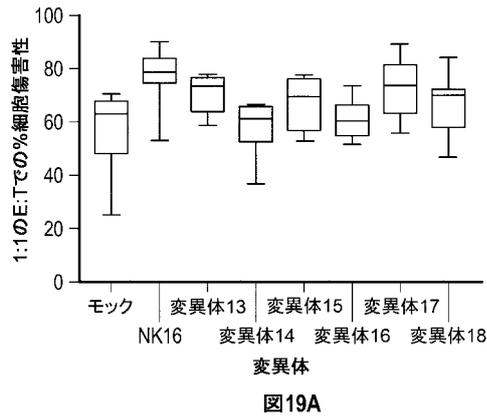
【 図 1 7 】



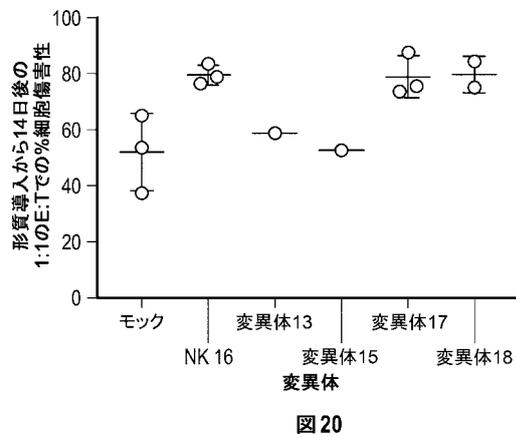
【 図 1 8 A - 1 8 B 】



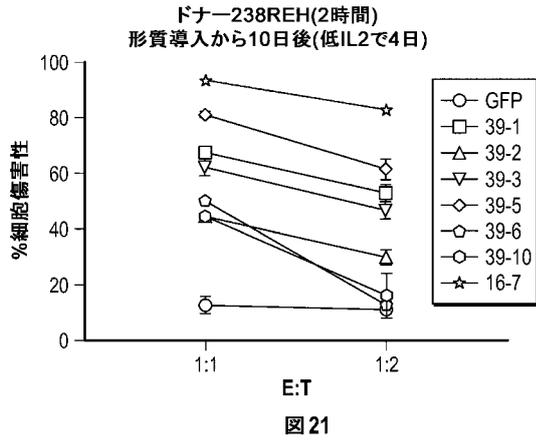
【 図 1 9 A - 1 9 B 】



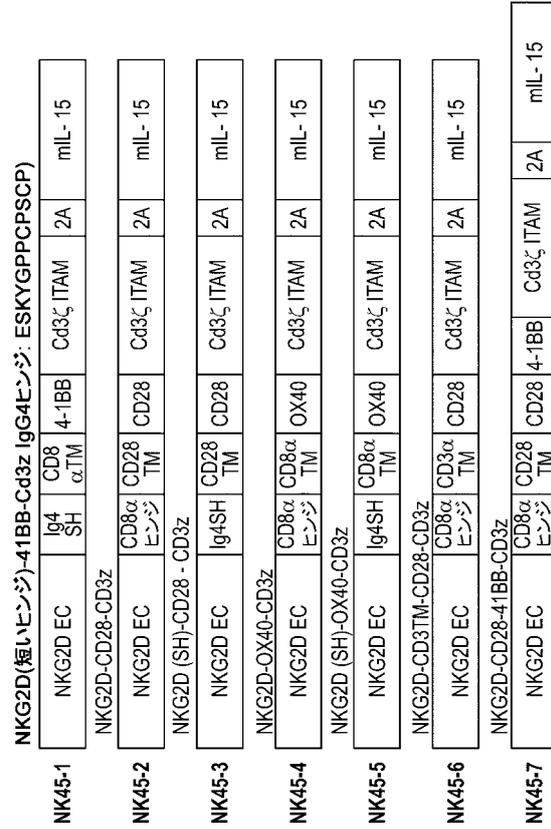
【 図 2 0 】



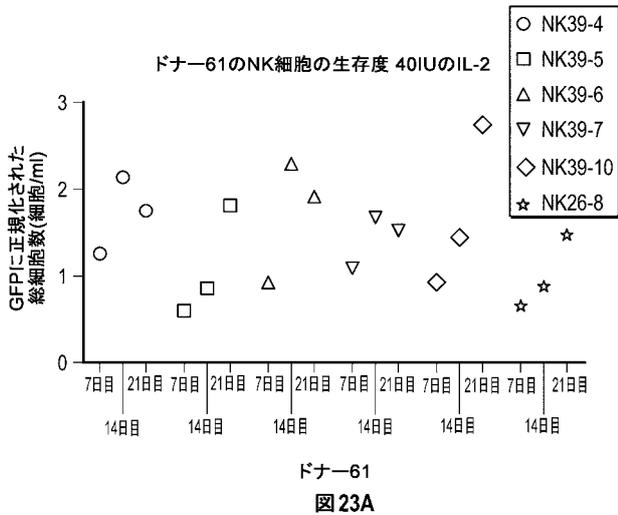
【 図 2 1 】



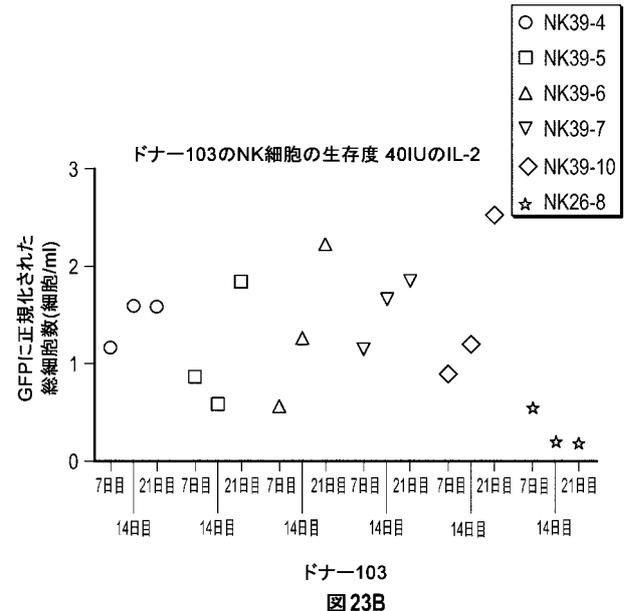
【 図 2 2 】



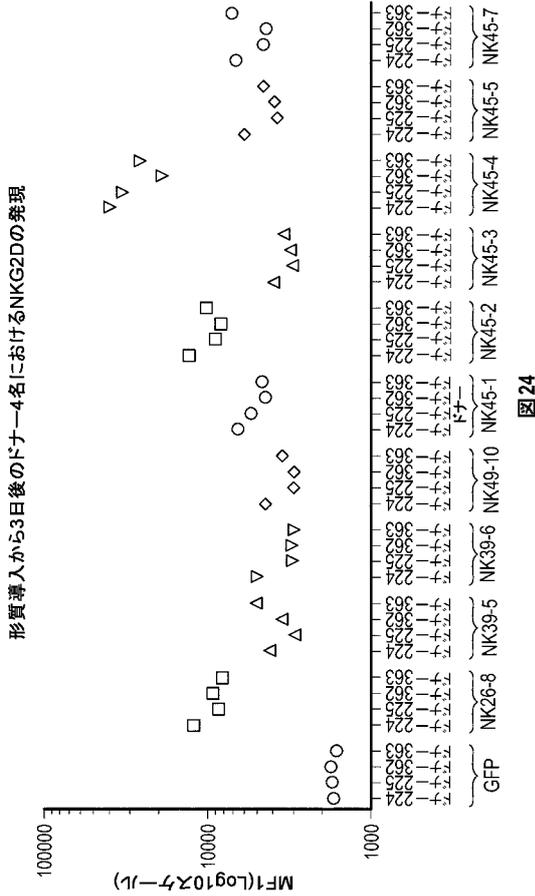
【 図 2 3 A 】



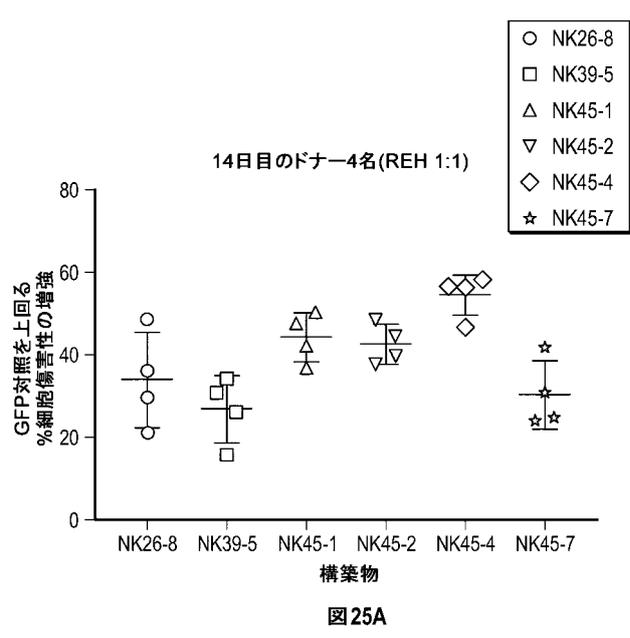
【 図 2 3 B 】



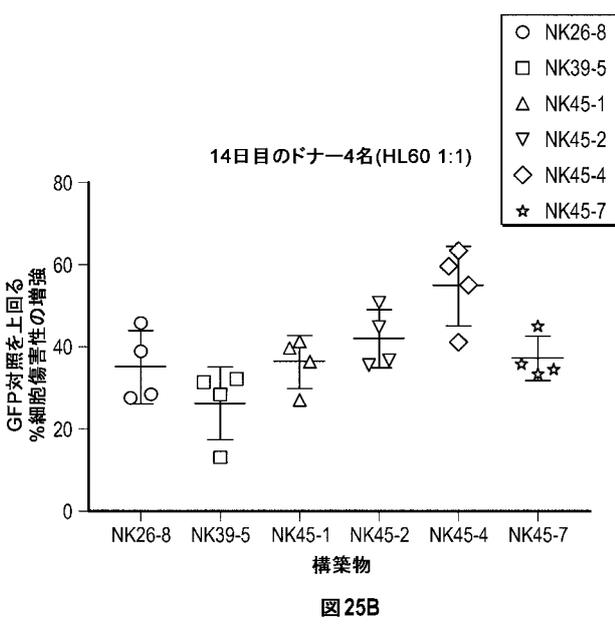
【 図 2 4 】



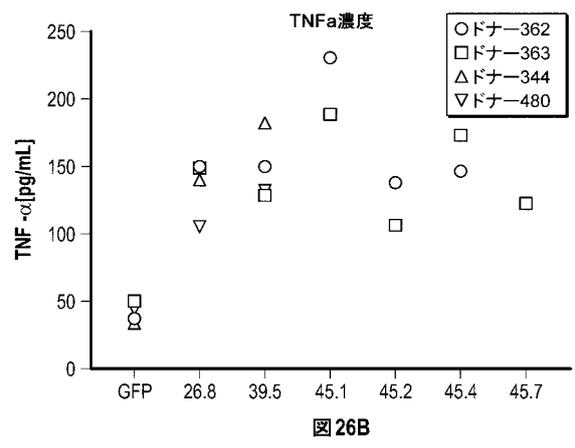
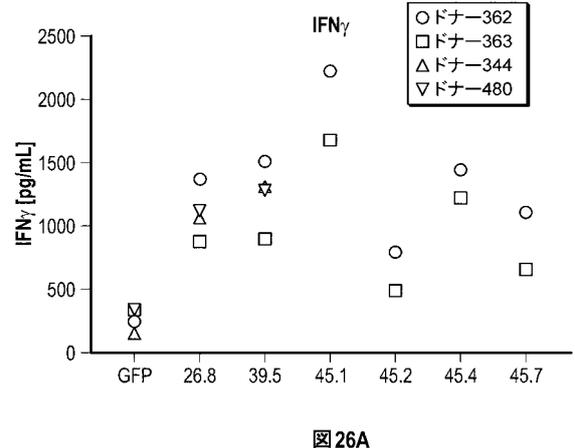
【 図 2 5 A 】



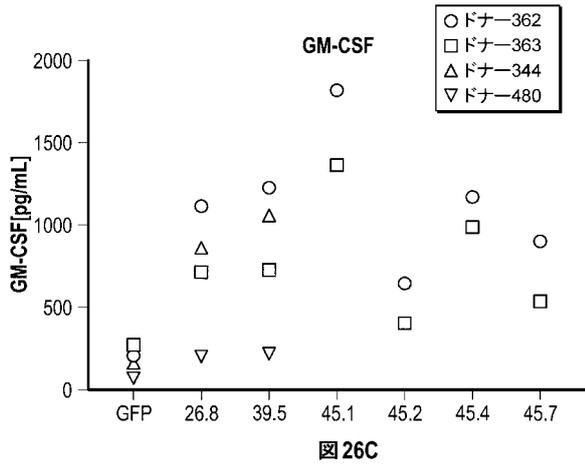
【 図 2 5 B 】



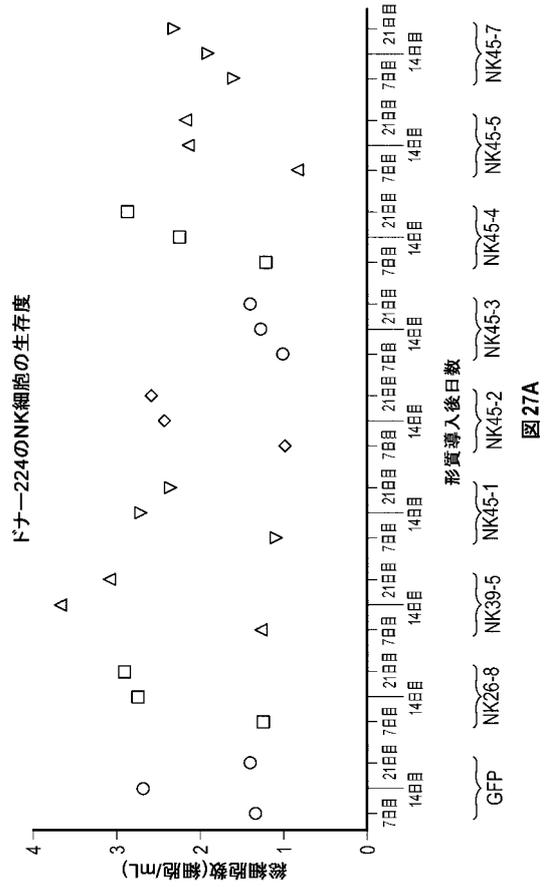
【 図 2 6 A - 2 6 B 】



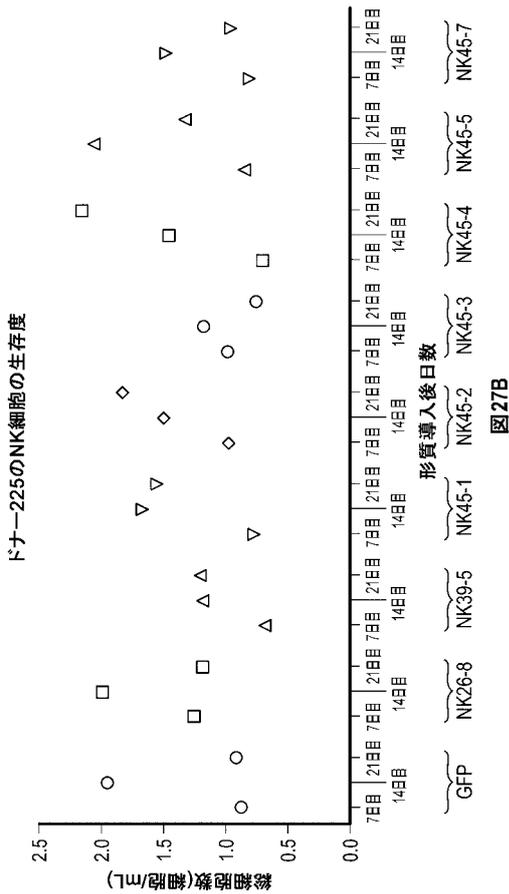
【 図 2 6 C 】



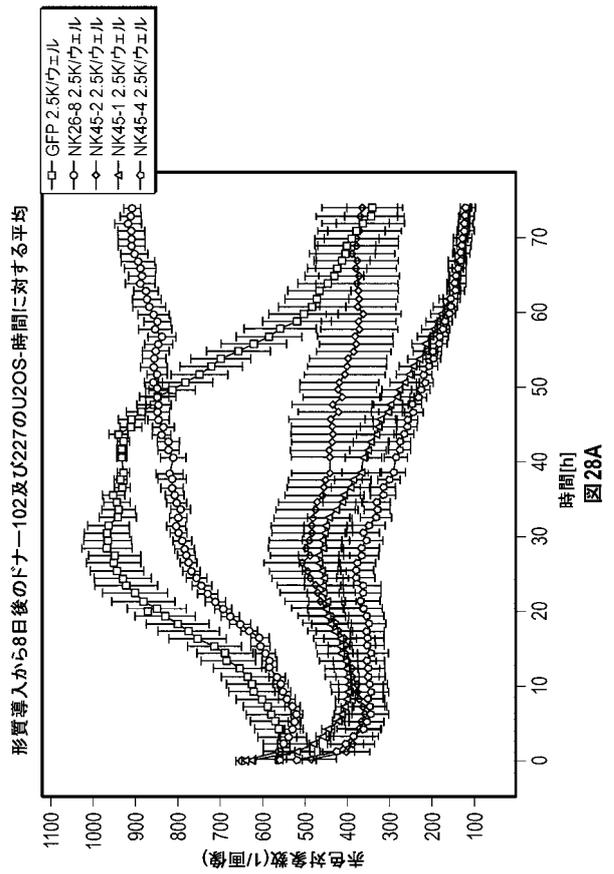
【 図 2 7 A 】



【 図 2 7 B 】



【 図 2 8 A 】



【 図 2 8 B 】

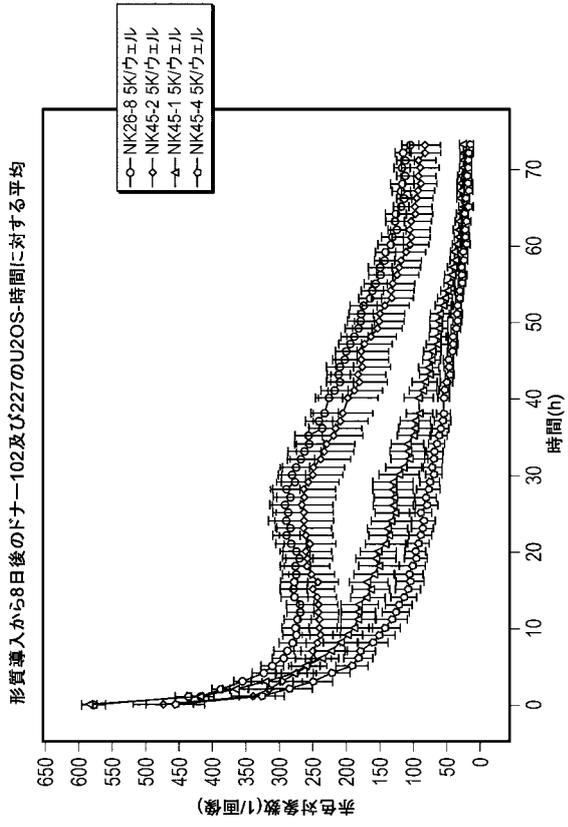


図 28B

【 配 列 表 】

2020512005000001.app

【 国際調査報告 】

INTERNATIONAL SEARCH REPORT		International application No. PCT/US18/24650
A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER IPC - A61K 35/17, 38/00; A01N 63/00; C07K 14/725, 14/705; C12N 5/0783 (2018.01) CPC - A61K 35/17, 38/00; C07K 14/705; 14/7051, 14/7056; C12N 5/0087, 5/0646		
According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC		
B. FIELDS SEARCHED		
Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols) See Search History document		
Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched See Search History document		
Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used) See Search History document		
C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
Y	US 2016/0000828 A1 (ST. JUDE CHILDREN'S RESEARCH HOSPITAL, INC. et al.) January 7, 2016; paragraphs [0010], [0013], [0014], [0017], [0021], [0094], [0096]	106, 108/106, 131-132
Y	US 2012/0282256 A1 (CAMPANA et al.) November 8, 2012; abstract; paragraphs [0029], [0105], [0144]; claim 22	106, 108/106, 131-132
Y	US 2012/0148552 A1 (JENSEN) June 14, 2012; paragraphs [0009], [0040]	106, 108/106
A	US 2015/0218649 A1 (SAENGER et al.) August 6, 2015; Table 9	1-10, 11/1-10, 12/11/1-10, 13/11/1-10, 14/1-10, 15/1-10, 16-26, 30/16-26, 31/30/16-26, 32/30/16-26, 33/16-26, 34/16-26, 35, 39/35, 56/39/35, 57/56/39/35, 58/56/39/35, 109-111, 130
A	US 2014/0286973 A1 (THE TRUSTEES OF THE UNIVERSITY OF PENNSYLVANIA) September 25, 2014; claim 6	1-10, 11/1-10, 12/11/1-10, 13/11/1-10, 14/1-10, 15/1-10, 16-26, 30/16-26, 31/30/16-26, 32/30/16-26, 33/16-26, 34/16-26
<input type="checkbox"/> Further documents are listed in the continuation of Box C. <input type="checkbox"/> See patent family annex.		
* Special categories of cited documents: "A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance "E" earlier application or patent but published on or after the international filing date "L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified) "O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means "P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed "I" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention "X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone "Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art "&" document member of the same patent family		
Date of the actual completion of the international search 18 July 2017 (18.07.2018)		Date of mailing of the international search report 26 JUL 2018
Name and mailing address of the ISA/ Mail Stop PCT, Attn: ISA/US, Commissioner for Patents P.O. Box 1450, Alexandria, Virginia 22313-1450 Facsimile No. 571-273-8300		Authorized officer Shana Thomas PCT Helpdesk: 571-272-4300 PCT OSP: 571-272-7774

Form PCT/ISA/210 (second sheet) (January 2015)

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/US18/24650

Box No. II Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of item 2 of first sheet)

This international search report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:

1. Claims Nos.:
because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely:

2. Claims Nos.:
because they relate to parts of the international application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful international search can be carried out, specifically:

3. Claims Nos.: 62-79, 104, 105, 112-129
because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).

Box No. III Observations where unity of invention is lacking (Continuation of item 3 of first sheet)

This International Searching Authority found multiple inventions in this international application, as follows:

-Please See Supplemental Page-

1. As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers all searchable claims.
2. As all searchable claims could be searched without effort justifying additional fees, this Authority did not invite payment of additional fees.
3. As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.:

4. No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this international search report is restricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:
1-10, 11/1-10, 12/11/1-10, 13/11/1-10, 14/1-10, 15/1-10, 16-26, 30/16-26, 31/30/16-26, 32/30/16-26, 33/16-26, 34/16-26, 35, 39/35, 56/39/35, 57/56/39/35, 58/56/39/35, 106, 108/106, 109-111, 130-132; SEQ ID NOs: 19, 18, 2, 13, 5, 12; CD8 transmembrane domain

- Remark on Protest**
- The additional search fees were accompanied by the applicant's protest and, where applicable, the payment of a protest fee.
- The additional search fees were accompanied by the applicant's protest but the applicable protest fee was not paid within the time limit specified in the invitation.
- No protest accompanied the payment of additional search fees.

INTERNATIONAL SEARCH REPORT
Information on patent family members

International application No.

PCT/US18/24650

-***-Continued from Box No. III Observations where unity of invention is lacking: -***-

This application contains the following inventions or groups of inventions which are not so linked as to form a single general inventive concept under PCT Rule 13.1. In order for all inventions to be examined, the appropriate additional examination fees must be paid.

Groups I+, Claims 1-61, 80-103, 106-111, 130-132, a CD8 transmembrane region, and SEQ ID NOs: 2, 5, 12, 13, 18, 19, are directed toward a polynucleotide encoding a chimeric receptor comprising an extracellular domain of NKG2D, an effector domain comprising a transmembrane region and an intracellular signaling domain; cells comprising the polynucleotide or the polypeptide encoded thereby, and methods for the manufacture of medicaments and for treating cancer with the polynucleotide, or with the cells.

The polynucleotide, cells, and methods will be searched to the extent they encompass a chimeric receptor encompassing an amino acid sequence encompassing SEQ ID NO: 19 (first exemplary chimeric receptor AA sequence), encoded by a sequence encompassing SEQ ID NO: 18 (first exemplary chimeric receptor encoding sequence), wherein the nucleic acid encompasses an NKG2D domain encompassing SEQ ID NO: 2 (first exemplary NKG2D domain), a CD3zeta signaling domain encompassing SEQ ID NO: 13 (first exemplary signaling domain), a CD8a hinge region encompassing SEQ ID NO: 5 (first exemplary hinge region), a CD8 transmembrane domain (first exemplary transmembrane region); and a 4-1BB signaling domain encompassing SEQ ID NO: 12 (first exemplary additional signaling domain). Applicant is invited to elect additional chimeric receptor sequence(s), with, where applicable, associated domain(s) thereof and/or independent chimeric receptor domain sequence(s), with specified SEQ ID NO: for each, or with specified substitution(s) at specified site(s) of a SEQ ID NO.; such that the sequence of each elected species is fully specified (i.e. no optional or variable residues or substituents), to be searched. Additional chimeric antigen sequence(s) and/or domain sequence(s) will be searched upon the payment of additional fees. It is believed that claims 1-8, 10, 11-15 (each in-part), 16-22, 30-35 (each in-part), 39 (in-part), 56-58 (each in-part), 106, 108-111 (each in-part), 130 (in-part), 131 and 132 encompass this first named invention and thus these claims will be searched without fee to the extent that they encompass a chimeric receptor encompassing SEQ ID NO: 19 (chimeric receptor AA sequence), encoded by a sequence encompassing SEQ ID NO: 18 (chimeric receptor encoding sequence); NKG2D domain SEQ ID NO: 2 (NKG2D domain), CD3zeta signaling domain SEQ ID NO: 13 (signaling domain), CD8a hinge region SEQ ID NO: 5 (hinge region), a CD8 transmembrane domain (transmembrane region); and 4-1BB signaling domain SEQ ID NO: 12 (additional signaling domain). Applicants must specify the claims that encompass any additionally elected sequence(s). Applicants must further indicate, if applicable, the claims which encompass the first named invention, if different than what was indicated above for this group. Failure to clearly identify how any paid additional invention fees are to be applied to the "+" group(s) will result in only the first claimed invention to be searched/examined. An exemplary election would be a chimeric receptor encoded by SEQ ID NO: 108 (chimeric receptor encoding sequence). (It should be noted that membrane-bound interleukin-15 amino acid sequence SEQ ID NO: 17 and encoding nucleic acid sequence SEQ ID NO: 16 will be searched as a part of the first embodiment of Groups I+).

No technical features are shared between the chimeric antigen receptor domain sequences of Groups I+ and, accordingly, these groups lack unity a priori.

Additionally, even if Groups I+ were considered to share the technical features including: a polynucleotide encoding a chimeric receptor expressed by a cell, comprising: (a) an extracellular receptor domain, wherein said extracellular receptor domain comprises a peptide that binds native ligands of Natural Killer Group 2 member D (NKG2D), wherein the peptide that binds native ligands of NKG2D is a fragment of NKG2D, wherein the fragment of NKG2D is encoded by a polynucleotide, and (b) an effector domain comprising a transmembrane region and an intracellular signaling domain, and wherein the cell further comprises a membrane-bound interleukin 15 (mbIL15); a method for treating cancer, comprising administering to a subject having a cancer a composition comprising a Natural Killer (NK) cell expressing the chimeric receptor encoded by the polynucleotide; use of the polynucleotide in the manufacture of a medicament for enhancing NK cell cytotoxicity in a mammal in need thereof; use of the polynucleotide in the manufacture of a medicament for treating or preventing cancer or an infectious disease in a mammal in need thereof; a transgenic cell comprising: a) an immune cell comprising a chimeric receptor, the chimeric receptor comprising: (i) an extracellular receptor domain comprising a peptide that binds native ligands of Natural Killer Group 2 member D (NKG2D), wherein the peptide that binds native ligands of NKG2D is a fragment of NKG2D; and (ii) an effector domain comprising a transmembrane region and an intracellular signaling domain; b) a membrane-bound interleukin 15 (mbIL15); and a method for treating cancer, comprising administering a composition comprising the cell to a subject having a cancer; these shared technical features are previously disclosed by US 2016/0000828 A1 to St. Jude Children's Research Hospital, Inc. et al. (hereinafter 'St. Jude') in view of WO 2015/154012 A1 to Memorial Sloan-Kettering Cancer Center (hereinafter "MSKCC").

-***-Continued Within the Next Supplemental Box-***-

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/US18/24650

-***-Continued from Previous Supplemental Page:

St. Jude discloses a polynucleotide encoding a chimeric receptor (a polynucleotide encoding a chimeric receptor; paragraphs [0010], [0014]) expressed by a cell (expressed by a cell; paragraph [0013]), comprising: (a) an extracellular receptor domain (comprising: (a) an NKG2D receptor extracellular receptor domain; paragraph [0014]), wherein said extracellular receptor domain comprises a peptide that binds native ligands of Natural Killer Group 2 member D (NKG2D), wherein the peptide that binds native ligands of NKG2D is a fragment of NKG2D (wherein the extracellular receptor domain comprises an extracellular ligand binding domain of NKG2D (wherein said extracellular receptor domain comprises a peptide that binds native ligands of Natural Killer Group 2 member D (NKG2D), wherein the peptide that binds native ligands of NKG2D is a fragment of NKG2D); paragraph [0014]), wherein the fragment of NKG2D is encoded by a polynucleotide (wherein the fragment of NKG2D is encoded by a polynucleotide; paragraph [0014]), and (b) an effector domain comprising a transmembrane region (an effector domain comprising a transmembrane region; paragraphs [0094], [0096]) and an intracellular signaling domain (and an intracellular signaling domain; paragraphs [0014], [0094], [0096]); a method for treating cancer (a method for treating cancer; paragraph [0021]), comprising administering to a subject having a cancer a composition comprising a Natural Killer (NK) cell expressing the chimeric receptor encoded by the polynucleotide (comprising administering to a subject having a cancer a composition comprising a Natural Killer (NK) cell expressing the chimeric receptor encoded by the polynucleotide; paragraphs [0013], [0021]); a transgenic cell comprising: a) an immune cell comprising a chimeric receptor (a transgenic cell comprising: a) an immune cell comprising a chimeric receptor; paragraphs [0013], [0017]), the chimeric receptor comprising: (i) an extracellular receptor domain comprising a peptide that binds native ligands of Natural Killer Group 2 member D (NKG2D), wherein the peptide that binds native ligands of NKG2D is a fragment of NKG2D (the chimeric receptor comprising: (i) an extracellular receptor domain comprising a peptide that binds native ligands of Natural Killer Group 2 member D (NKG2D), wherein the peptide that binds native ligands of NKG2D is a fragment of NKG2D; paragraphs [0013], [0017]); and (ii) an effector domain comprising a transmembrane region and an intracellular signaling domain (and (ii) an effector domain comprising a transmembrane region and an intracellular signaling domain; paragraphs [0013], [0017], [0094], [0096]); and a method for treating cancer, comprising administering a composition comprising the cell to a subject having a cancer (a method for treating cancer, comprising administering a composition comprising the cell to a subject having a cancer; paragraphs [0013], [0017], [0021]). St. Jude further discloses wherein the receptor is an NK cell-activating receptor, that, when expressed in activated NK cells, enhances the capacity of the cells to kill tumor cells (wherein the receptor is an NK cell-activating receptor, that, when expressed in activated NK cells, enhances the capacity of the cells to kill tumor cells; paragraphs [0012], [0095]); and a kit that includes approval of an agency for the manufacture of a pharmaceutical comprised therein (a kit that includes approval of an agency for the manufacture of a pharmaceutical comprised therein; paragraph [0249]).

St. Jude does not disclose: wherein the cell further comprises a membrane-bound interleukin 15 (mbIL15); and use of the polynucleotide in the manufacture of a medicament for enhancing NK cell cytotoxicity in a mammal in need thereof; use of the polynucleotide in the manufacture of a medicament for treating or preventing cancer or an infectious disease in a mammal in need thereof.

MSKCC discloses methods for the clonogenic expansion of NK cells (methods for the clonogenic expansion of NK cells; abstract), including using trans-presented IL-15 in cell culture to expand the NK cells (including using trans-presented IL-15 in cell culture to expand the NK cells; abstract); wherein the IL-15 is membrane bound (wherein the IL-15 is membrane bound; paragraph [00135]).

It would have been obvious to a person of ordinary skill in the art at the time of the invention was made to have modified the disclosure of St. Jude to have provided for the use of the receptors encoded by the nucleic acids, or cells expressing them, for the manufacture of a medicament or pharmaceutical preparation for the treatment of cancer, and inclusion of the medicament in a kit, based on the disclosure of St. Jude. It further would have been obvious to a person of ordinary skill in the art at the time of the invention was made to have provided a nucleic acid encoding membrane-bound IL-15 to the cells in order to enable the cells to present paralogously, IL-15 to adjacent NK cells in culture in order to enhance the production of said cells, as disclosed by MSKCC.

Since none of the special technical features of the Groups I+ inventions is found in more than one of the inventions, and since all of the shared technical features are previously disclosed by a combination of the St. Jude and MSKCC references, unity of invention is lacking.

フロントページの続き

(51) Int.Cl.	F I	テーマコード(参考)
A 6 1 P 31/00 (2006.01)	A 6 1 P 31/00	
A 6 1 P 35/00 (2006.01)	A 6 1 P 35/00	
A 6 1 K 38/16 (2006.01)	A 6 1 K 38/16	
A 6 1 K 48/00 (2006.01)	A 6 1 K 48/00	
A 6 1 K 35/76 (2015.01)	A 6 1 K 35/76	
A 6 1 K 47/64 (2017.01)	A 6 1 K 47/64	
A 6 1 K 47/65 (2017.01)	A 6 1 K 47/65	
C 1 2 N 5/10 (2006.01)	C 1 2 N 5/10	
C 1 2 N 15/24 (2006.01)	C 1 2 N 15/24	
C 0 7 K 19/00 (2006.01)	C 0 7 K 19/00	
C 0 7 K 14/74 (2006.01)	C 0 7 K 14/74	
C 0 7 K 14/54 (2006.01)	C 0 7 K 14/54	

(81) 指定国・地域 AP(BW, GH, GM, KE, LR, LS, MW, MZ, NA, RW, SD, SL, ST, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), EA(AM, AZ, BY, KG, KZ, RU, TJ, TM), EP(AL, AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HR, HU, IE, IS, IT, LT, LU, LV, MC, MK, MT, NL, NO, PL, PT, RO, RS, SE, SI, SK, SM, TR), OA(BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, KM, ML, MR, NE, SN, TD, TG), AE, AG, AL, AM, AO, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BH, BN, BR, BW, BY, BZ, CA, CH, CL, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DJ, DK, DM, DO, DZ, EC, EE, EG, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, GT, HN, HR, HU, ID, IL, IN, IR, IS, JO, JP, KE, KG, KH, KN, KP, KR, KW, KZ, LA, LC, LK, LR, LS, LU, LY, MA, MD, ME, MG, MK, MN, MW, MX, MY, MZ, NA, NG, NI, NO, NZ, OM, PA, PE, PG, PH, PL, PT, QA, RO, RS, RU, RW, SA, SC, SD, SE, SG, SK, SL, SM, ST, SV, SY, TH, TJ, TM, TN, TR, TT

(74) 代理人 100187850

弁理士 細田 芳弘

(72) 発明者 レオン, ジュン, ハオ

シンガポール国 シンガポール 1 1 9 0 7 7 ローワー ケント リッジ ロード 2 1, シーノオー ナショナル ユニバーシティー オブ シンガポール

(72) 発明者 シマサキ, ノリコ

シンガポール国 シンガポール 1 1 9 0 7 7 ローワー ケント リッジ ロード 2 1, シーノオー ナショナル ユニバーシティー オブ シンガポール

(72) 発明者 ソウ, シー, ヴォーン

シンガポール国 シンガポール 1 1 9 0 7 7 ローワー ケント リッジ ロード 2 1, シーノオー ナショナル ユニバーシティー オブ シンガポール

(72) 発明者 カンパナ, ダリオ

シンガポール国 シンガポール 1 1 9 0 7 7 ローワー ケント リッジ ロード 2 1, シーノオー ナショナル ユニバーシティー オブ シンガポール

(72) 発明者 トレーガー, ジェームズ, バーナビー

アメリカ合衆国 カリフォルニア 9 4 0 8 0 サウス サン フランシスコ, サード フロア, オイスター ポイント ブールバール 3 2 9, シーノオー エヌカルタ, インコーポレイテッド

(72) 発明者 ラゼティック, アレクサンドラ, レイダ リアナ

アメリカ合衆国 カリフォルニア 9 4 0 8 0 サウス サン フランシスコ, サード フロア, オイスター ポイント ブールバール 3 2 9, シーノオー エヌカルタ, インコーポレイテッド

(72) 発明者 グオ, チャオ

アメリカ合衆国 カリフォルニア 9 4 0 8 0 サウス サン フランシスコ, サード フロア, オイスター ポイント ブールバール 3 2 9, シーノオー エヌカルタ, インコーポレイテッド

(72) 発明者 ブーレン, ルーシュエン, グオ

アメリカ合衆国 カリフォルニア 9 4 0 8 0 サウス サン フランシスコ, サード フロア, オイスター ポイント ブールバール 3 2 9, シーノオー エヌカルタ, インコーポレイテッド

(72)発明者 マスラニ, シャム, サシカント

アメリカ合衆国 カリフォルニア 9 4 0 8 0 サウス サン フランシスコ, サード フロア,
オイスター ポイント ブールバール 3 2 9, シーノオー エヌカルタ, インコーポレイテッド

Fターム(参考) 4B065 AA90X AA90Y AA92X AA92Y AA94X AA94Y AA95X AA95Y AA97X AA97Y

AB01 AC14 BA02 CA23 CA24 CA44

4C076 AA95 BB11 CC27 CC41 EE59 FF70

4C084 AA02 AA07 AA13 BA01 BA08 BA22 BA23 NA14 ZB261 ZB262

ZB321 ZB322

4C087 AA01 AA02 AA03 BB37 BC83 CA04 NA14 ZB26 ZB32

4H045 AA10 AA30 BA10 BA41 CA40 DA02 DA50 EA20 FA74