



República Federativa do Brasil  
Ministério da Economia  
Instituto Nacional da Propriedade Industrial

**(11) BR 112016019007-6 B1**



**(22) Data do Depósito: 20/02/2015**

**(45) Data de Concessão: 17/05/2022**

---

**(54) Título:** MÉTODOS PARA PRODUZIR UMA PLANTA DE MILHO, QUE EXPRESSA VIP3A OU GERMOPLASMA DE MILHO COM FERTILIDADE MASCULINA AUMENTADA, PROGRAMA DE MELHORAMENTO, MÉTODO PARA MELHORAR A PRODUÇÃO DE SEMENTES DE UMA PLANTA DE MILHO QUE EXPRESSA VIP3A, E PROGRAMA DE PRODUÇÃO DE SEMENTES

**(51) Int.Cl.:** A01H 5/10; C12N 15/82; C12N 5/04.

**(30) Prioridade Unionista:** 21/02/2014 US 61/942,720.

**(73) Titular(es):** SYNGENTA PARTICIPATIONS AG.

**(72) Inventor(es):** STEVEN WILLIAM RITCHIE; SATYA P. CHINTAMANANI; MOLLY DUNN; ELHAN SULTAN ERSOZ; DAVID JAY FOSTER; NICOLAS FEDERICO MARTIN; DAVID STEWART SKIBBE; DOMINIC MICHAEL TUCKER.

**(86) Pedido PCT:** PCT US2015016877 de 20/02/2015

**(87) Publicação PCT:** WO 2015/127248 de 27/08/2015

**(85) Data do Início da Fase Nacional:** 17/08/2016

**(57) Resumo:** LOCAIS GENÉTICOS ASSOCIADOS A FERTILIDADE ACRESCIDA EM MILHO A presente invenção refere-se a métodos e composições para identificar, selecionar e/ou produzir uma planta ou parte de planta de milho tendo fertilidade acrescida. Também é proporcionada uma planta ou parte de planta de milho que foi identificada, selecionada e/ou produzida por qualquer um dos métodos da presente invenção.

**“MÉTODOS PARA PRODUZIR UMA PLANTA DE MILHO, QUE EXPRESSA Vip3A OU GERMOPLASMA DE MILHO COM FERTILIDADE MASCULINA AUMENTADA, PROGRAMA DE MELHORAMENTO, MÉTODO PARA MELHORAR A PRODUÇÃO DE SEMENTES DE UMA PLANTA DE MILHO QUE EXPRESSA Vip3A, E PROGRAMA DE PRODUÇÃO DE SEMENTES”.**

### **Campo da Invenção**

[001] A presente invenção se refere a composições e métodos para identificar, selecionar e produzir plantas de milho tendo fertilidade acrescida.

### **Antecedentes**

[002] Proteínas Vip3 têm sido expressas com êxito em plantas transgênicas como milho e algodão. Por exemplo, plantas de milho transgênicas híbridas conseguem expressar proteínas Vip3A a níveis que são inseticidas para pragas de insetos e que não têm nenhum impacto negativo no fenótipo da planta. Assim, o traço Vip3A protege o rendimento e o potencial de rendimento de plantas de milho híbridas. No entanto, foi observado que Vip3 causa fertilidade masculina decrescida em certas plantas de milho endogâmicas em condições normais de crescimento. Este fenômeno é mais notório em plantas de milho endogâmicas que são homozigóticas para um transgene *Vip3A*. O grau de decréscimo da fertilidade masculina é específico de endogâmicas - algumas endogâmicas exibem pouca ou nenhuma redução da fertilidade masculina quando são homozigóticas para um gene *Vip3*, outras endogâmicas são um pouco mais sensíveis a Vip3 e exibem uma redução significativa da fertilidade masculina quando são homozigóticas para um gene *Vip3*, e outras endogâmicas são altamente sensíveis a Vip3 e exibem fertilidade masculina extremamente baixa ou nula quando são homozigóticas para um gene *Vip3*. O grau de decréscimo da fertilidade masculina também é afetado por fatores

ambientais, como disponibilidade de água e temperatura. Em reduções da fertilidade masculina induzidas por *Vip3*, condições de seca e temperatura elevada exacerbam a redução da fertilidade masculina; no entanto, foi mostrado que condições de crescimento mais frias mitigam os efeitos negativos da expressão de *Vip3* na fertilidade masculina.

[003] A identificação de locais genéticos que intensificam a fertilidade de plantas de milho expressando um transgene *Vip3* pode conduzir a produção mais eficiente de culturas ao permitir a identificação, seleção e produção de plantas de milho endogâmicas expressando *Vip3* com fertilidade masculina acrescida.

#### **Sumário da Invenção Reivindicada**

[004] A presente invenção proporciona plantas de milho tendo fertilidade masculina acrescida, bem como composições e métodos para identificar, selecionar e produzir tais plantas.

[005] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos de identificação de uma planta ou parte de planta de milho tendo uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida. Tais métodos podem compreender detectar, em uma planta ou parte de planta de milho, um marcador associado a fertilidade masculina acrescida.

[006] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos de produção de uma planta de milho tendo uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida. Tais métodos podem compreender detectar, em uma parte de planta de milho, a presença de um marcador associado a fertilidade masculina acrescida e produzir uma planta de milho a partir da referida parte de planta de milho. Tais métodos podem compreender adicionalmente introduzir o marcador na referida parte de planta de milho.

[007] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos de melhoramento. Tais métodos podem compreender detectar, em uma

planta ou parte de planta de milho, a presença de um marcador associado a fertilidade masculina acrescida (por exemplo, em ácido nucleico, por exemplo, em um produto de amplificação de uma amostra de ácido nucleico da planta ou parte de planta) e selecionar a referida planta ou parte de planta de milho para melhoramento. Em modalidades, o método pode compreender adicionalmente cruzar a planta de milho (ou um seu antepassado, progenitura ou irmão) com uma segunda planta de milho que opcionalmente está desprovida do marcador para produzir uma planta de milho da progenitura, que opcionalmente compreende o marcador.

[008] Além disso, a invenção proporciona um método para produzir uma planta tendo uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida, compreendendo: selecionar de uma população diversificada de plantas de milho uma planta de milho compreendendo um marcador associado a fertilidade masculina acrescida como descrito aqui; e cruzar a planta de milho (ou um seu antepassado, progenitura ou irmão) com si mesma ou com uma segunda planta de milho para produzir uma planta da progenitura compreendendo o marcador, desse modo produzindo uma planta tendo uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida. Em modalidades, a segunda planta de milho não compreende o marcador. Em modalidades, o marcador é detectado em ácido nucleico da primeira planta de milho e/ou planta da progenitura (por exemplo, em um produto de amplificação de uma amostra de ácido nucleico da planta de milho e/ou progenitura).

[009] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos de redução de custos associados a melhoramento e/ou produção de sementes. Tais métodos podem compreender detectar, em uma planta ou parte de planta de milho, a presença de um marcador associado a fertilidade masculina acrescida e selecionar a referida planta ou parte

de planta de milho para melhoramento.

[0010] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos de previsão da fertilidade masculina. Tais métodos podem compreender detectar, em uma planta ou parte de planta de milho, a presença de um marcador associado a fertilidade masculina acrescida (por exemplo, em ácido nucleico da planta ou parte de planta), em que a presença do marcador prevê uma probabilidade de fertilidade masculina acrescida.

[0011] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos de identificação de uma planta ou parte de planta de milho compreendendo pelo menos um alelo associado a fertilidade masculina acrescida. Tais métodos podem compreender detectar, em uma planta ou parte de planta de milho (por exemplo, em ácido nucleico da planta ou parte de planta), um marcador associado a fertilidade masculina acrescida.

[0012] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos de produção de uma planta ou parte de planta de milho tendo uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida. Tais métodos podem compreender introduzir um ácido nucleico compreendendo pelo menos um alelo associado a fertilidade masculina acrescida no genoma de uma parte de planta de milho e produzir uma planta de milho a partir da referida parte de planta de milho. Tais métodos podem compreender adicionalmente detectar um marcador associado a fertilidade masculina acrescida e/ou o alelo associado a fertilidade masculina acrescida em ácido nucleico (por exemplo, em uma amostra de ácido nucleico) da referida planta ou parte de planta de milho. Em modalidades, o marcador e/ou alelo é detectado em um produto de amplificação de uma amostra de ácido nucleico da referida planta ou parte de planta de milho.

[0013] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos para melhorar a produção de pólen. Tais métodos podem compreender introduzir um ácido nucleico compreendendo pelo menos um alelo

associado a produção de pólen aumentada no genoma de uma parte de planta de milho e produzir uma planta de milho a partir da referida parte de planta de milho. Tais métodos podem compreender adicionalmente detectar um marcador associado a produção de pólen aumentada e/ou o alelo associado a produção de pólen aumentada em ácido nucleico (por exemplo, uma amostra de ácido nucleico) da referida parte de planta de milho. Em modalidades, o marcador é detectado em um produto de amplificação de uma amostra de ácido nucleico da referida planta ou parte de planta.

[0014] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos de produção de uma planta ou parte de planta de milho tendo uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida. Tais métodos podem compreender introduzir uma região genômica associada a fertilidade masculina acrescida no genoma de uma parte de planta de milho e produzir uma planta de milho a partir da referida parte de planta de milho. Tais métodos podem compreender adicionalmente detectar um marcador associado a fertilidade masculina acrescida e/ou a região genômica associada a fertilidade masculina acrescida em ácido nucleico (por exemplo, uma amostra de ácido nucleico) da referida parte de planta de milho. Em modalidades, o marcador é detectado em um produto de amplificação de uma amostra de ácido nucleico da planta ou parte de planta de milho.

[0015] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos para melhorar a produção de pólen. Tais métodos podem compreender, consistir essencialmente de ou consistir de introdução de uma região genômica associada a produção de pólen aumentada no genoma de uma parte de planta de milho e produzir uma planta de milho a partir da referida parte de planta de milho. Tais métodos podem compreender adicionalmente detectar um marcador associado a produção de pólen aumentada e/ou a região genômica associada a produção de pólen

aumentada em ácido nucleico (por exemplo, uma amostra de ácido nucleico) da referida parte de planta de milho. Em modalidades, o marcador é detectado em um produto de amplificação de uma amostra de ácido nucleico da planta ou parte de planta de milho.

[0016] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos de produção de uma planta ou parte de planta de milho tendo uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida. Tais métodos podem compreender introduzir uma região genômica compreendendo um ou mais transgenes associados a fertilidade masculina acrescida no genoma de uma planta ou parte de planta de milho.

[0017] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos para melhorar a produção de pólen. Tais métodos podem compreender introduzir uma região genômica associada a produção de pólen aumentada no genoma de uma planta ou parte de planta de milho e produzir uma planta de milho a partir da referida parte de planta de milho.

[0018] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos de produção de uma planta ou parte de planta de milho tendo uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida. Tais métodos podem compreender cruzar uma primeira planta ou parte de planta de milho com uma segunda planta ou parte de planta de milho para produzir uma planta ou parte de planta de milho da progenitura, em que a referida primeira planta ou parte de planta de milho compreende dentro do seu genoma um marcador associado a fertilidade masculina acrescida, opcionalmente em que a referida segunda planta ou parte de planta de milho está desprovida do referido marcador, e em que a referida planta ou parte de planta de milho da progenitura tem o referido marcador dentro do seu genoma. Tais métodos podem compreender adicionalmente selecionar a referida planta da progenitura com base na

presença do referido marcador.

[0019] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos de produção de uma planta ou parte de planta de milho tendo uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida. Tais métodos podem compreender cruzar uma primeira planta ou parte de planta de milho com uma segunda planta ou parte de planta de milho para produzir uma planta ou parte de planta de milho da progenitura, em que a referida primeira planta ou parte de planta de milho compreende dentro do seu genoma um alelo associado a fertilidade masculina acrescida, opcionalmente em que a referida segunda planta ou parte de planta de milho está desprovida do referido alelo, e em que a referida planta ou parte de planta de milho da progenitura tem o referido alelo dentro do seu genoma. Tais métodos podem compreender adicionalmente selecionar a referida planta da progenitura com base na presença do referido alelo e/ou na presença de um marcador ligado ao referido alelo.

[0020] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos de produção de uma planta ou parte de planta de milho tendo uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida. Tais métodos podem compreender cruzar uma primeira planta ou parte de planta de milho com uma segunda planta ou parte de planta de milho para produzir uma planta ou parte de planta de milho da progenitura, em que a referida primeira planta ou parte de planta de milho compreende dentro do seu genoma uma região genômica compreendendo um ou mais transgenes associados a fertilidade masculina acrescida, opcionalmente em que a referida segunda planta ou parte de planta de milho está desprovida da referida região genômica, e em que a referida planta ou parte de planta de milho da progenitura tem a referida região genômica dentro do seu genoma. Tais métodos podem compreender adicionalmente selecionar a referida planta da progenitura com base na



presença da referida região genômica e/ou na presença de um marcador ligado à referida região genômica.

[0021] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos de seleção de uma planta ou parte de planta de milho tendo uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida. Tais métodos podem compreender cruzar uma primeira planta ou parte de planta de milho com uma segunda planta ou parte de planta de milho, em que a primeira planta ou parte de planta de milho compreende um marcador associado a fertilidade masculina acrescida e opcionalmente em que a referida segunda planta ou parte de planta de milho está desprovida do referido marcador, e selecionar uma planta ou parte de planta da progenitura que possui o referido marcador.

[0022] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos de seleção de uma planta ou parte de planta de milho tendo uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida. Tais métodos podem compreender cruzar uma primeira planta ou parte de planta de milho com uma segunda planta ou parte de planta de milho, em que a primeira planta ou parte de planta de milho compreende um alelo associado a fertilidade masculina acrescida e opcionalmente em que a referida segunda planta ou parte de planta de milho está desprovida do referido alelo, e selecionar uma planta ou parte de planta da progenitura que possui o referido alelo e/ou um marcador ligado ao referido alelo.

[0023] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos de seleção de uma planta ou parte de planta de milho tendo uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida. Tais métodos podem compreender cruzar uma primeira planta ou parte de planta de milho com uma segunda planta ou parte de planta de milho, em que a primeira planta ou parte de planta de milho compreende uma região genômica compreendendo um ou mais transgenes associados a

fertilidade masculina acrescida e opcionalmente em que a referida segunda planta ou parte de planta de milho está desprovida da referida região genômica, e selecionar uma planta ou parte de planta da progenitura que possui a referida região genômica e/ou um marcador ligado à referida região genômica.

[0024] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos de produção de uma planta ou parte de planta de milho tendo uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida. Tais métodos podem compreender cruzar uma planta ou parte de planta de milho doadora com uma planta ou parte de planta de milho recorrente e efetuar o retrocruzamento da progenitura com as referidas plantas ou parte de planta de milho recorrentes por um ou mais gerações, em que a referida planta ou parte de planta de milho doadora compreende dentro do seu genoma um marcador associado a fertilidade masculina acrescida, em que a referida planta ou parte de planta de milho recorrente está opcionalmente desprovida do referido marcador, e em que pelo menos uma geração da referida progenitura é identificada e/ou selecionada para retrocruzamento por detecção da presença do referido marcador.

[0025] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos de produção de uma planta ou parte de planta de milho tendo uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida. Tais métodos podem compreender cruzar uma planta ou parte de planta de milho doadora com uma planta ou parte de planta de milho recorrente e efetuar o retrocruzamento da progenitura com as referidas plantas ou parte de planta de milho recorrentes por um ou mais gerações, em que a referida planta ou parte de planta de milho doadora compreende dentro do seu genoma um alelo associado a fertilidade masculina acrescida, em que a referida planta ou parte de planta de milho recorrente está opcionalmente desprovida do referido alelo, e em que

pelo menos uma geração da referida progenitura é identificada e/ou selecionada para retrocruzamento por detecção da presença do referido alelo e/ou da presença de um marcador ligado ao referido alelo.

[0026] Em algumas modalidades, são proporcionados métodos de produção de uma planta ou parte de planta de milho tendo uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida. Tais métodos podem compreender cruzar uma planta ou parte de planta de milho doadora com uma planta ou parte de planta de milho recorrente e efetuar o retrocruzamento da progenitura com as referidas plantas ou parte de planta de milho recorrentes por um ou mais gerações, em que a referida planta ou parte de planta de milho doadora compreende dentro do seu genoma uma região genômica compreendendo um ou mais transgenes associados a fertilidade masculina acrescida, em que a referida planta ou parte de planta de milho recorrente está opcionalmente desprovida da referida região genômica, e em que pelo menos uma geração da referida progenitura é identificada e/ou selecionada para retrocruzamento por detecção da presença da referida região genômica e/ou da presença de um marcador ligado à referida região genômica.

[0027] Em modalidades, a invenção também proporciona métodos para melhorar a produção de sementes de uma planta de milho. Como ilustração, em modalidades representativas, a invenção proporciona um método para melhorar a produção de sementes de uma planta de milho, compreendendo: cruzar uma primeira planta de milho com uma segunda planta de milho, em que a referida primeira planta de milho compreende dentro do seu genoma um marcador associado a fertilidade masculina acrescida como descrito aqui e a referida segunda planta de milho está opcionalmente desprovida do referido marcador, para produzir uma planta de milho da progenitura compreendendo o referido marcador; e usar uma planta de milho da progenitura compreendendo o referido

marcador como polinizador em um cruzamento com si mesma ou com uma segunda planta de milho que atua como um progenitor de sementes (por exemplo, cruzar a referida planta da progenitura compreendendo o referido marcador com si mesma, em que a planta da progenitura atua como um polinizador e como um progenitor de sementes, ou cruzar a referida planta da progenitura compreendendo com uma segunda planta de milho, em que a planta da progenitura atua como polinizador e a segunda planta de milho que atua como um progenitor de sementes), desse modo melhorando a produção de sementes do cruzamento em comparação com um cruzamento de controle adequado.

[0028] Em modalidades representativas dos métodos da invenção, o marcador, alelo, haplótipo e/ou região genômica compreende, consiste essencialmente de ou consiste de:

(a) um ou mais marcadores localizados dentro de um ou mais dos intervalos cromossômicos descritos na Tabela 1 ou um marcador/alelo/haplótipo/região genômica que mapeia em 10 cM ou menos do mesmo;

(b) um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2, Tabela 8 e/ou Tabela 10, ou um marcador/alelo/haplótipo/região genômica que mapeia em 10 cM ou menos do mesmo;

(c) um haplótipo compreendendo dois ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2, Tabela 8 e/ou Tabela 10, ou um marcador/alelo/haplótipo/região genômica que mapeia em 10 cM ou menos do mesmo;

(d) um alelo ou haplótipo que está em desequilíbrio de ligação com um ou mais dos intervalos cromossômicos descritos na Tabela 1 ou um marcador/alelo/haplótipo/região genômica que mapeia em 10 cM ou menos do mesmo;

(e) um alelo ou haplótipo que está em desequilíbrio de ligação

com um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2, Tabela 8 e/ou Tabela 10, ou um marcador/alelo/haplótipo/região genômica que mapeia em 10 cM ou menos do mesmo;

(f) um alelo ou haplótipo que está em desequilíbrio de ligação com um haplótipo compreendendo dois ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2, Tabela 8 e/ou Tabela 10, ou um marcador/alelo/haplótipo/região genômica que mapeia em 10 cM ou menos do mesmo; ou

(g) qualquer combinação de (a) até (f).

[0029] Em modalidades adicionais dos métodos da invenção, o marcador/alelo/haplótipo/região genômica está localizado dentro do:

(a) intervalo cromossômico 1 como descrito na Tabela 1;

(b) intervalo cromossômico 2 como descrito na Tabela 1;

(c) um ou mais dos intervalos cromossômicos 3 até 17 como descritos na Tabela 1;

(d) um ou mais dos intervalos cromossômicos 18 até 45 como descritos na Tabela 1;

(e) um ou mais dos intervalos cromossômicos 46 até 12743 como descritos na Tabela 1;

(f) um ou mais dos intervalos cromossômicos 12744 até 12749 como descritos na Tabela 1;

(g) um ou mais dos intervalos cromossômicos 12750 até 12755 como descritos na Tabela 1;

(h) intervalo cromossômico 12756 como descrito na Tabela 1;

(i) um ou mais dos intervalos cromossômicos 12757 até 12762 como descritos na Tabela 1;

(j) um ou mais dos intervalos cromossômicos 12763 até 12768 como descritos na Tabela 1;

(k) um ou mais dos intervalos cromossômicos 6 até 9371 como descritos na Tabela 1;

- (l) intervalo cromossômico 3 como descrito na Tabela 1;
- (m) intervalo cromossômico 13 como descrito na Tabela 1;
- (n) intervalo cromossômico 25 como descrito na Tabela 1; ou
- (o) qualquer combinação de (a) até (n).

[0030] Em algumas modalidades, o marcador/alelo/haplótipo/região genômica compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um ou mais dos alelos desejados:

- (a) no cromossomo 5 como descrito na Tabela 8;
- (b) no cromossomo 3 como descrito na Tabela 8;
- (c) no cromossomo 7 como descrito na Tabela 8;
- (d) no cromossomo 10 como descrito na Tabela 8;
- (e) nos cromossomos 3 e 5 como descritos na Tabela 8;
- (f) nos cromossomos 5 e 7 como descritos na Tabela 8;
- (g) nos cromossomos 3, 5 e 7 como descritos na Tabela 8;
- (h) nos cromossomos 5 e 10 como descritos na Tabela 8;
- (i) nos cromossomos 3, 5 e 10 como descritos na Tabela 8;
- (j) qualquer combinação de (a) até (i); ou
- (k) ou um marcador/alelo/haplótipo/região genômica que mapeia em 10 cM ou menos de qualquer um de (a) até (j).

[0031] Em outras modalidades representativas, o marcador/alelo/haplótipo/região genômica compreende um haplótipo compreendendo dois ou mais dos alelos desejados:

- (a) no cromossomo 5 (QTL 5.1 e/ou QTL 5.2) como descrito na Tabela 8;
- (b) no cromossomo 3 como descrito na Tabela 8;
- (c) no cromossomo 7 como descrito na Tabela 8;
- (d) no cromossomo 10 como descrito na Tabela 8;
- (e) nos cromossomos 3 e 5 como descritos na Tabela 8;
- (f) nos cromossomos 5 e 7 como descritos na Tabela 8;
- (g) nos cromossomos 3, 5 e 7 como descritos na Tabela 8;

- (h) nos cromossomos 5 e 10 como descritos na Tabela 8;
- (i) nos cromossomos 3, 5 e 10 como descritos na Tabela 8;
- (j) qualquer combinação de (a) até (i); ou
- (k) ou um marcador/alelo/haplótipo/região genômica que mapeia em 10 cM ou menos de qualquer um de (a) até (j).

[0032] Em algumas modalidades, são proporcionadas plantas e partes de plantas de milho de ocorrência não natural compreendendo um ou mais marcadores, alelos e/ou regiões genômicas associados a fertilidade masculina acrescida (por exemplo, plantas de milho e plantas identificadas, selecionadas e/ou produzidas de acordo com métodos da invenção).

[0033] Em algumas modalidades, são proporcionadas progenitura e partes de plantas derivadas de plantas e partes de plantas de milho compreendendo um ou mais marcadores, alelos e/ou regiões genômicas associados a fertilidade masculina acrescida (por exemplo, plantas de milho e plantas identificadas, selecionadas e/ou produzidas de acordo com métodos da invenção).

[0034] Em algumas modalidades, são proporcionados marcadores isolados e/ou purificados associados a fertilidade masculina acrescida. Tais marcadores podem compreender, consistir essencialmente de ou consistir de uma ou mais das sequências de nucleotídeos apresentadas nas SEQ ID NOs: 1–350, o seu complemento reverso, ou um seu fragmento informativo ou funcional.

[0035] Em algumas modalidades, são proporcionados locais de traços quantitativos (QTLs) isolados e/ou purificados associados a fertilidade masculina acrescida. Tais QTLs podem compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1.

[0036] Em algumas modalidades, são proporcionados produtos de amplificação compreendendo um ou mais marcadores, alelos e/ou

regiões genômicas associados a fertilidade masculina acrescida. Tais produtos de amplificação podem compreender, consistir essencialmente de ou consistir de uma ou mais das sequências de nucleotídeos apresentadas nas SEQ ID NOs: 1 até 350, o seu complemento reverso, ou um seu fragmento informativo ou funcional.

[0037] Em algumas modalidades, são proporcionadas sondas (por exemplo, como descritas na Tabela 9) para detectar um ou mais marcadores, alelos e/ou regiões genômicas associados a fertilidade masculina acrescida. Tais sondas podem compreender, consistir essencialmente de, ou consistir de uma ou mais das sequências de nucleotídeos apresentadas nas SEQ ID NOs: 526 até 613, o seu complemento reverso, ou um seu fragmento informativo ou funcional.

[0038] O anteriormente referido e outros objetivos e aspectos da presente invenção são explicados em detalhe nas figuras e especificação apresentados embaixo.

### **Breve Descrição das Tabelas**

[0039] **Tabela 1** descreve segmentos dos cromossomos de milho 1, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9 e 10.

[0040] **Tabela 2** descreve alelos de interesse localizados no cromossomo de milho 5.

[0041] **Tabela 3** descreve proteínas de interesse codificadas pelo cromossomo de milho 5, bem como os segmentos do cromossomo 5 que codificam aquelas proteínas.

[0042] **Tabela 4** descreve proteínas Vip3 e as sequências de ácidos nucleicos codificando aquelas proteínas.

[0043] **Tabela 5** mostra que reduções induzidas por Vip3 na fertilidade masculina variam ao longo de contextos genéticos.

[0044] **Tabela 6** mostra as pontuações LOD (logaritmo de probabilidades) de QTLs (locus de traço quantitativo) identificados usando plantas F2 de cruzamentos biparentais de NP2222 (descrito na



Patente U.S. No. 6,710,233) e NP2276 (descrito na Patente U.S. No. 6,706,955) e cruzamentos biparentais de ID3461 (descrito no Pedido de Patente Internacional No. WO2009142752) e NP2276.

[0045] **Tabela 7** mostra o Índice de Fertilidade usado para classificar plantas F2 de cruzamentos biparentais de NP2222 e NP2276 e cruzamentos biparentais de ID3461 e NP2276.

[0046] **Tabela 8** descreve QTLs associados a quantidade acrescida de anteras e/ou qualidade melhorada de anteras em plantas de milho expressando uma proteína Vip3.

[0047] **Tabela 9** descreve sondas de ácidos nucleicos e iniciadores exemplificativos úteis para identificar os alelos favoráveis nos QTLs descritos na Tabela 8.

[0048] **Tabela 10** descreve SNPs presentes na linhagem de milho endogâmica NP2222 versus a linhagem NP2276 ao longo de intervalos de QTLs associados a fertilidade masculina na Tabela 8. Quando os alelos diferem entre as duas linhagens, o alelo de NP2222 corresponde ao alelo desejado (favorável).

[0049] **Tabela 11** proporciona linhagens públicas que se prevê conterem alelos favoráveis.

#### [0050] **Breve Descrição dos Desenhos**

[0051] **Fig. 1** é uma tabela comparando a quantidade de anteras de linhagens endogâmicas NP2276 expressando Vip3 que cresceram sob condições variáveis de temperatura e umidade.

[0052] **Fig. 2** mostra que o estresse térmico exacerba reduções da fertilidade masculina induzidas por Vip3.

#### **Descrição Detalhada**

[0053] A presente invenção proporciona plantas de milho tendo fertilidade acrescida, bem como composições e métodos para identificar, selecionar e produzir plantas e partes de plantas de milho tendo uma ou mais características associadas a fertilidade acrescida.

[0054] Apesar dos seguintes termos serem supostamente bem compreendidos por um especialista na técnica, as seguintes definições são apresentadas para facilitar a compreensão do assunto aqui revelado.

[0055] É pretendido que todos os termos técnicos e científicos usados aqui, a menos que definidos em contrário embaixo, tenham o significado normalmente compreendido por um especialista na técnica. É pretendido que referências às técnicas empregues aqui se refiram às técnicas como habitualmente entendidas na área, incluindo variações dessas técnicas ou substituições de técnicas equivalentes que serão aparentes a uma pessoa com perícia na técnica.

[0056] Todas as patentes, publicações de patentes, publicações diferentes de patentes e sequências referenciadas aqui são incorporadas a título de referência na sua totalidade.

[0057] A menos que especificado de outro modo, locais genéticos são descritos aqui relativamente às suas posições no genoma de referência de Milho B73 Ref Gen\_v2 (disponível em [www.maizegdb.org](http://www.maizegdb.org)). A menos que especificado de outro modo, nucleotídeos são descritos aqui usando as seguintes abreviaturas padrão: adenina (A), citosina (C), timina (T), guanina (G), uracila (U), adenina ou guanina (R), citosina ou timina/uracila (Y), adenina ou citosina (M), guanina ou timina/uracila (K), guanina ou citosina (S), adenina ou timina/uracila (W), guanina ou citosina ou timina/uracila (B), adenina ou guanina ou timina/uracila (D), adenina ou citosina ou timina/uracila (H), adenina ou guanina ou citosina (V) e adenina ou guanina ou citosina ou timina/uracila (N).

[0058] A menos que especificado de outro modo, aminoácidos são descritos aqui usando as seguintes abreviaturas padrão: alanina (Ala; A), arginina (Arg; R), asparagina (Asn; N), ácido aspártico (Asp; D), cisteína (Cys; C), glutamina (Gln; Q), ácido glutâmico (Glu; E), glicina

(Gly; G), histidina (His; H), isoleucina (Ile; I), leucina (Leu; L), lisina (Lys; K), metionina (Met; M), fenilalanina (Phe; F), prolina (Pro; P), serina (Ser; S), treonina (Thr; T), triptofano (Trp; W), tirosina (Tyr; Y), e valina (Val; V).

[0059] Como usados aqui, os termos "um" ou "uma" ou "o" ou "a" podem se referir a um ou mais do que um. Por exemplo, "um" marcador pode significar um marcador ou uma pluralidade de marcadores.

[0060] Como usado no presente documento, o termo "e/ou" se refere a, e engloba todas e quaisquer combinações possíveis de, um ou mais dos itens listados associados, bem como a falta de combinações quando interpretados na alternativa ("ou").

[0061] Como usado aqui, é pretendido que o termo "cerca de", quando usado relativamente a um valor mensurável como uma quantidade de massa, dose, tempo, temperatura, e similares, abranja variações de 20 %, 10 %, 5 %, 1 %, 0,5 %, ou mesmo 0,1 % da quantidade especificada.

[0062] Como usado aqui, o termo "alelo" se refere a um de dois ou mais nucleotídeos ou sequências de nucleotídeos diferentes (ou à sua ausência) que ocorre em um local específico ou conjunto de locais contíguos. Em algumas modalidades, o termo "alelo" pode ser usado alternadamente com o termo "marcador".

[0063] Como usados aqui, os termos "alelo de interesse", "alelo desejado" e "alelo favorável" são usados alternadamente para referir um alelo que está ligado a um traço desejado. Um "alelo de interesse" pode estar associado a um aumento ou decréscimo de ou em um traço determinado, dependendo da natureza do fenótipo desejado, e pode estar associado a uma alteração da morfologia, cor, etc. Em algumas modalidades da presente invenção, o "alelo de interesse" está associado a fertilidade masculina acrescida e pode portanto ser usado como um marcador para identificar, selecionar e/ou produzir plantas de

milho férteis; para prever se e/ou em que extensão uma planta de milho será fértil; para reduzir os custos associados a programas de melhoramento e/ou produção de sementes; e/ou para aumentar a eficiência de programas de melhoramento e/ou produção de sementes.

[0064] Como usados aqui, os termos "retrocruzar" e "retrocruzamento" se referem ao processo pelo qual uma planta da progenitura é cruzada de modo retrógrado com um de seus progenitores durante uma ou mais gerações (por exemplo, 2 ou mais, 3 ou mais, 4 ou mais, 5 ou mais, 6 ou mais, ou 7 ou mais vezes, *etc.*). Em um esquema de retrocruzamento, o progenitor "doador" se refere à planta paterna com o gene ou local desejado a ser submetido a introgressão. O progenitor "recipiente" (usado uma ou mais vezes) ou progenitor "recorrente" (usado duas ou mais vezes) se refere à planta parental na qual o gene ou locus está a ser submetido a introgressão. Por exemplo, ver Ragot et al. *Marker-assisted Backcrossing: A Practical Example*, em *Techniques et Utilisations des Marqueurs Moleculaires Les Colloques*, Vol. 72, páginas 45-56 (1995); e Openshaw et al., *Marker-assisted Selection in Backcross Breeding*, em *Proceedings of the Symposium "Analysis of Molecular Marker Data"*, páginas 41-43 (1994). O cruzamento inicial dá origem à geração F1. O termo "BC1" se refere à segunda utilização do progenitor recorrente, "BC2" se refere à terceira utilização do progenitor recorrente, e assim por diante. Em modalidades, pelo menos uma ou mais gerações da progenitura são identificadas e/ou selecionadas quanto à presença do gene ou locus desejado (por exemplo, em uma amostra de ácido nucleico da planta ou parte de planta da progenitura). Em modalidades, duas ou mais gerações (ou mesmo todas as gerações) da progenitura são identificadas e/ou selecionadas quanto à presença do gene ou locus desejado.

[0065] Como usado aqui, o termo "locais proximamente ligados" se refere a locais genéticos que exibem uma frequência de recombinação

interlocais de cerca de 10 %, 9 %, 8 %, 7 %, 6 %, 5 %, 4 %, 3 %, 2 %, 1 %, 0,75 %, 0,5 %, 0,25 % ou menos. Uma vez que um cM iguala a distância entre dois locais que exibem uma frequência de recombinação de 1 %, locais proximamente ligados no mesmo cromossomo residirão a cerca de 10, 9, 8, 7, 6, 5, 4, 3, 2, 1, 0,75, 0,5 ou 0,25 cM ou menos uns dos outros. Pode ser dito que tais locais são "próximos" uns dos outros.

[0066] Como usados aqui, os termos "centimorgan" e "cM" se referem a uma unidade de medida de frequência de recombinação. Um cM é igual a 1 % de probabilidade de um marcador em um locus genético estar separado de um marcador em um segundo locus devido a crossover em uma única geração.

[0067] Como usado aqui, o termo "sequência codificante" se refere a uma sequência de ácido nucleico que é transcrita em RNA como mRNA, rRNA, tRNA, snRNA, shRNA, RNA sentido ou RNA antissentido. O RNA pode ser traduzido para produzir um polipeptídeo.

[0068] Como usado aqui, o termo "completamente fértil" se refere a uma planta que é pelo menos tão fértil quanto uma planta de controle (por exemplo, um ou os seus dois progenitores, uma planta quase isogênica que está desprovida de um ou mais marcadores/alelos associados a fertilidade acrescida, uma planta quase isogênica que está desprovida de uma sequência codificante de Vip3, etc.). Em algumas modalidades, plantas "completamente férteis" liberam pelo menos tantos grãos de pólen por pendão por dia no período de três dias imediatamente após a extrusão das anteras quanto a planta de controle. Em algumas modalidades, plantas "completamente férteis" liberam mais grãos de pólen por pendão por dia no período de três dias imediatamente após a extrusão das anteras do que a planta de controle.

[0069] Como usados aqui, os termos "cruzar" ou "cruzado" se referem à fusão de gâmetas via polinização para produzir progenitura

(por exemplo, células, sementes ou plantas). O termo abrange cruzamentos sexuais (a polinização de uma planta por outra) e autofecundação (autopolinização, por exemplo, quando o pólen e óvulo provêm da mesma planta). O termo "cruzamento" se refere ao ato de fundir gâmetas via polinização para produzir progenitura.

[0070] Como usados aqui, os termos "cultivar" e "variedade" se referem a um grupo de plantas similares que podem ser distinguidas de outras variedades dentro da mesma espécie por características estruturais ou genéticas e/ou desempenho.

[0071] Como usado aqui, o termo "cultivado" se refere a uma planta que já não está no estado natural, mas que foi desenvolvida e domesticada por mão humana e para uso agrícola e/ou consumo humano. Plantas "cultivadas", como usado aqui, exclui plantas nativas que compreendem o traço em questão desta invenção como traço natural e/ou como parte da sua genética natural.

[0072] Como usados aqui, os termos "decrécimo", "decesce", "decescendo" e termos similares se referem a uma redução de pelo menos cerca de 5 %, 10 %, 15 %, 20 %, 25 %, 30 %, 35 %, 40 %, 45 %, 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 % ou mais. Em algumas modalidades, a redução resulta em nenhuma ou essencialmente nenhuma atividade (ou seja, uma quantidade insignificante ou indetectável de atividade).

[0073] Como usados aqui, os termos "elite" e "linhagem de elite" se referem a qualquer linhagem que tenha resultado de melhoramento e seleção quanto a um desempenho agrônômico desejável. Uma linhagem de elite pode ser substancialmente homocigótica. Numerosas linhagens de elite estão disponíveis e são conhecidas dos peritos na técnica.

[0074] Como usado aqui, o termo "germoplasma de elite" se refere a qualquer germoplasma que é derivado de ou é capaz de dar origem a

uma planta de elite.

[0075] Como usado aqui, o termo "evento" se refere a um transformante particular. Em um programa típico de melhoramento transgênico, uma construção de transformação responsável por um traço é introduzida no genoma via um método de transformação. Numerosos transformantes (eventos) independentes são habitualmente gerados para cada construção. Estes eventos são avaliados para selecionar aqueles com desempenho superior.

[0076] Como usado aqui, relativamente a ácidos nucleicos, o termo "exógeno" se refere a um ácido nucleico que não está no contexto genético natural da célula/organismo onde reside. Em algumas modalidades, o ácido nucleico exógeno compreende uma ou mais sequências de ácido nucleico que não se encontram no contexto genético natural da célula/organismo. Em algumas modalidades, o ácido nucleico exógeno compreende uma ou mais cópias adicionais de um ácido nucleico que é endógeno à célula/organismo.

[0077] Como usado aqui, o termo "cassete de expressão" se refere a um nucleotídeo capaz de dirigir a expressão de uma sequência de ácido nucleico particular em uma célula hospedeira (por exemplo, uma célula de milho). Em algumas modalidades, o cassete de expressão compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma ou mais sequências promotoras (por exemplo, uma ou mais sequências promotoras constitutivas/induzíveis, uma ou mais sequências promotoras específicas para tecidos e/ou órgãos e/ou uma ou mais sequências promotoras específicas para estágios do desenvolvimento) operavelmente ligadas a um ácido nucleico de interesse, que é operavelmente ligado a uma sequência de terminação. Cassetes de expressão compreendem muitas vezes sequências requeridas para tradução apropriada da sequência de ácido nucleico de interesse na célula hospedeira. O cassete de expressão pode ser quimérico no

sentido de pelo menos um de seus componentes ser heterólogo relativamente a pelo menos um dos seus outros componentes. O cassete de expressão pode ser tal que ocorre naturalmente mas que foi obtido em uma forma recombinante útil para expressão heteróloga. Tipicamente, no entanto, o cassete de expressão é heterólogo relativamente ao hospedeiro (isto é, a sequência de ácido nucleico particular do cassete de expressão não ocorre naturalmente na célula hospedeira e deve ser introduzida na célula hospedeira ou em um antepassado da célula hospedeira por um evento de transformação).

[0078] Como usado aqui relativamente a ácidos nucleicos, o termo “fragmento” se refere a um ácido nucleico de comprimento reduzido relativamente a um ácido nucleico de referência e que compreende, consiste essencialmente de e/ou consiste de uma sequência de nucleotídeos de nucleotídeos contíguos idênticos ou quase idênticos (por exemplo, 90 %, 91 %, 92 %, 93 %, 94 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 % idênticos) a uma porção correspondente do ácido nucleico de referência. Um tal fragmento de ácido nucleico pode estar, onde apropriado, incluído em um polinucleotídeo maior do qual é um constituinte. Em algumas modalidades, o fragmento de ácido nucleico compreende, consiste essencialmente em e/ou consiste em menos de cerca de 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25, 30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95, 100, 125, 150, 175, 200, 225, 250, 300, 350, 400, 450 ou 500 ou mais nucleotídeos consecutivos. Em algumas modalidades, o fragmento de ácido nucleico compreende, consiste essencialmente em e/ou consiste em menos de cerca de 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25, 30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95, 100, 125, 150, 175, 200, 225, 250, 300, 350, 400, 450 ou 500 nucleotídeos consecutivos.

[0079] Como usado aqui relativamente a polipeptídeos, o termo “fragmento” se refere a um polipeptídeo de comprimento reduzido



relativamente a um polipeptídeo de referência e que compreende, consiste essencialmente de e/ou consiste de uma sequência de aminoácidos de aminoácidos contíguos idênticos ou quase idênticos (por exemplo, 90 %, 91 %, 92 %, 93 %, 94 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 % idênticos) a uma porção correspondente do polipeptídeo de referência. Um tal fragmento de polipeptídeo pode estar, onde apropriado, incluído em um polipeptídeo maior do qual é um constituinte. Em algumas modalidades, o fragmento de polipeptídeo compreende, consiste essencialmente em e/ou consiste em pelo menos cerca de 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25, 30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95, 100, 125, 150, 175, 200, 225, 250, 300, 350, 400, 450 ou 500 ou mais aminoácidos consecutivos. Em algumas modalidades, o fragmento de polipeptídeo compreende, consiste essencialmente em e/ou consiste em menos de cerca de 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25, 30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95, 100, 125, 150, 175, 200, 225, 250, 300, 350, 400, 450 ou 500 aminoácidos consecutivos.

[0080] Como aqui usado em relação a ácidos nucleicos, o termo "fragmento funcional" se refere a ácido nucleico que codifica um fragmento funcional de um polipeptídeo.

[0081] Como usado aqui relativamente a polipeptídeos, o termo "fragmento funcional" se refere a um fragmento de polipeptídeo que retém pelo menos cerca de 20 %, 25 %, 30 %, 35 %, 40 %, 45 %, 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 % ou mais de pelo menos uma atividade biológica do polipeptídeo completo (por exemplo, a capacidade de converter all-trans- $\beta$ -caroteno em 9-cis- $\beta$ -caroteno). Em algumas modalidades, o fragmento funcional tem na verdade um nível mais elevado de pelo menos uma atividade biológica do polipeptídeo completo.

[0082] Como usados aqui, os termos "fértil" e "funcionalmente fértil"

são usados alternadamente e se referem a uma planta que é suficientemente fértil para uso em um programa de melhoramento e/ou produção de sementes. Em algumas modalidades, plantas "funcionalmente férteis" são plantas que liberam pelo menos cerca de 100 000; 150 000; 200 000; 250 000, 300 000, 350 000, 400 000 ou 450 000 grãos de pólen por pendão por dia no período de três dias imediatamente após a extrusão das anteras.

[0083] Como usado aqui, o termo "produto genético" se refere a um material resultante da expressão de um ácido nucleico. Em algumas modalidades, o produto genético é uma molécula de RNA (por exemplo, uma molécula de mRNA ou uma molécula de RNA antissentido). Em algumas modalidades, o produto genético é um polipeptídeo.

[0084] Como usado aqui, o termo "mapa genético" se refere a uma descrição de relações de ligação genética entre locais em um ou mais cromossomos dentro de uma espécie determinada, geralmente representado em uma forma de diagrama ou tabela. Para cada mapa genético, as distâncias entre locais são medidas pelas frequências de recombinação entre as mesmas. Recombinações entre locais podem ser detectadas usando uma variedade de marcadores. Um mapa genético é um produto da população de mapeamento, tipos de marcadores usados, e o potencial polimórfico de cada marcador entre diferentes populações. A ordem e distâncias genéticas entre locais podem diferir de um mapa genético para outro.

[0085] Como usado aqui, o termo "marcador genético" se refere a um ou mais nucleotídeos associados a um fenótipo, traço ou forma de traço de interesse. Em algumas modalidades, um marcador pode estar associado a um alelo ou alelos de interesse e pode ser indicador da presença ou ausência do alelo ou alelos de interesse em uma célula ou organismo. Em algumas modalidades, o marcador pode compreender, consistir essencialmente de, ou consistir de um alelo ou alelos de

interesse. Um marcador pode ser, mas não está limitado a, um alelo, um haplótipo, um polimorfismo de comprimento de fragmentos de restrição (RFLP), uma sequência simples repetida (SSR), DNA polimórfico amplificado ao acaso (RAPD), sequências polimórficas amplificadas clivadas (CAPS) (Rafalski e Tingey, Trends in Genetics 9:275 (1993)), um polimorfismo de comprimento de fragmentos amplificados (AFLP) (Vos et al., Nucleic Acids Res. 23:4407 (1995)), um polimorfismo de nucleotídeo único (SNP) (Brookes, Gene 234:177 (1993)), uma região amplificada de sequência caracterizada (SCAR) (Paran e Michelmore, Theor. Appl. Genet. 85:985 (1993)), um sítio marcador de sequência (STS) (Onozaki et al., Euphytica 138:255 (2004)), um polimorfismo de conformação de fita simples (SSCP) (Orita et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA 86:2766 (1989)), uma sequência inter-simples repetida (ISSR) (Blair et al., Theor. Appl. Genet. 98:780 (1999)), um polimorfismo amplificado de inter-retrotransposon (IRAP), um polimorfismo amplificado de retrotransposon-microsatélite (REMAP) (Kalendar et al., Theor. Appl. Genet. 98:704 (1999)) ou um produto de clivagem de RNA (tal como uma cauda Lynx). Um marcador pode estar presente em ácidos nucleicos genômicos ou expressos (por exemplo, ESTs). Alguns dos marcadores descritos aqui também são referidos como marcadores de hibridização quando estão localizados em uma região indel. Tal deve-se ao fato de a região de inserção ser, por definição, um polimorfismo no que se refere a uma planta sem a inserção. Assim, só é necessário que o marcador indique se a região indel está presente ou ausente. Qualquer tecnologia de detecção de marcadores adequada pode ser usada para identificar tal marcador de hibridização, por exemplo, tecnologia SNP é usada nos exemplos proporcionados aqui. É conhecido na área um grande número de marcadores genéticos de milho, e estão publicados ou são disponibilizados por várias fontes, como o recurso da internet Maize

GDB e o recurso da internet do Arizona Genomics Institute gerido pela Universidade do Arizona.

[0086] Como será entendido pelos peritos na técnica, "marcadores genéticos" podem compreender marcadores "dominantes" e/ou "codominantes". "Marcadores codominantes" revelam a presença de dois ou mais alelos (dois por indivíduo diploide). "Marcadores dominantes" revelam a presença de apenas um único alelo. A presença do fenótipo do marcador dominante (por exemplo, uma banda de DNA) é uma indicação de que um alelo está presente na condição homozigótica ou heterozigótica. No caso de populações em que indivíduos são predominantemente homozigóticos e locais são predominantemente dimórficos, marcadores dominantes e codominantes podem ser igualmente valiosos. À medida que as populações se tornam mais heterozigóticas e multialélicas, muitas vezes marcadores codominantes tornam-se mais informativos do genótipo do que marcadores dominantes.

[0087] Como usado aqui, o termo "genótipo" se refere à constituição genética de um indivíduo (ou grupo de indivíduos) em um ou mais locais genéticos, em contraste com o traço observável e/ou detectável e/ou manifestado (o fenótipo). O genótipo é definido pelo(s) alelo(s) de um ou mais locais conhecidos que o indivíduo herdou de seus progenitores. O termo genótipo pode ser usado para referir a constituição genética de um indivíduo em um único locus, em múltiplos locais, ou mais geralmente, o termo genótipo pode ser usado para referir a constituição genética de um indivíduo para todos os genes no seu genoma. Genótipos podem ser indiretamente caracterizados, por exemplo, usando marcadores e/ou diretamente caracterizados por sequenciamento de ácidos nucleicos.

[0088] Como usado aqui, o termo "germoplasma" se refere a material genético de uma planta individual, um grupo de plantas (por

exemplo, uma linhagem, variedade ou família de plantas), ou um clone derivado de uma linhagem, variedade, espécie ou cultura de plantas. O material genético pode ser parte de uma célula, tecido ou organismo, ou pode ser isolado de uma célula, tecido ou organismo.

[0089] Como usado aqui, o termo "haplótipo" se refere a uma combinação de alelos (dois ou mais) em uma pluralidade de locais genéticos. Tipicamente, os locais genéticos que definem um haplótipo estão física e geneticamente ligados (isto é, os alelos que constituem um haplótipo estão geralmente localizados no mesmo segmento cromossômico). Assim, em algumas modalidades, o termo "haplótipo" se refere a uma pluralidade de alelos dentro de um único segmento cromossômico ou a uma pluralidade de alelos dentro de dois ou mais segmentos cromossômicos residindo no mesmo cromossomo.

[0090] Como usados aqui, os termos "haplótipo de interesse" e "haplótipo desejado" são usados alternadamente para referir um haplótipo que está ligado a um traço desejado. Um "haplótipo de interesse" pode estar associado a um aumento ou decréscimo de ou em um determinado traço, dependendo da natureza do traço, e pode estar associado a uma alteração da morfologia, cor, etc. Em algumas modalidades da presente invenção, o "haplótipo de interesse" está associado a fertilidade masculina acrescida e portanto pode ser usado como um marcador para identificar, selecionar e/ou produzir plantas de milho férteis; para prever se e/ou em que extensão uma planta de milho será fértil; para reduzir os custos associados a programas de melhoramento e/ou produção de sementes; e/ou para aumentar a eficiência de programas de melhoramento e/ou produção de sementes.

[0091] Como usado aqui, o termo "hemizigótico" se refere a um estado genético em uma célula diploide em que há apenas uma cópia de um gene em vez das duas cópias típicas (isto é, o gene não tem correspondente em um cromossomo homólogo). Por exemplo, em

mamíferos, os genes no cromossomo X são hemizigóticos em machos. Como outra ilustração, um transgene heterólogo pode estar presente em um estado hemizigótico.

[0092] Como usado aqui, o termo "heterólogo" se refere a um nucleotídeo/polipeptídeo originário de uma espécie estranha ou, se provier da mesma espécie, que está substancialmente modificado relativamente à sua forma nativa quanto à composição e/ou locus genômico por intervenção humana deliberada.

[0093] Como usado aqui, o termo "grupo heterótico" se refere a um conjunto de genótipos que exibem resposta heterótica similar quando cruzados com grupos de genótipos geneticamente distintos (isto é, quando cruzados com genótipos de um grupo heterótico diferente). Hallauer et al., Corn breeding, em Corn and Corn Improvement páginas 463-564 (1998). Linhagens endogâmicas são classificadas em grupos heteróticos, e são adicionalmente subdivididas em famílias dentro de um grupo heterótico, com base em vários critérios tais como pedigree, associações baseadas em marcadores moleculares, e desempenho em combinações híbridas. Smith et al., *Theor. Appl. Gen.* 80:833 (1990). O grupo heterótico "Stiff Stalk" representa um grupo heterótico importante nas regiões de cultura de milho do norte dos E.U.A. e Canadá; é por vezes referido como o grupo heterótico "Iowa Stiff Stalk Synthetic" ou "BSSS". O grupo heterótico "não Stiff Stalk" representa um grupo heterótico importante nas regiões de cultura de milho do norte dos E.U.A. e Canadá; é por vezes referido como o grupo heterótico "Lancaster" ou "Lancaster Sure Crop".

[0094] Como usado aqui, o termo "heterozigótico" se refere a um estado genético em que alelos diferentes residem em locais correspondentes em cromossomos homólogos.

[0095] Como usado aqui, o termo "homozigótico" se refere a um estado genético em que alelos idênticos residem em locais

correspondentes em cromossomos homólogos.

[0096] Como usado aqui, o termo "híbrido" se refere a uma planta ou parte de planta produzida quando pelo menos dois progenitores geneticamente diferentes são cruzados. Sem limitação, exemplos de esquemas de cruzamentos incluem cruzamentos simples, cruzamentos simples modificados, cruzamentos simples duplamente modificados, cruzamentos de três vias, cruzamentos de três vias modificados, e cruzamentos duplos, em que pelo menos um progenitor em um cruzamento modificado é a progenitura de um cruzamento entre linhagens irmãs.

[0097] Como usado aqui, o termo "endogâmico" se refere a uma planta ou variedade substancialmente homozigótica. O termo pode referir-se a uma planta ou variedade que é substancialmente homozigótica ao longo de todo o genoma ou que é substancialmente homozigótica relativamente a uma porção do genoma que tem interesse particular. Sem limitação, exemplos de métodos de melhoramento para derivar endogâmicas incluem melhoramento de pedigree, seleção recorrente, descendência de uma única semente, retrocruzamento, e haploides duplicados.

[0098] Como usados aqui, os termos "aumentam", "aumenta", "aumentando" e termos similares se referem a um aumento de pelo menos cerca de 5 %, 10 %, 15 %, 20 %, 25 %, 30 %, 35 %, 40 %, 45 %, 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 100 %, 125 %, 150 %, 175 %, 200 %, 300 % ou mais.

[0099] Como usado aqui, o termo "fertilidade acrescida" se refere a uma melhoria em um ou mais traços de fertilidade em comparação com um ou mais controles (por exemplo, uma planta/germoplasma nativo da mesma espécie, um ou ambos os progenitores, uma planta quase isogênica que está desprovida de um ou mais marcadores/alelos associados a fertilidade acrescida, uma planta quase isogênica que está

desprovida de uma sequência codificante de *Vip3*, etc.). Traços de fertilidade exemplificativos incluem, mas não estão limitados a, contagem de pólen, morfologia do pólen, produção de pólen por antera, contagem de anteras, morfologia das anteras, anteras por pendão, contagem de pendões, morfologia dos pendões, pendões por planta, contagem de cabelos, morfologia dos cabelos, produção de cabelos por planta, contagem de grãos, morfologia dos grãos, produção de grãos por espiga, prevalência de aborto de grãos, produção de grãos por planta e viabilidade dos grãos. Assim, uma planta que exhibe produção de pólen aumentada, produção de pólen aumentada por antera, morfologia do pólen melhorada, produção de anteras aumentada, produção de anteras aumentada por pendão, morfologia das anteras melhorada, produção de pendões aumentada, morfologia dos pendões melhorada, produção de cabelos aumentada, morfologia dos cabelos melhorada, produção de cabelos aumentada por planta, contagem de grãos aumentada, morfologia dos grãos melhorada, produção de grãos aumentada por espiga, prevalência decrescida de aborto de grãos, produção de grãos aumentada por planta, viabilidade dos grãos aumentada, fertilidade acrescida sob condições de estresse (por exemplo, condições de seca), fertilidade acrescida sob temperaturas diurnas elevadas e/ou fertilidade acrescida sob temperaturas noturnas elevadas em comparação com uma planta de controle (por exemplo, uma planta/germoplasma nativo da mesma espécie, um ou ambos os progenitores, uma planta quase isogênica que está desprovida de um ou mais marcadores/alelos associados a fertilidade acrescida, uma planta quase isogênica que está desprovida de uma sequência codificante de *Vip3*, etc.) exhibe fertilidade acrescida. Quando usado relativamente a uma parte de planta (por exemplo, um germoplasma), o termo "fertilidade acrescida" se refere a uma melhoria em um ou mais traços de fertilidade em uma planta proveniente dessa parte de planta.



[00100] Como usado aqui, o termo "fertilidade feminina aumentada" se refere a uma melhoria em um ou mais traços de fertilidade feminina em comparação com um ou mais controles (por exemplo, uma planta/germoplasma nativo da mesma espécie, um ou ambos os progenitores, uma planta quase isogênica que está desprovida de um ou mais marcadores/alelos associados a fertilidade acrescida, uma planta quase isogênica que está desprovida de uma sequência codificante de *Vip3*, etc.). Traços de fertilidade feminina exemplificativos incluem, mas não estão limitados a, contagem de cabelos, morfologia dos cabelos, produção de cabelos por planta, contagem de grãos, morfologia dos grãos, produção de grãos por espiga, prevalência de aborto de grãos, produção de grãos por planta e viabilidade dos grãos. Assim, uma planta que exibe produção de cabelos aumentada, morfologia dos cabelos melhorada, produção de cabelos aumentada por planta, contagem de grãos aumentada, morfologia dos grãos melhorada, produção de grãos aumentada por espiga, prevalência decrescida de aborto de grãos, produção de grãos aumentada por planta, viabilidade dos grãos aumentada, fertilidade feminina acrescida sob condições de estresse (por exemplo, condições de seca), fertilidade feminina acrescida sob temperaturas diurnas elevadas e/ou fertilidade feminina acrescida sob temperaturas noturnas elevadas em comparação com uma planta de controle (por exemplo, uma planta/germoplasma nativo da mesma espécie, um ou ambos os progenitores, uma planta quase isogênica que está desprovida de um ou mais marcadores/alelos associados a fertilidade acrescida, uma planta quase isogênica que está desprovida de uma sequência codificante de *Vip3*, etc.) exibe fertilidade feminina acrescida. Quando usado relativamente a uma parte de planta (por exemplo, um germoplasma), o termo "fertilidade feminina acrescida" se refere a uma melhoria em um ou mais traços de fertilidade feminina em uma planta

proveniente dessa parte de planta.

[00101] Como usado aqui, o termo "fertilidade masculina acrescida" se refere a uma melhoria em um ou mais traços de fertilidade masculina em comparação com um ou mais controles (por exemplo, uma planta/germoplasma nativo da mesma espécie; um ou ambos os progenitores, uma planta quase isogênica que está desprovida de um ou mais marcadores/alelos associados a fertilidade acrescida, uma planta quase isogênica que está desprovida de uma sequência codificante de *Vip3*, etc.). Traços de fertilidade masculina exemplificativos incluem, mas não estão limitados a, contagem de pólen, morfologia do pólen, produção de pólen por antera, contagem de anteras, morfologia das anteras, anteras por pendão, contagem de pendões, morfologia dos pendões e pendões por planta. Assim, uma planta que exibe produção de pólen aumentada, produção de pólen aumentada por antera, morfologia do pólen melhorada, produção de anteras aumentada, produção de anteras aumentada por pendão, morfologia das anteras melhorada, produção de pendões aumentada, morfologia dos pendões melhorada, fertilidade masculina acrescida sob condições de estresse (por exemplo, condições de seca), fertilidade masculina acrescida sob temperaturas diurnas elevadas e/ou fertilidade masculina acrescida sob temperaturas noturnas elevadas em comparação com uma planta de controle (por exemplo, uma planta/germoplasma nativo da mesma espécie, um ou ambos os progenitores, uma planta quase isogênica que está desprovida de um ou mais marcadores/alelos associados a fertilidade acrescida, uma planta quase isogênica que está desprovida de uma sequência codificante de *Vip3*, etc.) exibe fertilidade masculina acrescida. Quando usado relativamente a uma parte de planta (por exemplo, um germoplasma), o termo "fertilidade masculina acrescida" se refere a uma melhoria em um ou mais traços de fertilidade masculina em uma

planta proveniente dessa parte de planta.

[00102] Como usado aqui, o termo "indel" se refere a uma inserção ou deleção em um par de sequências de nucleotídeos, em que uma primeira sequência pode ser referida como tendo uma inserção relativamente a uma segunda sequência ou a segunda sequência pode ser referida como tendo uma deleção relativamente à primeira sequência.

[00103] Como usado aqui, o termo "infértil" se refere a uma planta que é insuficientemente fértil para uso em um programa de melhoramento. Em algumas modalidades, plantas "inférteis" são plantas que liberam menos de 25 000; 50 000; 75 000 ou 100 000 grãos de pólen por pendão por dia no período de três dias imediatamente após a extrusão das anteras. Plantas "inférteis" podem produzir e/ou liberar grãos de pólen viáveis. De fato, em algumas modalidades, plantas "inférteis" produzem e liberam grãos de pólen viáveis, mas fazem-no a uma taxa que é insuficiente para uso efetivo em um programa de melhoramento e/ou produção de sementes.

[00104] Como usado aqui, o termo "fragmento informativo" se refere a uma sequência de nucleotídeos compreendendo um fragmento de uma sequência de nucleotídeos maior, em que o fragmento permite a identificação de um ou mais alelos dentro da sequência de nucleotídeos maior. Por exemplo, um fragmento informativo da sequência de nucleotídeos da SEQ ID NO: 1 compreende um fragmento da sequência de nucleotídeos da SEQ ID NO: 1 e permite a identificação de um ou mais alelos de interesse localizados dentro da porção da sequência de nucleotídeos correspondente a esse fragmento da SEQ ID NO: 1.

[00105] Como usados aqui, os termos "introgressão", "efetuando a introgressão de" e "submetido a introgressão" se referem à transmissão natural e artificial de a alelo desejado ou combinação de alelos desejada de um locus genético ou locais genéticos de um contexto genético para

outro. Por exemplo, um alelo desejado em um locus especificado pode ser transmitido a pelo menos uma progenitura via um cruzamento sexuado entre dois progenitores da mesma espécie, em que pelo menos um dos progenitores tem o alelo desejado no seu genoma. Alternativamente, por exemplo, a transmissão de um alelo pode ocorrer por recombinação entre dois genomas doadores, por exemplo, em um protoplasto fundido, em que pelo menos um dos protoplastos doadores tem o alelo desejado no seu genoma. O alelo desejado pode ser um alelo selecionado de um marcador, um QTL, um transgene, ou similares. Descendência compreendendo o alelo desejado pode ser repetidamente retrocruzada com uma linhagem tendo um contexto genético desejado e selecionada quanto ao alelo desejado, com o resultado de o alelo desejado ficar fixado no contexto genético desejado. Por exemplo, um marcador associado a fertilidade acrescida pode ser submetido a introgressão a partir de um doador em um progenitor recorrente que não é funcionalmente fértil. A descendência resultante pode então ser repetidamente retrocruzada e selecionada até a progenitura possuir o alelo de fertilidade intensificada no contexto do progenitor recorrente.

[00106] Como usado aqui relativamente a nucleotídeos e polipeptídeos, o termo "isolado" se refere a um nucleotídeo ou polipeptídeo que está substancialmente desprovido de material celular, material viral, meio de cultura (quando produzido por técnicas de DNA recombinante), ou precursores químicos ou outros químicos (quando sintetizado quimicamente). Um "fragmento isolado" é um fragmento de um nucleotídeo ou polipeptídeo que não ocorre naturalmente como um fragmento e que não seria encontrado no estado natural. "Isolado" não significa que a preparação seja tecnicamente pura (homogênea), mas sim que é suficientemente pura para proporcionar o nucleotídeo ou polipeptídeo em uma forma na qual pode ser usado para o propósito

pretendido. Em certas modalidades, a composição compreendendo o nucleotídeo ou polipeptídeo é pelo menos cerca de 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, ou 99 % ou mais pura.

[00107] Como usado aqui relativamente a células, o termo "isolado" se refere a uma célula que está separada de outros componentes aos quais está normalmente associada em seu estado natural. Por exemplo, uma célula de planta isolada pode ser uma célula de planta em meio de cultura e/ou uma célula de planta em um transportador aceitável. "Isolado" não significa que a preparação seja tecnicamente pura (homogênea), mas sim que é suficientemente pura para proporcionar a célula em uma forma na qual pode ser usada para o propósito pretendido. Em certas modalidades, a composição compreendendo a célula é pelo menos cerca de 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, ou 99 % ou mais pura.

[00108] Como usado aqui, o termo "ligação" se refere ao grau em que um marcador está associado a um determinado alelo e/ou traço fenotípico (por exemplo, fertilidade masculina acrescida). Quanto mais próximo um marcador estiver ligado a um alelo/fenótipo, tanto melhor esse marcador se torna em um indicador. O grau de ligação entre um marcador e um traço fenotípico pode ser medido e expresso como a probabilidade estatística de cossegregação do marcador e traço fenotípico. A relação de ligação entre um marcador e um alelo/fenótipo pode ser apresentada como uma "probabilidade" ou "probabilidade ajustada". A ligação pode ser expressa como um limite ou intervalo desejado. Por exemplo, em algumas modalidades, dois marcadores genéticos são considerados ligados se estiverem separados por menos de cerca de 50, 40, 30, 25, 20, 15, 10, 5, 4, 3, 2, ou 1 cM. Em modalidades representativas, dois marcadores genéticos estão ligados se estiverem separados por 10 cM ou menos.

[00109] Como usado aqui, o termo "desequilíbrio de ligação" se refere a uma segregação não aleatória de locais genéticos ou traços (ou ambos). Desequilíbrio de ligação implica que os locais relevantes estão dentro de uma proximidade física suficiente ao longo de um comprimento de um cromossomo de modo que são segregados em conjunto com uma frequência maior do que a aleatória (isto é, não aleatória). Marcadores/alelos que exibem desequilíbrio de ligação são considerados ligados. Marcadores/alelos ligados são cossegregados mais de 50 % do tempo. Por outras palavras, marcadores/alelos que são cossegregados têm uma frequência de recombinação menor do que 50 %. O desequilíbrio de ligação é muito habitualmente avaliado usando a medida  $r^2$ , que é calculada usando a fórmula descrita por Hill e Robertson, *Theor. Appl. Genet.* 38:226 (1968). Quando  $r^2=1$ , existe desequilíbrio de ligação completo entre os marcadores/alelos, significando que os marcadores não foram separados por recombinação e têm a mesma frequência alélica. Valores de  $r^2$  superiores a 1/3 geralmente indicam desequilíbrio de ligação suficientemente forte para serem úteis para mapeamento. Ardlie et al., *Nature Reviews Genetics* 3:299 (2002). Assim, em algumas modalidades, é afirmado que marcadores/alelos estão em desequilíbrio de ligação quando valores de  $r^2$  entre locais de marcadores em pares são maiores do que ou iguais a cerca de 0,33, 0,4, 0,5, 0,6, 0,7, 0,8, 0,9, ou 1,0.

[00110] Como usado aqui, o termo "equilíbrio de ligação" descreve uma situação em que marcadores/alelos são independentemente segregados (isto é, separados aleatoriamente entre a progenitura). Marcadores que exibem equilíbrio de ligação são considerados não ligados (quer se encontrem ou não no mesmo cromossomo).

[00111] Como usado aqui, o termo "grupo de ligação" se refere a um grupo de genes associados entre si por relações de ligação.

[00112] Como usado aqui, o termo "lócus" se refere a uma posição

em um cromossomo. Locais podem abranger um ou mais nucleotídeos.

[00113] Como usados aqui, os termos "logaritmo de probabilidades" e "pontuação LOD" se referem à probabilidade de dois locais genéticos estarem ligados. Pontuações LOD são muito habitualmente avaliadas usando a medida Z, que é igual ao logaritmo da proporção entre a probabilidade de os locais genéticos estarem ligados e 0,5 vezes a probabilidade de os dois locais genéticos estarem independentemente separados. Pontuações LOD positivas são indicadoras de ligação, ao passo que pontuações LOD negativas são indicadoras de triagem independente. Pontuações LOD de 2,5 e mais elevadas geralmente indicam ligação suficientemente forte para ser útil para mapeamento. Assim, em algumas modalidades, é afirmado que marcadores/alelos estão ligados quando a pontuação LOD é maior do que ou igual a cerca de 2, 2,5, 3, 3,5, 4, 4,5, 5, 5,5, 6, 6,5, 7, 7,5, 8, 8,5, 9, 9,5, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17, 18, 19, 20 ou mais.

[00114] Como usado aqui, o termo "milho" se refere a *Zea mays* L. subsp. *mays*. Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho provém do grupo *Zea mays* L. subsp. *mays* *Identata*, por vezes referido como milho-dente. Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho provém do grupo *Zea mays* L. subsp. *mays* *Indurata*, por vezes referido como milho duro. Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho provém do grupo *Zea mays* L. subsp. *mays* *Saccharata*, por vezes referido como milho doce. Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho provém do grupo *Zea mays* L. subsp. *mays* *Amylacea*, por vezes referido como milho mole. Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho provém do grupo *Zea mays* L. subsp. *mays* *Everta*, por vezes referido como milho-cedovém. Plantas de milho que podem ser identificadas, selecionadas e/ou produzidas com métodos e composições da presente invenção incluem híbridos, endogâmicas, endogâmicas parciais,

membros de populações definidas e membros de populações indefinidas.

[00115] Como usados aqui, os termos "fértil macho" e "fertilidade masculina" se referem à capacidade de uma planta para produzir e liberar grãos de pólen viáveis, funcionais.

[00116] Como usados aqui, os termos "androestéril" e "esterilidade masculina" se referem à incapacidade de uma planta para produzir e/ou liberar grãos de pólen viáveis, funcionais. A esterilidade masculina ocorre geralmente devido a falha na formação ou desenvolvimento de estames, micrósporos ou gâmetas funcionais. Tipicamente há três tipos de esterilidade masculina: 1) "esterilidade do pólen" em que indivíduos androestéreis diferem do normal somente na ausência ou escassez extrema de grãos de pólen funcionais; 2) "esterilidade masculina estrutural ou estaminal" em que flores machos ou estames são malformados e não funcionais ou estão completamente ausentes; e 3) "esterilidade masculina funcional" em que pólen perfeitamente bom e viável está encerrado em anteras indeiscentes e assim não pode funcionar.

[00117] Como usado aqui, o termo "marcador" se refere a uma característica detectável que pode ser usada para distinguir entre organismos. Exemplos de tais características podem incluir composição genética (por exemplo, marcador genético), níveis de expressão genética, composição de proteínas, níveis de proteínas, composição de óleos, níveis de óleos, composição de carboidratos, níveis de carboidratos, composição de ácidos graxos, níveis de ácidos graxos, composição de aminoácidos, níveis de aminoácidos, biopolímeros, farmacêuticos, composição de amidos, níveis de amidos, amidos fermentáveis, rendimento da fermentação, eficiência da fermentação, rendimento energético, compostos secundários, metabólitos, características morfológicas, e características agronômicas.



[00118] Um marcador está "associado a" um traço quando está ligado ao mesmo e quando a presença do marcador é um indicador de se e/ou em que extensão o traço ou forma de traço desejado irá ocorrer em uma planta/parte de planta compreendendo o marcador. De modo similar, um marcador está "associado a" um alelo quando está ligado ao mesmo e quando a presença do marcador é um indicador de se o alelo está presente em uma planta/parte de planta compreendendo o marcador. Por exemplo, "um marcador associado a fertilidade masculina acrescida" se refere a um marcador cuja presença ou ausência pode ser usada para prever se e/ou em que extensão uma planta/parte de planta exibirá fertilidade masculina acrescida.

[00119] Marcadores correspondentes a polimorfismos genéticos entre membros de uma população podem ser detectados por métodos bem estabelecidos na área. Estes incluem, por exemplo, sequenciamento de ácidos nucleicos, métodos de hibridização, métodos de amplificação (por exemplo, métodos de amplificação específicos para sequências à base de PCR), detecção de polimorfismos de comprimento de fragmentos de restrição (RFLP), detecção de marcadores de isozimas, detecção de polimorfismos polinucleotídicos por hibridização específica para alelos (ASH), detecção de sequências variáveis amplificadas do genoma da planta, detecção de replicação de sequências autossustentada, detecção de sequências simples repetidas (SSRs), detecção de polimorfismos de nucleotídeo único (SNPs), e/ou detecção de polimorfismos de comprimento de fragmentos amplificados (AFLPs). Também são conhecidos métodos bem estabelecidos para a detecção de caudas de sequências expressas (ESTs) e marcadores SSR derivados de sequências EST e DNA polimórfico amplificado ao acaso (RAPD).

[00120] Como usados aqui, os termos "alelo marcador" e "alelo de um locus marcador" se referem a um de uma pluralidade de

nucleotídeos ou sequências de nucleotídeos polimórficos presentes em um locus marcador em uma população que é polimórfica para o locus marcador.

[00121] Como usado aqui, o termo "locus marcador" se refere a uma localização cromossômica específica no genoma de um organismo onde pode estar presente um marcador específico. Um locus marcador pode ser usado para seguir a presença de um segundo locus ligado, por exemplo, um locus ligado que codifica ou contribui para a expressão de um traço fenotípico. Por exemplo, um locus marcador pode ser usado para monitorar a segregação de alelos em um locus, como um QTL ou gene único, que estão genética ou fisicamente ligados ao locus marcador.

[00122] Como usados aqui, os termos "sonda marcadora" e "sonda" se referem a uma molécula que pode ser usada para detectar a presença de um ou mais alelos, haplótipos e/ou moléculas de interesse particulares. Em algumas modalidades, uma "sonda marcadora" é uma sequência de ácido nucleico que é complementar à totalidade ou a uma porção de um alelo de interesse. Sondas marcadoras (como descritas na Tabela 9) compreendendo 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17, 18, 19, 20, 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 31, 32, 33, 34, 35, 36, 37, 38, 39, 40, 41, 42, 43, 44, 45, 46, 47, 48, 49, 50 ou mais nucleotídeos contíguos podem ser usadas para hibridização de ácidos nucleicos. Em algumas modalidades, a sonda marcadora compreende pelo menos cerca de 7, 10, 15, 20, 25, 30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95, 100, 125, 150, 175, 200 ou mais nucleotídeos contíguos. Em algumas modalidades, a sonda marcadora pode ser usada para distinguir (isto é, genotipar) o alelo particular que está presente em um locus marcador.

[00123] Como usados aqui, os termos "seleção assistida por marcadores" e "MAS" se referem a um processo pelo qual fenótipos são

indiretamente selecionados com base em genótipos marcadores. MAS pode ser opcionalmente suplementada por fenotipagem direta do traço de interesse. Por exemplo, quando MAS é usada para melhoramento, a fenotipagem pode ser efetuada em um ou mais pontos do processo para confirmar que os indivíduos ou sua progenitura expressam o fenótipo de interesse.

[00124] Como usado aqui, o termo "contrasseleção assistida por marcadores" se refere a um processo pelo qual genótipos marcadores são usados para identificar plantas que não serão selecionadas, permitindo a sua remoção de um programa de melhoramento ou plantação.

[00125] Como usados aqui, os termos "planta MIR162" e "parte de planta MIR162" se referem a plantas/partes de plantas de milho que compreendem o evento MIR162 como descrito na Patente U.S. No. 8,232,456. A planta MIR162 ou parte de planta MIR162 pode ser hemizigótica ou homozigótica para o evento MIR162.

[00126] Como usado aqui, o termo "marcador molecular" pode ser usado para referir um marcador genético, como definido acima, ou um seu produto codificado (por exemplo, uma proteína) usado como ponto de referência na identificação de um locus ligado. Um marcador molecular pode ser derivado de sequências genômicas de nucleotídeos ou de sequências de nucleotídeos expressas (por exemplo, de um RNA encadeado, um cDNA, etc.). O termo também se refere a sequências de nucleotídeos complementares a ou flanqueando as sequências marcadoras, como sequências de nucleotídeos usadas como sondas (como descritas na Tabela 9) e/ou iniciadores capazes de amplificar a sequência marcadora. Sequências de nucleotídeos são "complementares" quando hibridizam especificamente em solução, por exemplo, de acordo com regras de emparelhamento de bases de Watson-Crick.

[00127] Como usados aqui, os termos "molécula de interesse" e "molécula desejada" são usados alternadamente para referir um haplótipo que é ligado a um traço desejado. Uma "molécula de interesse" pode estar associada a um aumento ou decréscimo de ou em um determinado traço, dependendo da natureza do fenótipo desejado, e pode estar associada a uma alteração da morfologia, cor, etc. Em algumas modalidades da presente invenção, a "molécula de interesse" está associada a fertilidade masculina acrescida e portanto pode ser usada como um marcador para identificar, selecionar e/ou produzir plantas de milho férteis; para prever se e/ou em que extensão uma planta de milho será fértil; para reduzir os custos associados a programas de melhoramento e/ou produção de sementes; e/ou para aumentar a eficiência de programas de melhoramento e/ou produção de sementes.

[00128] Como usado aqui relativamente a nucleotídeos, o termo "nativo" se refere a uma sequência de ácido nucleico que está naturalmente presente no genoma de uma célula ou planta.

[00129] Como usado aqui relativamente a polipeptídeos, o termo "nativo" se refere a uma sequência de aminoácidos que está naturalmente presente no proteoma de uma célula ou planta.

[00130] Como usados aqui, os termos "linhagem quase isogênica" (NIL) e "planta quase isogênica" se referem a linhagens/plantas de milho que são geneticamente idênticas excetuando um ou alguns locais genéticos. Tais linhagens/plantas podem ser criadas por cruzamento de uma linhagem doadora, contendo um gene ou traço de interesse, com um progenitor recorrente para produzir uma F1 heterozigótica, e então retrocruzamento repetido da descendência com o progenitor recorrente (BC1, BC2, etc), retendo o gene ou traço doador em cada geração sucessiva. Seleção assistida por marcadores (MAS) pode ser usada para aumentar a eficiência do desenvolvimento de NIL por rastreamento

de indivíduos quanto à presença do locus alvo (gene) em cada geração e à ausência de DNA doador estranho ao longo do resto do genoma para acelerar o regresso ao tipo paterno recorrente.

[00131] Como usado aqui, o termo "de ocorrência não natural" se refere a uma planta ou parte de planta que não existe naturalmente na natureza. Uma planta ou parte de planta de ocorrência não natural pode ser produzida por qualquer método conhecido na área, incluindo, mas não se limitando a, transformação de uma planta ou parte de planta, transfecção de uma planta ou parte de planta, e cruzamento de uma planta ou parte de planta de ocorrência natural com uma planta ou parte de planta de ocorrência não natural. Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de ocorrência não natural compreende uma de mais sequências de nucleotídeos exógenas. Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de ocorrência não natural compreende uma ou mais cópias de ocorrência não natural de uma sequência de nucleotídeos de ocorrência natural (isto é, cópias adicionais de um gene que ocorre naturalmente em plantas/partes de plantas dessa espécie que pode estar, por exemplo, em uma localização não natural do genoma).

[00132] Como usados aqui, os termos "ácido nucleico", "sequência de ácido nucleico", "sequência de nucleotídeos" e "polinucleotídeo" se referem a polímeros de desoxirribonucleotídeo, ribonucleotídeo e desoxirribonucleotídeo-ribonucleotídeo em forma de fita simples ou dupla e, a menos que limitado de outro modo, abrange análogos tendo a natureza essencial de polinucleotídeos naturais pelo fato de hibridarem com ácidos nucleicos de fita simples de um modo similar a polinucleotídeos de ocorrência natural. Assim, desoxirribopolinucleotídeos e ribopolinucleotídeos que foram química, enzimática ou metabolicamente modificados por motivos de estabilidade ou outros e desoxirribopolinucleotídeos e

ribopolinucleotídeos compreendendo bases invulgares (por exemplo, inosina e/ou bases tritiladas) são "ácidos nucleicos" "sequências de ácidos nucleicos", "sequências de nucleotídeos" e "polinucleotídeos" tal como esses termos são usados aqui.

[00133] Como usado aqui, o termo "nucleotídeo" se refere a uma unidade monomérica a partir da qual são construídos polímeros de DNA ou RNA e que consiste de uma base purina ou pirimidina, uma pentose, e um grupo ácido fosfórico. Os nucleotídeos (normalmente na sua forma 5'-monofosfato) são referidos pela sua designação de letra única da seguinte forma: "A" para adenilato ou desoxiadenilato (para RNA ou DNA, respectivamente), "C" para citidilato ou desoxicitidilato, "G" para guanilato ou desoxiguanilato, "U" para uridilato, "T" para desoxitimidilato, "R" para purinas (A ou G), "Y" para pirimidinas (C ou T), "K" para G ou T, "H" para A ou C ou T, "I" para inosina, e "N" para qualquer nucleotídeo.

[00134] Conforme usado no presente documento, o termo "identidade de sequência de nucleotídeos" se refere à presença de nucleotídeos idênticos em posições correspondentes de dois polinucleotídeos. Os polinucleotídeos possuem sequências "idênticas" quando a sequência de nucleotídeos nos dois polinucleotídeos é igual quando são alinhadas para a máxima correspondência (por exemplo, em uma janela de comparação). A comparação de sequências entre dois ou mais polinucleotídeos é geralmente realizada pela comparação de porções das duas sequências em uma janela de comparação para identificar e comparar regiões locais com similaridade de sequência. A janela de comparação é geralmente de cerca de 20 a 200 nucleotídeos contíguos. A "percentagem de identidade de sequência" para polinucleotídeos, como cerca de 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95, 98, 99 ou 100 por cento de identidade de sequência, pode ser determinada pela comparação de duas sequências otimamente

alinhadas em uma janela de comparação, em que a porção da sequência polinucleotídica na janela de comparação pode incluir adições ou deleções (por exemplo, intervalos) em comparação com a sequência de referência para um alinhamento ótimo das duas sequências. A percentagem é calculada por: (a) determinação do número de posições em que as bases de ácido nucleico idênticas ocorrem em ambas as sequências; (b) divisão do número de posições correspondentes pelo número total de posições na janela de comparação; e (c) multiplicação do resultado por 100. O alinhamento ótimo de sequências para comparação pode também ser realizado por implementações computadorizadas de algoritmos conhecidos ou por análise visual. Os algoritmos para a comparação de sequências e alinhamento de múltiplas sequências prontamente disponíveis são, respectivamente, os programas Basic Local Alignment Search Tool (BLAST) e ClustalW, ambos disponíveis na internet. Outros programas apropriados incluem, mas sem limitação, GAP, BestFit, Plot Similarity e FASTA, que fazem parte do pacote Accelrys GCG disponibilizado pela Accelrys, Inc. de San Diego, Califórnia, Estados Unidos da América. Em algumas modalidades, a percentagem de identidade de sequência se refere à identidade de sequência em todo comprimento de uma das sequências sendo comparadas. Em algumas modalidades, um cálculo para determinar a percentagem de identidade de sequência não inclui no cálculo quaisquer posições de nucleotídeos onde qualquer um dos ácidos nucleicos comparados inclui um "N" (isto é, quando qualquer nucleotídeo poderia estar presente naquela posição).

[00135] Como usado aqui relativamente a ácidos nucleicos, o termo "operavelmente ligado" se refere a uma ligação funcional entre dois ou mais ácidos nucleicos. Por exemplo, uma sequência de promotor pode ser descrita como estando "ligada operacionalmente" a uma sequência de ácido nucleico heterólogo porque as sequências de promotor iniciam

e/ou medeiam a transcrição da sequência de ácido nucleico heterólogo. Em algumas modalidades, as sequências de ácido nucleico ligadas operacionalmente são contíguas e/ou estão na mesma matriz de leitura.

[00136] Como aqui usados, os termos “fenótipo”, “traço fenotípico” ou “traço” se referem a um ou mais traços de um organismo. O fenótipo pode ser observável a olho nu, ou por qualquer outro meio de avaliação conhecido na técnica, por exemplo, microscopia, análise bioquímica ou um ensaio eletromecânico. Em alguns casos, um fenótipo é diretamente controlado por um único gene ou local genético, ou seja, um “traço de gene único”. Em outros casos, um fenótipo é o resultado de vários genes.

[00137] Como usado aqui, o termo "planta" pode referir-se a qualquer planta adequada, incluindo, mas não se limitando a, espermatófitas (por exemplo, angiospérmicas e gimnospérmicas) e embriófitas (por exemplo, briófitas, fetos e/ou pteridófitas). Em algumas modalidades, a planta é uma planta monocotiledônea (monocot) tal como uma planta de arroz, milho, trigo, cevada, sorgo, milho-painço, aveia, triticale, centeio, trigo sarraceno, fundo branco, quinoa, cana-de-açúcar, bambu, banana, gengibre, cebola, lírio, narciso, íris, amarílis, orquídea, canas índicas, campainha, tulipa, alho, secale, einkorn, espelta, emmer, trigo duro, kamut, relva (por exemplo, grama), tef, milo (sorgo), linho, *Tripsacum* sp. ou teosintos. Em algumas modalidades, a planta é uma planta dicotiledônea (dicot) como uma planta de amora, framboesa, morango, berberis, uva de urso, mirtilo, baga de café, arando, camarinheira, groselha, baga de sabugueiro preto, groselha da china, bagas de goji, *Lonicera caerulea*, limão, lima, airela vermelha, mangostão, laranja, pimenta, dióspiro, romã, ameixa, algodão, trevo, açai, abrunho, pêssego, nectarina, cereja, goiaba, amêndoa, noz-pecã, noz, amaranto, maçã, ervilha doce, pera, batata, soja, beterraba sacarina, girassol, batata-doce, tamarindo, chá, tabaco ou tomate.



[00138] Como usado aqui, o termo "célula de planta" se refere a uma célula existindo em, retirada de e/ou derivada de uma planta (por exemplo, derivada de uma cultura de células/tecido de planta). Assim, o termo "célula de planta" pode se referir a uma célula de planta isolada, uma célula de planta em uma cultura, uma célula de planta em um tecido/órgão isolado e/ou uma célula de planta em uma planta inteira.

[00139] Como aqui usado, o termo "parte de planta" se refere a pelo menos um fragmento de uma planta inteira ou a uma cultura de células ou cultura de tecido derivados de uma planta. Assim, o termo "parte de planta" pode referir-se a células de planta, tecidos de planta e órgãos de planta, bem como culturas de células/tecidos derivadas de células de planta, tecidos de planta e culturas de planta. Modalidades da presente invenção podem compreender e/ou fazer uso de qualquer parte da planta adequada, incluindo, mas não se limitando a, anteras, ramos, rebentos, calos, tufos, sabugos, cotilédones, espigas, embriões, filamentos, flores, frutas, cascas, grãos, folhas, lodículas, ovários, pálea, panículas, pedicelos, vagens, pólen, protoplastos, raízes, pontas de raiz, sementes, cabelos, talos, caules, estigma, estilos e orlas. Em algumas modalidades, a parte de planta é um germoplasma de planta.

[00140] Como usado aqui, o termo "polimorfismo" se refere a uma variação da sequência de nucleotídeos em um locus, em que a referida variação é demasiado comum para se dever meramente a uma mutação espontânea. Um polimorfismo tem geralmente uma frequência de pelo menos cerca de 1 % em uma população. Um polimorfismo pode ser um polimorfismo de nucleotídeo único (SNP), ou um polimorfismo de inserção/deleção, também referido aqui como "indel". Adicionalmente, a variação pode ser em um perfil transcricional ou um padrão de metilação. O sítio ou sítios polimórficos de uma sequência de nucleotídeos podem ser determinados por comparação das sequências de nucleotídeos em um ou mais locais em duas ou mais entradas de

germoplasma.

[00141] Como usados aqui, os termos “polipeptídeo”, “peptídeo” e “proteína” se referem a um polímero de resíduos de aminoácidos. Os termos abrangem polímeros de aminoácidos nos quais um ou mais resíduos de aminoácidos são um análogo químico artificial de um aminoácido ocorrendo naturalmente correspondente, bem como polímeros de aminoácidos ocorrendo naturalmente.

[00142] Como usado aqui, o termo "população" se refere a uma coleção geneticamente heterogênea de plantas partilhando uma derivação genética comum.

[00143] Como usado aqui, o termo "progenitura" se refere a plantas geradas pela reprodução vegetativa ou sexuada de uma ou mais plantas paternas. Plantas da progenitura podem ser obtidas por clonagem ou autofecundação de uma única planta paterna, ou por cruzamento de duas plantas paternas. Em algumas modalidades, as plantas da progenitura compreendem os marcadores, alelos, haplótipos e/ou regiões genômicas da invenção. Dependendo do contexto, nem sempre é vantajoso que a progenitura compreenda o(s) marcador(es)/alelo(s)/haplótipo(s)/região(ões) genômica(s) da invenção associado(s) a fertilidade masculina acrescida (por exemplo, em produção de híbridos). Assim, em algumas modalidades, a progenitura da invenção pode não compreender o(s) marcador(es)/alelo(s)/haplótipo(s)/região(ões) genômica(s) da invenção associado(s) a fertilidade masculina acrescida.

[00144] Como aqui usados, os termos “promotor” e “sequência de promotor” se referem a sequências de ácido nucleico envolvidas na regulação de iniciação de transcrição. Um “promotor vegetal” é um promotor capaz de iniciar a transcrição em células vegetais. Promotores de plantas exemplificativos incluem, mas não estão limitados a, aqueles que são obtidos de plantas, vírus e bactérias de plantas que

compreendem genes expressos em células de plantas tais como *Agrobacterium* ou *Rhizobium*. Um "promotor específico para tecidos" é um promotor que preferencialmente inicia a transcrição em determinados tecidos. Um "promotor induzível por estresse" é um promotor que preferencialmente inicia a transcrição sob certas condições ambientais. Um "promotor específico para estágios do desenvolvimento" é um promotor que preferencialmente inicia a transcrição durante certos estágios do desenvolvimento.

[00145] Como usado aqui, o termo "locus de traço quantitativo" (QTL) se refere a um locus genético que compreende e/ou está associado a um ou mais genes subjacentes a um traço quantitativo.

[00146] Como usado aqui, o termo "alelo recessivo" se refere a um alelo cujo efeito fenotípico não é expresso em um heterozigoto.

[00147] Como usado aqui, o termo "recombinante" se refere a uma molécula (por exemplo, DNA, RNA, proteína, etc.) resultante de manipulação humana, no entanto indireta, de uma molécula de ácido nucleico.

[00148] Como usado aqui, o termo "sequência de referência" se refere a uma sequência de nucleotídeos definida usada como base para comparação de sequências de nucleotídeos. A sequência de referência para um marcador, por exemplo, é obtida por genotipagem de algumas linhagens no locus ou locais de interesse, alinhamento das sequências de nucleotídeos em um programa de alinhamento de sequências, e então obtenção da sequência de consenso do alinhamento. Assim, uma sequência de referência identifica os polimorfismos em alelos em um locus. Uma sequência de referência pode não ser uma cópia de uma sequência de ácido nucleico real de qualquer organismo particular; no entanto, é útil para desenhar iniciadores e sondas (como descritos na Tabela 9) para polimorfismos reais no locus ou locais.

[00149] Como usado aqui, o termo "elemento regulador" se refere a

uma sequência de nucleotídeos envolvida no controle da expressão de uma sequência de ácido nucleico de interesse. Elementos reguladores compreendem um promotor operavelmente ligado à sequência de ácido nucleico de interesse e sinais de terminação. Tipicamente também englobam sequências requeridas para a tradução adequada da sequência de nucleotídeos.

[00150] Como usados aqui, os termos "hibridizam seletivamente" e "hibridizam especificamente" se referem à hibridização de uma sequência de ácido nucleico com uma sequência alvo de ácido nucleico especificada, em que a sequência de ácido nucleico hibridiza preferencialmente com a sequência alvo de ácido nucleico especificada (por exemplo, pelo menos uma diferença de cerca de duas vezes em comparação com a sua hibridização com sequências de ácidos nucleicos não alvo) com exclusão substancial de ácidos nucleicos não alvo.

[00151] Como usado aqui, o termo "condições de hibridização estridentes" se refere a condições nas quais um ácido nucleico irá hibridizar seletivamente com uma sequência alvo de ácido nucleico. Um guia extenso para a hibridização de ácidos nucleicos encontra-se em Tijssen *Laboratory Techniques in Biochemistry and Molecular Biology-Hybridization with Nucleic Acid Probes* parte I capítulo 2 "Overview of principles of hybridization and the strategy of nucleic acid probe assays" Elsevier, Nova Iorque (1993). Em algumas modalidades, condições de hibridização estridentes compreendem dodecil sulfato de sódio (SDS) 7 %, NaPO<sub>4</sub> 0,5 M, EDTA 1 mM a 50 °C com lavagem em 0,1x SSC, SDS 0,1 % a 65 °C. Em algumas modalidades, condições de hibridização estridentes compreendem uma estringência de lavagem de formamida 50 % com 5x solução de Denhardt, SDS 0,5 % e 1x SSPE a 42 °C. Tipicamente, sob "condições estridentes", uma sonda irá hibridizar com a sua subsequência alvo, mas não com outras

sequências.

[00152] Como usado aqui, " $T_f$ " se refere à temperatura (sob força iônica e pH definidos) à qual 50 % da sequência alvo hibridiza com uma sonda perfeitamente correspondente. Condições muito estridentes são selecionadas para serem iguais à  $T_f$  para uma sonda particular. Um exemplo de condições de hibridização rigorosas para hibridização de ácidos nucleicos complementares os quais têm mais de 100 resíduos complementares em um filtro em uma transferência Southern ou northern é formamida 50 % com 1 mg de heparina a 42 °C, com a hibridização sendo realizada durante a noite. Um exemplo de condições de lavagem altamente estridentes é NaCl a 0,15 M a 72 °C durante cerca de 15 minutos. Um exemplo de condições de lavagem estridentes é uma lavagem a 0,2x SSC a 65 °C durante 15 minutos (ver, Sambrook, *infra*, para uma descrição do tampão SSC). Frequentemente, uma lavagem de elevada estringência é precedida por uma lavagem de baixa estringência para remover o sinal da sonda de fundo. Uma lavagem de médio rigor exemplificativa para um duplex de, por ex., mais do que 100 nucleotídeos, é 1x SSC a 45 °C durante 15 minutos. Uma lavagem de baixo rigor exemplificativa para um duplex de, por ex., mais de 100 nucleotídeos, é 4-6x SSC a 40 °C durante 15 minutos. Para sondas curtas (p.ex., cerca de 10 a 50 nucleotídeos), as condições estridentes envolvem tipicamente concentrações de sais de menos do que cerca de 1,0 M de íon Na, tipicamente concentração de cerca de 0,01 a 1,0 M de íon Na (ou outros sais) a pH 7,0 a 8,3, e a temperatura é tipicamente pelo menos cerca de 30 °C. Condições estridentes também podem ser alcançadas com a adição de agentes desestabilizantes, tais como formamida. Em geral, uma razão de sinal em relação a ruído de 2x (ou mais elevada) do que aquela observada para uma sonda não relacionada no ensaio de hibridização particular indica detecção de uma hibridização específica. Ácidos nucleicos que

não hibridizam um com o outro sob condições rigorosas são ainda substancialmente idênticos se as proteínas que eles codificam forem substancialmente idênticas. Isto ocorre, por exemplo, quando uma cópia de um ácido nucleico é criada usando a degenerescência máxima de códon permitida pelo código genético.

[00153] Os seguintes são exemplos de conjuntos de condições de hibridização/lavagem que podem ser usadas para clonar sequências de nucleotídeos homólogas que são substancialmente idênticas a sequências de nucleotídeos de referência da presente invenção: dodecil sulfato de sódio (SDS) 7 %,  $\text{NaPO}_4$  0,5 M, EDTA 1 mM a 50 °C com lavagem em 2X SSC, SDS 0,1 % a 50 °C; dodecil sulfato de sódio (SDS) 7 %,  $\text{NaPO}_4$  0,5 M, EDTA 1 mM a 50 °C com lavagem em 1X SSC, SDS 0,1 % a 50 °C; dodecil sulfato de sódio (SDS) 7 %,  $\text{NaPO}_4$  0,5 M, EDTA 1 mM a 50 °C com lavagem em 0,5X SSC, SDS 0,1 % a 50 °C; dodecil sulfato de sódio (SDS) 7 %,  $\text{NaPO}_4$  0,5 M, EDTA 1 mM a 50 °C com lavagem em 0,1X SSC, SDS 0,1 % a 50 °C; dodecil sulfato de sódio (SDS) 7 %,  $\text{NaPO}_4$  0,5 M, EDTA 1 mM a 50 °C com lavagem em 0,1X SSC, SDS 0,1 % a 65 °C.

[00154] Uma indicação adicional de que duas sequências de ácido nucleico ou proteínas são substancialmente idênticas é o fato de a proteína codificada pelo primeiro ácido nucleico ser imunologicamente reativa de modo cruzado com, ou se ligar especificamente à proteína codificada pelo segundo ácido nucleico. Dessa forma, uma proteína é tipicamente substancialmente idêntica a uma segunda proteína, por exemplo, quando as duas proteínas diferem somente por substituições conservativas.

[00155] Como usado aqui, o termo "substancialmente fértil" se refere a uma planta cuja fertilidade é substancialmente igual à de uma planta de controle (por exemplo, um ou ambos de seus progenitores, uma planta quase isogênica que está desprovida de um ou mais

marcadores/alelos associados a fertilidade acrescida, uma planta quase isogênica que está desprovida de uma sequência codificante de *Vip3*, etc.). Em algumas modalidades, plantas substancialmente férteis são plantas que liberam grãos de pólen a uma taxa por pendão por dia que é pelo menos cerca de 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 % ou 95 % da do controle no período de três dias imediatamente após a extrusão das anteras. Em algumas modalidades, plantas "substancialmente férteis" são plantas que liberam pelo menos cerca de 500 000; 600 000; 700 000; 800 000; 900 000; ou 1 000 000 de grãos de pólen por pendão por dia no período de três dias imediatamente após a extrusão das anteras.

[00156] Como usada aqui, a frase "Ensaio TAQMAN<sup>®</sup>" se refere a detecção de sequências em tempo real usando PCR baseado no Ensaio TAQMAN<sup>®</sup> vendido pela Applied Biosystems, Inc. de Foster City, Califórnia, Estados Unidos da América. Para um marcador identificado, um Ensaio TAQMAN<sup>®</sup> pode ser desenvolvido para aplicação em um programa de melhoramento.

[00157] Como usados aqui, os termos "transformação", "transfecção" e "transdução" se referem à introdução de um ácido nucleico (RNA e/ou DNA) exógeno/heterólogo em uma célula hospedeira. Uma célula foi "transformada", "transfectada" ou "transduzida" com um ácido nucleico exógeno/heterólogo quando tal ácido nucleico foi introduzido ou aplicado na célula.

[00158] Como aqui usados, os termos "transgênico" e "recombinante" se referem a um organismo (por exemplo, uma bactéria ou planta) que compreende um ou mais ácidos nucleicos exógenos. Em geral, o ácido nucleico exógeno é integrado estavelmente dentro do genoma de forma que pelo menos uma porção do ácido nucleico exógeno seja passada para as gerações sucessivas. O ácido nucleico exógeno pode ser integrado no genoma isoladamente ou como parte de

um cassete de expressão recombinante. "Transgênico" pode ser usado para designar qualquer planta ou parte de planta cujo genótipo tenha sido alterado pela presença de um ácido nucleico exógeno, incluindo aqueles transgênicos inicialmente alterados desse modo e os criados por cruzamentos sexuais ou propagação assexuada do transgênico inicial. Como usado aqui, o termo "transgênico" não abrange a alteração do genoma (cromossômica ou extracromossômica) por métodos convencionais de melhoramento de plantas ou por eventos de ocorrência natural, como fertilização cruzada aleatória, infecção viral não recombinante, transformação bacteriana não recombinante, transposição não recombinante, ou mutação espontânea.

[00159] A transformação de uma célula pode ser estável ou transiente. Assim, em algumas modalidades, uma célula de planta da invenção é transformada de modo estável com uma sequência de nucleotídeos codificando uma molécula precursora de miRNA sintética da invenção. Em outras modalidades, uma planta da invenção é transformada de modo transitório com uma sequência de nucleotídeos codificando uma molécula precursora de miRNA sintética da invenção.

[00160] "Transformação transiente" no contexto de um polinucleotídeo significa que um polinucleotídeo é introduzido na célula e não se integra no genoma da célula.

[00161] "Transformação estável" ou "transformado de modo estável", "introdução de modo estável", ou "introduzido de modo estável", como usado aqui, significa que um ácido nucleico é introduzido em uma célula e é integrado no genoma da célula. Como tal, o ácido nucleico integrado é capaz de ser herdado pela sua descendência, mais particularmente, pela descendência de múltiplas gerações sucessivas. "Genoma", como usado aqui, também inclui o genoma nuclear e de plastídeo, e portanto inclui integração do ácido nucleico, por exemplo, no genoma de cloroplasto. Transformação estável como usada aqui pode também se



referir a um transgene que é mantido extracromossomicamente, por exemplo, como um minicromossomo.

[00162] Como usado aqui, o termo "transgene" se refere a um ácido nucleico exógeno. Transgenes podem ser de fita simples ou dupla.

[00163] Como usado aqui relativamente a plantas e partes de plantas, o termo "transgênico" se refere a uma planta ou parte de planta que compreende um ou mais ácidos nucleicos exógenos.

[00164] Como usado aqui, o termo "alelo desfavorável" se refere a um alelo marcador que segrega com um fenótipo de planta desfavorável, portanto proporcionando o benefício de identificação de plantas que podem ser removidas de um programa de melhoramento ou plantação.

[00165] Como aqui usado, o termo "vetor" se refere a uma molécula de ácido nucleico para a clonagem de e/ou transferência de um ácido nucleico em uma célula. Um vetor pode ser um replicon ao qual outra sequência de nucleotídeos pode ser anexada para permitir a replicação da sequência de nucleotídeos anexada. Um "replicon" pode ser qualquer elemento genético (por exemplo, plasmídeo, fago, cosmídeo, cromossomo, genoma viral) que funcione como uma unidade autônoma de replicação do ácido nucleico *in vivo* (ou seja, capaz de replicação sob o seu próprio controle). O termo "vetor" inclui moléculas de ácido nucleico virais e não virais (por exemplo, plasmídeo) para introdução de um ácido nucleico em uma célula *in vitro*, *ex vivo*, e/ou *in vivo*. Pode ser usado um grande número de vetores conhecidos na técnica para manipular ácidos nucleicos, incorporar elementos de resposta e promotores em genes, etc. Por exemplo, a inserção de fragmentos de ácidos nucleicos correspondentes a elementos de resposta e promotores em um vetor adequado pode ser alcançada por ligação dos fragmentos de ácidos nucleicos apropriados em um vetor escolhido que tem terminais coesivos complementares. Alternativamente, as

extremidades das moléculas de ácido nucleico podem ser enzimaticamente modificadas ou qualquer local pode ser produzido por ligação de sequências de nucleotídeos (ligantes) aos terminais de ácido nucleico. Tais vetores podem ser modificados para conter sequências codificando marcadores selecionáveis que proporcionam a seleção de células que contêm o vetor e/ou incorporaram o ácido nucleico do vetor no genoma celular. Tais marcadores permitem a identificação e/ou seleção de células que incorporam e expressam as proteínas codificadas pelo marcador. Um vetor "recombinante" se refere a um vetor viral ou não viral que compreende uma ou mais sequências de nucleotídeos heterólogas (isto é, transgenes). Podem ser introduzidos vetores em células por meio de qualquer método adequado conhecido na técnica, incluindo, mas não se limitando a, transfeção, eletroporação, microinjeção, transdução, fusão celular, DEAE dextrano, precipitação com fosfato de cálcio, lipofecção (fusão lisossômica) e utilização de uma *gene gun* ou transportador de vetor de ácido nucleico.

[00166] Como usado aqui, o termo "proteína Vip3" se refere a uma proteína inseticida vegetativa (VIP) que é um membro da classe de proteínas Vip3 e inclui, mas não está limitada a, proteínas Vip3A(a), Vip3A(b), Vip3A(c), Vip3B, Vip3C(a), Vip3C(b) e Vip3Z e seus homólogos. Homólogos dos membros acima mencionados da classe de proteínas Vip3 incluem, mas não estão limitados a, proteínas que reagem de modo cruzado com anticorpos que reconhecem imunologicamente um ou mais dos membros acima mencionados da classe de proteínas Vip3, proteínas que reagem de modo cruzado com receptores (por exemplo, em uma praga de nematódeos ou víscera de inseto) afetados por um ou mais dos membros acima mencionados da classe de proteínas Vip3, proteínas tendo uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 70, 71, 72, 73, 74, 75, 76, 77, 78, 79, 80, 81, 82, 83, 84, 85, 86, 87, 88, 89, 90, 91, 92, 93, 94, 95, 96,

97, 98, 99 % ou mais similar ou idêntica a um ou mais dos membros acima mencionados da classe de proteínas Vip3, e proteínas tendo uma região de núcleo tóxica, cuja sequência de aminoácidos é pelo menos cerca de 70, 71, 72, 73, 74, 75, 76, 77, 78, 79, 80, 81, 82, 83, 84, 85, 86, 87, 88, 89, 90, 91, 92, 93, 94, 95, 96, 97, 98, 99 % ou mais similar ou idêntica à região de núcleo tóxica de um ou mais dos membros acima mencionados da classe de proteínas Vip3. Homólogos dos membros acima mencionados da classe de proteínas Vip3 podem exibir atividade pesticida (por exemplo, nematicida e/ou inseticida) quando expressos em uma planta ou parte de planta de milho transgênica. Exemplos de proteínas Vip3 (e correspondentes números de acesso da GenBank e/ou números de publicações de patentes U.S.) são descritos na Tabela 4.

[00167] Marcadores podem ser usados em uma variedade de aplicações de melhoramento de plantas. Ver, por exemplo, Staub et al., *Hortscience* 31: 729 (1996); Tanksley, *Plant Molecular Biology Reporter* 1: 3 (1983). Uma das principais áreas de interesse é aumentar a eficiência do retrocruzamento e introgressão de genes usando seleção assistida por marcadores (MAS). Em general, MAS tira partido de marcadores genéticos que foram identificados como tendo uma probabilidade significativa de cossegregação com um traço desejado. É presumido que tais marcadores estão dentro/próximo do(s) gene(s) que origina(m) o fenótipo desejado, e a sua presença indica que a planta irá possuir o traço desejado. É esperado que plantas que possuem o marcador transfiram o fenótipo desejado para a sua progenitura.

[00168] Um marcador que exibe ligação com um lócus que afeta um traço fenotípico desejado proporciona uma ferramenta útil para a seleção do traço em uma população de plantas. Tal é particularmente verdade quando o fenótipo é difícil de avaliar ou ocorre em um estágio tardio do desenvolvimento da planta. Uma vez que ensaios de

marcadores de DNA são menos trabalhosos e ocupam menos espaço físico do que fenotipagem de campo, podem ser avaliadas populações muito maiores, aumentando a probabilidade de observar um recombinante com o segmento alvo da linhagem doadora movido para a linhagem receptora. Quanto mais próxima for a ligação, mais útil é o marcador, uma vez que é menos provável que ocorra recombinação entre o marcador e o gene que causa ou confere o traço. Dispor de marcadores flanqueadores diminui a probabilidade de ocorrência de seleção de positivos falsos. A situação ideal é ter um marcador no próprio gene, de modo que não pode ocorrer recombinação entre o marcador e o gene. Tal marcador é denominado um "marcador perfeito".

[00169] Quando um gene é submetido a introgressão por MAS, não é só o gene que é introduzido mas também as regiões flanqueadoras. Gepts, *Crop Sci.* 42:1780 (2002). Tal é referido como "arrasto devido à ligação". No caso de a planta doadora estar altamente não relacionada à planta receptora, estas regiões flanqueadoras contêm genes adicionais que podem codificar traços agronomicamente indesejáveis. Este "arrasto devido à ligação" também pode originar rendimento reduzido ou outras características agrônômicas negativas mesmo após múltiplos ciclos de retrocruzamento na linhagem de milho de elite. Tal também é por vezes referido como "decréscimo da produtividade" ("yield drag"). O tamanho da região flanqueadora pode ser decrescido por retrocruzamento adicional, embora tal não seja sempre bem-sucedido, pois os melhoristas não controlam o tamanho da região ou dos pontos de ruptura da recombinação. Young et al., *Genetics* 120:579 (1998). No melhoramento clássico, habitualmente só por sorte é que são selecionadas recombinações que contribuem para uma redução do tamanho do segmento doador. Tanksley et al., *Biotechnology* 7: 257 (1989). Mesmo após 20 retrocruzamentos, é possível esperar encontrar uma porção considerável do cromossomo doador ainda ligada ao gene

sendo selecionado. Com marcadores, no entanto, é possível selecionar aqueles indivíduos raros que sofreram recombinação perto do gene de interesse. Em 150 plantas retrocruzadas, há 95 % de probabilidade de pelo menos uma planta ter sofrido um crossover em 1 cM do gene, com base na distância do mapa de meiose única. Os marcadores permitem a identificação inequívoca daqueles indivíduos. Com um retrocruzamento adicional de 300 plantas, haverá 95 % de probabilidade de um crossover em 1 cM de distância do mapa de meiose única do outro lado do gene, gerando um segmento em redor do gene alvo menor do que 2 cM com base na distância do mapa de meiose única. Tal pode ser alcançado em duas gerações com marcadores, ao passo que teria requerido em média 100 gerações sem marcadores. Ver Tanksley et al., *supra*. Quando a localização exata de um gene é conhecida, marcadores flanqueadores envolvendo o gene podem ser usados para selecionar recombinações em diferentes tamanhos de populações. Por exemplo, para tamanhos de populações menores, podem ser esperadas recombinações mais longe do gene, de modo que serão requeridos marcadores flanqueadores mais distais para detectar a recombinação.

[00170] A disponibilidade de mapas de ligação integrada do genoma do milho contendo densidades crescentes de marcadores de milho públicos facilitou o mapeamento genético do milho e MAS. Ver, por exemplo, os mapas IBM2 Neighbors, que estão disponibilizados online no website de MaizeGDB.

[00171] De todos os tipos de marcadores moleculares, SNPs são os mais abundantes e têm o potencial de proporcionar a resolução mais elevada de mapas genéticos. Bhatramakki et al., *Plant Molec. Biol.* 48:539 (2002). SNPs podem ser avaliados de um modo denominado "produtividade ultra-elevada" porque não requerem grandes quantidades de ácido nucleico e a automatização do ensaio é direta.

SNPs também têm o benefício de serem sistemas de custo relativamente baixo. Estes três fatores em conjunto tornam SNPs altamente atrativos para uso em MAS. Estão disponíveis vários métodos para genotipagem de SNP, incluindo mas não se limitando a, hibridização, extensão de iniciadores, ligação oligonucleotídica, clivagem por nucleases, minissequenciamento e esferas codificadas. Tais métodos foram revistos em várias publicações: Gut, *Hum. Mutat.* 17:475 (2001); Shi, *Clin. Chem.* 47:164 (2001); Kwok, *Pharmacogenomics* 1:95 (2000); Bhatramakki e Rafalski, *Discovery and application of single nucleotide polymorphism markers in plants*, em *Plant Genotyping: The DNA Fingerprinting of Plants*, CABI Publishing, Wallingford (2001). Uma gama larga de tecnologias comercialmente disponíveis emprega estes e outros métodos para interrogar SNPs, incluindo Masscode™ (Qiagen, Germantown, MD), Invader® (Hologic, Madison, WI), SnapShot® (Applied Biosystems, Foster City, CA), Taqman® (Applied Biosystems, Foster City, CA) e Beadarrays™ (Illumina, San Diego, CA).

[00172] Alguns SNPs em conjunto dentro de uma sequência, ou através de sequências ligadas, podem ser usados para descrever um haplótipo para qualquer genótipo particular. Ching et al., *BMC Genet.* 3:19 (2002); Gupta et al. (2001), Rafalski, *Plant Sci.* 162:329 (2002b). Haplótipos podem ser mais informativos do que SNPs únicos e podem ser mais descritivos de qualquer genótipo particular. Por exemplo, um único SNP pode ser o alelo "T" para uma linhagem ou variedade doadora específica, mas o alelo "T" também pode ocorrer na população de melhoramento de milho sendo usada para progenitores recorrentes desprovidos do alelo favorável. Neste caso, uma combinação de alelos em SNPs ligados pode ser mais informativa. Depois de um haplótipo único ter sido atribuído a uma região cromossômica doadora, esse haplótipo pode ser usado nessa população ou qualquer seu subconjunto

para determinar se um indivíduo tem um gene particular. O uso de plataformas de detecção de marcadores de alta produtividade automatizadas conhecidas dos peritos na técnica torna este processo altamente eficiente e eficaz.

[00173] A presente invenção proporciona marcadores associados a fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida). A análise destes marcadores pode ser usada para identificar, selecionar e/ou produzir plantas de milho férteis, para identificar plantas de milho inférteis, para prever se e/ou em que extensão uma planta de milho será fértil, para aumentar a eficiência e/ou reduzir o custo de programas de melhoramento e/ou produção de sementes, etc.

[00174] Marcadores da presente invenção podem compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um único alelo ou de uma combinação de alelos em um ou mais locais genéticos. Por exemplo, o marcador pode compreender um alelo marcador localizado em um primeiro locus marcador, um alelo marcador em um segundo locus marcador, um alelo marcador em um terceiro locus marcador, um quarto marcador em um quarto locus marcador, etc.

[00175] Em algumas modalidades, o marcador está localizado dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1 tal como se cada intervalo e todas as suas possíveis combinações fossem individualmente listadas. Por exemplo, o marcador pode estar localizado dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, dentro do segmento cromossômico 7514).

[00176] Em algumas modalidades, o marcador compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um alelo de interesse localizado dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um alelo de interesse localizado dentro de um ou mais dos segmentos

cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um alelo de interesse localizado dentro do segmento cromossômico 7514).

[00177] Em algumas modalidades, o marcador compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um haplótipo compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de dois ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um haplótipo compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de dois ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um haplótipo compreendendo dois ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514).

[00178] Em algumas modalidades, o marcador compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um haplótipo compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um primeiro segmento cromossômico, um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um segundo segmento cromossômico diferente do primeiro segmento cromossômico, um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um terceiro segmento cromossômico diferente do primeiro e segundo segmentos cromossômicos, etc., em que cada um dos segmentos cromossômicos compreende um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um haplótipo compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de:

1) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou



mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 1;

2) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados no cromossomo 2;

3) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3);

4) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 18 até 45 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 25);

5) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12744 até 12749 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12747);

6) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico

7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12750 até 12755 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12753);

7) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12756;

8) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12762 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12760 e/ou segmento cromossômico 12761);

9) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12763 até 12768 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12768);

10) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514), um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3), um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos

segmentos cromossômicos 18 até 45 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 25) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12763 até 12768 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12768);

11) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 1;

12) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados no cromossomo 2;

13) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 18 até 45 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 25);

14) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12744 até 12749 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12747);

15) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais

alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12750 até 12755 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12753);

16) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12756;

17) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12762 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12760 e/ou segmento cromossômico 12761);

18) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12763 até 12768 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12768);

19) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3), um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12750 até 12755 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico

12753) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12756.

[00179] Em modalidades, o marcador compreende um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 8. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador compreende pelo menos cerca de 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17 ou mais de, ou todos os 18 alelos desejados descritos na Tabela 8.

[00180] Em modalidades, o marcador compreende um ou mais dos alelos favoráveis (desejados):

(a) no cromossomo 5 (QTL 5.1 e/ou QTL 5.2) como descrito na Tabela 8;

(b) no cromossomo 3 como descrito na Tabela 8;

(c) no cromossomo 7 como descrito na Tabela 8;

(d) no cromossomo 10 como descrito na Tabela 8;

(e) nos cromossomos 3 e 5 como descritos na Tabela 8;

(f) nos cromossomos 5 e 7 como descritos na Tabela 8;

(g) nos cromossomos 3, 5 e 7 como descritos na Tabela 8;

(h) nos cromossomos 5 e 10 como descritos na Tabela 8;

(i) nos cromossomos 3, 5 e 10 como descritos na Tabela 8; ou

(j) qualquer combinação de (a) até (i).

[00181] Em modalidades, o marcador compreende um ou mais dos alelos favoráveis (desejados) descritos na Tabela 10.

[00182] Em algumas modalidades, o marcador compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um ou mais alelos marcadores ligados a um ou mais dos marcadores, segmentos cromossômicos, alelos e/ou haplótipos descritos aqui. Em algumas modalidades, o alelo marcador e o(s) marcador(es), segmento(s), alelo(s) e/ou haplótipo(s) descritos aqui estão separados por menos de cerca de 50, 40, 30, 25, 20, 15, 10, 5, 4, 3, 2, ou 1 cM. Em algumas modalidades, o(s) valor(es)  $r^2$  de pares do alelo marcador e do(s)

marcador(es)/segmento(s)/alelo(s)/haplótipo(s) descritos aqui é/são maior(es) do que ou igual(is) a cerca de 0,33, 0,4, 0,5, 0,6, 0,7, 0,8, 0,9, ou 1,0. Em algumas modalidades, a pontuação LOD para o alelo marcador e o(s) marcador(es)/segmento(s)/alelo(s)/haplótipo(s) descritos aqui é maior do que ou igual a cerca de 0,5, 1, 1,5, 2, 2,5, 3, 3,5, 4, 4,5, 5, 5,5, 6, 6,5, 7, 7,5, 8, 8,5, 9, 9,5, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17, 18, 19, 20 ou mais. Marcadores ligados podem ser determinados, por exemplo, usando recursos disponibilizados no website de MaizeGDB ([www.maizegdb.org](http://www.maizegdb.org)).

[00183] Em algumas modalidades, o marcador compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um alelo marcador localizado em cerca de 25 cM, 20 cM, 15 cM, 10 cM, 5 cM ou 1 cM ou menos (em que o termo "em" inclui o ponto final da região especificada) de qualquer um dos marcadores, segmentos cromossômicos, alelos e/ou haplótipos descritos aqui. Por exemplo, em algumas modalidades, o alelo marcador compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um ou mais marcadores localizados em cerca de 25 cM, 10 cM, 5 cM, 1 cM ou menos do segmento cromossômico 7514.

[00184] Em algumas modalidades, o marcador não está no contexto genético natural da planta de milho (por exemplo, não ocorre naturalmente na linhagem ou variedade de milho, e foi aí introduzido por intervenção humana).

[00185] Marcadores da presente invenção podem estar associados a qualquer traço adequado, incluindo, mas não se limitando a, produção de pólen aumentada por planta, produção de pólen aumentada por pendão, produção de pólen aumentada por antera, morfologia do pólen melhorada, produção de anteras aumentada por planta, produção de anteras aumentada por pendão, morfologia das anteras melhorada, produção de pendões aumentada por planta, morfologia dos pendões melhorada, fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina

acrescida) sob condições de estresse (por exemplo, condições de seca), fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida) sob temperaturas diurnas elevadas, fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida) sob temperaturas noturnas elevadas e/ou fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida) sob condições compreendendo um grande diferencial entre temperaturas diurnas e temperaturas noturnas.

[00186] Marcadores da presente invenção podem ser analisados usando qualquer sonda marcadora adequada, incluindo, mas não se limitando às sondas marcadoras descritas aqui.

[00187] Marcadores da presente invenção podem ser detectados em qualquer produto de amplificação adequado, incluindo, mas não se limitando a, os produtos de amplificação descritos aqui.

[00188] Marcadores da presente invenção podem ser analisados usando qualquer(qualsquer) técnica(s) adequada(s), incluindo, mas não se limitando a, métodos de detecção à base de PCR (por exemplo, Ensaios TAQMAN<sup>®</sup>), técnicas de detecção de polimorfismos (*ver*, por exemplo, Patentes U.S. Nos. 5,468,613, 5,217,863; 5,210,015; 5,876,930; 6,030,787; 6,004,744; 6,013,431; 5,595,890; 5,762,876; 5,945,283; 5,468,613; 6,090,558; 5,800,944; 5,616,464; 7,312,039; 7,238,476; 7,297,485; 7,282,355; 7,270,981 e 7,250,252), técnicas de ligação de sondas (*ver*, por exemplo, Patente U.S. No. 5,800,944), técnicas de microsséries (*ver*, por exemplo, Patentes U.S. Nos. 6,799,122; 6,913,879 e 6,996,476; *ver também* Borevitz et al., Genome Res. 13:513-523 (2003); Cui et al., Bioinformatics 21:3852-3858 (2005)), métodos de ligação de sondas (por exemplo, Patente U.S. No. 5,616,464), métodos de extensão de base única (*ver*, por exemplo, Patentes U.S. Nos. 6,004,744; 6,013,431; 5,595,890; 5,762,876 e 5,945,283), métodos de marcação com caudas fluorescentes (por exemplo, Patentes U.S. Nos. 5,210,015; 5,876,930 e 6,030,787) e

sequenciamento direto (*ver*, por exemplo, Service, Science 2006 311:1544-1546(2006)).

[00189] A presente invenção também proporciona plantas e partes de plantas de ocorrência não natural compreendendo um ou mais marcadores associados a fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida).

[00190] A presente invenção estende-se a produtos recolhidos de plantas de ocorrência não natural da presente invenção, incluindo, mas não se limitando a, células de planta e partes de plantas coletáveis incluindo mas não se limitando a sementes, folhas, frutos, flores, caules, rizomas, tubérculos e bulbos.

[00191] Em algumas modalidades, o produto recolhido pode ser uma célula de planta ou parte de planta capaz de produzir uma planta tendo fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida).

[00192] A presente invenção também se estende a produtos derivados de plantas e partes de plantas de ocorrência não natural da presente invenção, incluindo, mas não se limitando a, péletes secos e pós, óleos, gorduras, ácidos graxos, amidos e proteínas.

[00193] Marcadores e plantas e partes de plantas de ocorrência não natural da presente invenção podem compreender qualquer(qualquer) alelo(s), haplótipo(s) e/ou molécula(s) de interesse adequado(s).

[00194] Em algumas modalidades, o alelo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma ou mais sequências de ácidos nucleicos derivadas de germoplasma de milho NP2222. Por exemplo, os alelos de interesse podem compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1, em que o segmento cromossômico é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico ao(s) segmento(s) correspondente(s) de germoplasma de milho NP2222. Em algumas de



tais modalidades, o alelo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 12768 (por exemplo, segmentos cromossômicos 3, 13, 25, 506, 7514, 7546, 12747, 12753, 12760–12761 e/ou 12767–12768) de germoplasma de milho NP2222.

[00195] Em algumas modalidades, o alelo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma ou mais sequências de ácidos nucleicos derivadas de germoplasma de milho NP2660. Por exemplo, os alelos de interesse podem compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1, em que o segmento cromossômico é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico ao(s) segmento(s) correspondente(s) de germoplasma de milho NP2660. Em algumas de tais modalidades, o alelo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 12743 e/ou um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12768 (por exemplo, segmentos cromossômicos 3, 13, 25, 506, 7514, 7546, 12747, 12753, 12760–12761 e/ou 12767–12768) de germoplasma de milho NP2660.

[00196] Em algumas modalidades, o alelo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma ou mais sequências de ácidos nucleicos derivadas de germoplasma de milho NP2276. Por exemplo, os alelos de interesse podem compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1, em que o segmento cromossômico é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico ao(s) segmento(s) correspondente(s) de germoplasma de milho NP2276. Em algumas de tais modalidades, o alelo de interesse compreende, consiste

essencialmente de ou consiste do segmento cromossômico 1, um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12743 e/ou um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12768 (por exemplo, segmentos cromossômicos 13, 506, 7514, 7546 e/ou 12760–12761) de germoplasma de milho NP2276.

[00197] Em algumas modalidades, o alelo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma ou mais sequências de ácidos nucleicos derivadas de germoplasma de milho ID3461. Por exemplo, os alelos de interesse podem compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1, em que o segmento cromossômico é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico ao(s) segmento(s) correspondente(s) de germoplasma de milho ID3461. Em algumas de tais modalidades, o alelo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um ou mais dos segmentos cromossômicos 1 até 17 (por exemplo, segmentos cromossômicos 1 e/ou 13) de germoplasma de milho ID3461.

[00198] Em modalidades, o alelo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma ou mais sequências de ácidos nucleicos derivadas de uma linhagem na Tabela 11.

[00199] Em algumas modalidades, o alelo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos uma das SEQ ID NOs: 1 até 350 (como descritas na Tabela 3).

[00200] Em algumas modalidades, o alelo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos uma sequência de nucleotídeos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a uma ou mais das SEQ ID NOs: 1 até 350 (como descritas na Tabela 3).

[00201] Em algumas modalidades, o alelo de interesse compreende,

consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos uma sequência de nucleotídeos que hibridiza especificamente com a sequência de nucleotídeos de uma ou mais das SEQ ID NOs: 1 até 350 (como descritas na Tabela 3) sob condições de hibridização estridentes.

[00202] Em algumas modalidades, o alelo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos uma sequência de nucleotídeos que codifica a sequência de aminoácidos apresentada em uma ou mais das SEQ ID NOs: 351 até 525 (como descritas na Tabela 3).

[00203] Em algumas modalidades, o alelo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos uma sequência de nucleotídeos que codifica uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica à sequência de aminoácidos apresentada em uma ou mais das SEQ ID NOs: 351 até 525 (como descritas na Tabela 3).

[00204] Em algumas modalidades, o alelo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos uma das SEQ ID NOs: 526 até 613 (como descritas na Tabela 9).

[00205] Em algumas modalidades, o alelo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos uma sequência de nucleotídeos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a uma ou mais das SEQ ID NOs: 526 até 613 (como descritas na Tabela 9).

[00206] Em algumas modalidades, o alelo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos uma sequência de nucleotídeos que hibridiza especificamente com a sequência de nucleotídeos de uma ou mais das SEQ ID NOs: 526 até 613 (como descritas na Tabela 9) sob condições de hibridização estridentes.

[00207] Em algumas modalidades, o alelo de interesse compreende,

consiste essencialmente de ou consiste de um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos cerca de 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25, 30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95, 100, 110, 120, 130, 140 ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2.

[00208] Em modalidades, o alelo de interesse compreende um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 8. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador compreende pelo menos cerca de 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17 ou mais de, ou todos os 18 alelos desejados descritos na Tabela 8.

[00209] Em modalidades, o alelo de interesse compreende um ou mais dos alelos desejados:

(a) no cromossomo 5 (QTL 5.1 e/ou QTL 5.2) como descrito na Tabela 8;

(b) no cromossomo 3 como descrito na Tabela 8;

(c) no cromossomo 7 como descrito na Tabela 8;

(d) no cromossomo 10 como descrito na Tabela 8;

(e) nos cromossomos 3 e 5 como descritos na Tabela 8;

(f) nos cromossomos 5 e 7 como descritos na Tabela 8;

(g) nos cromossomos 3, 5 e 7 como descritos na Tabela 8;

(h) nos cromossomos 5 e 10 como descritos na Tabela 8;

(i) nos cromossomos 3, 5 e 10 como descritos na Tabela 8; ou

(j) qualquer combinação de (a) até (i).

[00210] Em modalidades, o alelo de interesse compreende um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 10. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador compreende pelo menos cerca de 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25 ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 10.

[00211] Em algumas modalidades, o alelo de interesse compreende,

consiste essencialmente de ou consiste do complemento reverso de um dos alelos de interesse descritos aqui.

[00212] Em algumas modalidades, o alelo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um fragmento informativo de um dos alelos de interesse descritos aqui.

[00213] Em algumas modalidades, o alelo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um fragmento informativo do complemento reverso de um dos alelos de interesse descritos aqui.

[00214] Em algumas modalidades, o alelo de interesse não está no contexto genético natural da planta de milho (por exemplo, não ocorre naturalmente na linhagem ou variedade de milho, e foi aí introduzido por intervenção humana).

[00215] Em algumas modalidades, o haplótipo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de sequências de ácidos nucleicos derivadas de germoplasma de milho NP2222. Por exemplo, o haplótipo de interesse pode compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um ou mais (ou dois ou mais) dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1, em que o segmento cromossômico é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico ao(s) segmento(s) correspondente(s) de germoplasma de milho NP2222. Em algumas de tais modalidades, o haplótipo de interesse compreende uma ou mais sequências de ácidos nucleicos é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico a um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 12768 (por exemplo, segmentos cromossômicos 3, 13, 25, 506, 7514, 7546, 12747, 12753, 12760–12761 e/ou 12767–12768) de germoplasma de milho NP2222.

[00216] Em algumas modalidades, o haplótipo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de sequências de ácidos nucleicos derivadas de germoplasma de milho NP2660. Por

exemplo, o haplótipo de interesse pode compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um ou mais (ou dois ou mais) dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1, em que o segmento cromossômico é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico ao(s) segmento(s) correspondente(s) de germoplasma de milho NP2660. Em algumas de tais modalidades, o haplótipo de interesse compreende uma ou mais sequências de ácidos nucleicos é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico a um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 12743 e/ou um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12768 (por exemplo, segmentos cromossômicos 3, 13, 25, 506, 7514, 7546, 12747, 12753, 12760–12761 e/ou 12767–12768) de germoplasma de milho NP2660.

[00217] Em algumas modalidades, o haplótipo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de sequências de ácidos nucleicos derivadas de germoplasma de milho NP2276. Por exemplo, o haplótipo de interesse pode compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um ou mais (ou dois ou mais) dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1, em que o segmento cromossômico é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico ao(s) segmento(s) correspondente(s) de germoplasma de milho NP2276. Em algumas de tais modalidades, o haplótipo de interesse compreende uma ou mais sequências de ácidos nucleicos é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico ao segmento cromossômico 1, um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12743 e/ou um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12768 (por exemplo, segmentos cromossômicos 13, 506, 7514, 7546 e/ou 12760–12761) de germoplasma de milho NP2276.

[00218] Em algumas modalidades, o haplótipo de interesse

compreende, consiste essencialmente de, ou consiste de sequências de ácidos nucleicos derivadas de germoplasma de milho ID3461. Por exemplo, o haplótipo de interesse pode compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um ou mais (ou dois ou mais) dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1, em que o segmento cromossômico é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico ao(s) segmento(s) correspondente(s) de germoplasma de milho ID3461. Em algumas de tais modalidades, o haplótipo de interesse compreende uma ou mais sequências de ácidos nucleicos é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico a um ou mais dos segmentos cromossômicos 1 até 17 (por exemplo, segmentos cromossômicos 1 e/ou 13) de germoplasma de milho ID3461.

[00219] Em modalidades, o haplótipo de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma ou mais sequências de ácidos nucleicos derivadas de uma linhagem na Tabela 11.

[00220] Em algumas modalidades, o haplótipo de interesse compreende uma ou mais das sequências de ácidos nucleicos apresentadas nas SEQ ID NOs: 1 até 350 (como descritas na Tabela 3).

[00221] Em algumas modalidades, o haplótipo de interesse compreende uma ou mais (ou duas ou mais) sequências de nucleotídeos que é/são pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idênticas a uma ou mais das SEQ ID NOs: 1 até 350 (como descritas na Tabela 3).

[00222] Em algumas modalidades, o haplótipo de interesse compreende uma ou mais (ou duas ou mais) sequências de nucleotídeos que hibridizam especificamente com a sequência de nucleotídeos de uma ou mais das SEQ ID NOs: 1 até 350 (como

descritas na Tabela 3) sob condições de hibridização estringentes.

[00223] Em algumas modalidades, o haplótipo de interesse compreende uma ou mais (ou duas ou mais) sequências de nucleotídeos codificando a sequência de aminoácidos apresentada em uma ou mais das SEQ ID NOs: 351 até 525 (como descritas na Tabela 3).

[00224] Em algumas modalidades, o haplótipo de interesse compreende uma ou mais (ou duas ou mais) sequências de nucleotídeos codificando uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica à sequência de aminoácidos apresentada em uma ou mais das SEQ ID NOs: 351 até 525 (como descritas na Tabela 3).

[00225] Em algumas modalidades, o haplótipo de interesse compreende uma ou mais (ou duas ou mais) das sequências de ácidos nucleicos apresentadas nas SEQ ID NOs: 526 até 613 (como descritas na Tabela 9).

[00226] Em algumas modalidades, o haplótipo de interesse compreende uma ou mais (ou duas ou mais) sequências de nucleotídeos que é/são pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idênticas a uma ou mais das SEQ ID NOs: 526 até 613 (como descritas na Tabela 9).

[00227] Em algumas modalidades, o haplótipo de interesse compreende uma ou mais (ou duas ou mais) sequências de nucleotídeos que hibridizam especificamente com a sequência de nucleotídeos de uma ou mais das SEQ ID NOs: 526 até 613 (como descritas na Tabela 9) sob condições de hibridização estringentes.

[00228] Em algumas modalidades, o haplótipo de interesse compreende um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2. Por exemplo, em algumas modalidades, o haplótipo de interesse



compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos cerca de 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25, 30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95, 100, 110, 120, 130, 140 ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2.

[00229] Em modalidades, o haplótipo de interesse compreende um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 8. Por exemplo, em algumas modalidades, o haplótipo de interesse compreende pelo menos cerca de 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17 ou mais de, ou todos os 18 alelos desejados descritos na Tabela 8.

[00230] Em modalidades, o haplótipo de interesse compreende um ou mais (ou dois ou mais) do(s) alelo(s) desejado(s):

(a) no cromossomo 5 (QTL 5.1 e/ou QTL 5.2) como descrito na Tabela 8;

(b) no cromossomo 3 como descrito na Tabela 8;

(c) no cromossomo 7 como descrito na Tabela 8;

(d) no cromossomo 10 como descrito na Tabela 8;

(e) nos cromossomos 3 e 5 como descritos na Tabela 8;

(f) nos cromossomos 5 e 7 como descritos na Tabela 8;

(g) nos cromossomos 3, 5 e 7 como descritos na Tabela 8;

(h) nos cromossomos 5 e 10 como descritos na Tabela 8;

(i) nos cromossomos 3, 5 e 10 como descritos na Tabela 8; ou

(j) qualquer combinação de (a) até (i).

[00231] Em modalidades, o haplótipo de interesse compreende um ou mais (ou dois ou mais) dos alelos desejados descritos na Tabela 10. Por exemplo, em algumas modalidades, o haplótipo de interesse compreende pelo menos cerca de 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25 ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 10.

[00232] Em algumas modalidades, o haplótipo de interesse compreende o complemento reverso de um ou mais (ou dois ou mais) dos alelos de interesse descritos aqui. Por exemplo, em algumas

modalidades, pelo menos um alelo de interesse em um haplótipo de interesse está presente como descrito aqui, enquanto pelo menos um outro alelo de interesse no haplótipo de interesse está presente como o complemento reverso do(s) alelo(s) descrito(s) aqui.

[00233] Em algumas modalidades, o haplótipo de interesse compreende um fragmento informativo de um ou mais (ou dois ou mais) dos alelos de interesse descritos aqui. Por exemplo, em algumas modalidades, pelo menos um alelo de interesse em um haplótipo de interesse está presente como descrito aqui, enquanto pelo menos um outro alelo de interesse no haplótipo de interesse está presente como um fragmento informativo do(s) alelo(s) descrito(s) aqui.

[00234] Em algumas modalidades, o haplótipo de interesse compreende um fragmento informativo do complemento reverso de um ou mais (ou dois ou mais) dos alelos de interesse descritos aqui. Por exemplo, em algumas modalidades, pelo menos um alelo de interesse em um haplótipo de interesse está presente como descrito aqui, enquanto pelo menos um outro alelo de interesse no haplótipo de interesse está presente como um fragmento informativo do complemento reverso do(s) alelo(s) descrito(s) aqui.

[00235] Em algumas modalidades, a molécula de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos uma das SEQ ID NOs: 351 até 525 (como descritas na Tabela 3).

[00236] Em algumas modalidades, a molécula de interesse compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a uma ou mais das SEQ ID NOs: 351 até 525 (como descritas na Tabela 3).

[00237] Em algumas modalidades, a molécula de interesse não está no proteoma natural da planta de milho (por exemplo, não ocorre

naturalmente na linhagem ou variedade de milho, e foi aí introduzida por intervenção humana).

[00238] Em algumas modalidades, o alelo/haplótipo/molécula de interesse está associado a produção de pólen aumentada por planta, produção de pólen aumentada por pendão, produção de pólen aumentada por antera, morfologia do pólen melhorada, produção de anteras aumentada por planta, produção de anteras aumentada por pendão, morfologia das anteras melhorada, produção de pendões aumentada por planta, morfologia dos pendões melhorada, fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida) sob condições de estresse (por exemplo, condições de seca), fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida) sob temperaturas diurnas elevadas, fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida) sob temperaturas noturnas elevadas e/ou fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida) sob condições compreendendo um grande diferencial entre temperaturas diurnas e temperaturas noturnas.

[00239] Marcadores e plantas e partes de plantas de ocorrência não natural da presente invenção podem compreender qualquer número adequado de alelos, haplótipos e/ou moléculas de interesse como descrito aqui.

[00240] Em algumas modalidades, o marcador/planta ou parte de planta de ocorrência não natural compreende pelo menos 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25, 30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95, 100, 110, 120, 130, 140 ou mais alelos, haplótipos e/ou moléculas de interesse associados a fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida) como descrito aqui. Por exemplo, em algumas de tais modalidades, o marcador/planta ou parte de planta de ocorrência não natural compreende pelo menos 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25, 30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65,

70, 75, 80, 85, 90, 95, 100, 110, 120, 130, 140 ou mais alelos, haplótipos, moléculas de interesse (como descrito aqui) associados a produção de pólen aumentada, produção de pólen aumentada por pendão, produção de pólen aumentada por antera, morfologia do pólen melhorada, produção de anteras aumentada por planta, produção de anteras aumentada por pendão, morfologia das anteras melhorada, produção de pendões aumentada por planta, morfologia dos pendões melhorada, fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida) sob condições de estresse (por exemplo, condições de seca), fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida) sob temperaturas diurnas elevadas, fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida) sob temperaturas noturnas elevadas e/ou fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida) sob condições compreendendo um grande diferencial entre temperaturas diurnas e temperaturas noturnas.

[00241] Plantas de ocorrência não natural da presente invenção podem compreender qualquer proteína inseticida adequada, incluindo, mas não se limitando a proteínas Vip3.

[00242] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de ocorrência não natural compreende um ou mais ácidos nucleicos codificando uma proteína Vip3. Por exemplo, em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de ocorrência não natural compreende o evento de milho MIR162, opcionalmente em um estado hemizigótico ou homozigótico. Em modalidades, a planta ou parte de planta de ocorrência não natural é uma linhagem endogâmica (por exemplo, uma linhagem endogâmica masculina) ou uma linhagem dupla haploide. Em modalidades, a planta ou parte de planta de ocorrência não natural provém de uma linhagem de milho de elite. Em modalidades, a planta ou parte de planta de ocorrência não natural provém de uma planta ou parte de planta cultivada. Em algumas modalidades, a planta ou parte

de planta de ocorrência não natural compreende uma ou mais sequências de nucleotídeos Vip apresentadas pelos Números de Acesso proporcionados na Tabela 4

<b>Nome</b>	<b>Nº de Acesso da GenBank</b>	<b>Nº de Acesso da GenBank</b>	<b>Publicação(ões)</b>
Vip3Aa1	L48811	AAC37036	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa2	L48812	AAC37037	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa3			Patente U.S. No. 6,137,033; Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa4		AAR81079	Patente U.S. No. 6,656,908; Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa5		AAR81080	Patente U.S. No. 6,656,908; Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa6		AAR81081	Patente U.S. No. 6,656,908; Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa7	AY044227	AAK95326	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa8	AF399667	AAK97481	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa9	Y17158	CAA76665	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa10	AF373030	AAN60738	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa11	AY489126	AAR36859	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa12	AF500478	AAM22456	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa13	AY074706	AAL69542	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993

<b>Nome</b>	<b>Nº de Acesso da GenBank</b>	<b>Nº de Acesso da GenBank</b>	<b>Publicação(ões)</b>
Vip3Aa14	AF548629	AAQ12340	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa15	AY295778	AAP51131	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa16	AY739665	AAW65132	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa17			Patente dos EUA N.º 6.603.063
Vip3Aa18	AY945939	AAX49395	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa19	DQ241674	ABB72459	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa19	DQ539887	ABG20428	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa20	DQ539888	ABG20429	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa21	DQ426899	ABD84410	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa22	DQ016968	AAAY41427	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa23	DQ016969	AAAY41428	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa24	EF432794	ABO20895	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa25	EF608501	ABR22260	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa26	EU294496	ABX90027	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa27	EU332167	ABY51679	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa28	FJ494817	ACR15110	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa29	FJ626674	ACV04598	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993

<b>Nome</b>	<b>Nº de Acesso da GenBank</b>	<b>Nº de Acesso da GenBank</b>	<b>Publicação(ões)</b>
Vip3Aa30	FJ626675	ACV04599	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa31	FJ626676	ACV04600	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa32	FJ626677	ACV04601	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa33	GU073128	ACY38212	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa34	GU073129	ACY38213	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa35	GU733921	ADE06071	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa36	GU951510	ADF43020	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa37	HM132041	ADJ18213	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa38	HM117632	AEH31411	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa39	HM117631	AEH31410	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa40	HM132042	ADJ18214	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa41	HM132043	ADJ18215	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa42	HQ587048	ADQ73634	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa43	HQ594534	ADY76643	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Aa44	HQ650163	ADW66453	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Ab1		AAR40284	Patente U.S. No. 6,603,063; Publ. de Patente Internacional No. WO2013015993



Nome	Nº de Acesso da		Publicação(ões)
	GenBank	GenBank	
Vip3Ab2	DQ054848	AAY88247	Publicação de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Ac1			Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Ad1			Pub. De Patente U.S. No. 2004/0128716; Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Ad2	AJ872071	CAI43276	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Ae1	AJ872072	CAI43277	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Af1	AJ872070	CAI43275	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Af2		ADN08753	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Af3	HM117634	AEH31413	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Af4			Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Af5			Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Ag1		ADN08758	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Ag2	FJ556803	ACL97352	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Ag3	HM117633	AEH31412	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Ag4	HQ414237	ADZ46177	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Ag5	HQ542193	ADY76642	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993

<b>Nome</b>	<b>Nº de Acesso da GenBank</b>	<b>Nº de Acesso da GenBank</b>	<b>Publicação(ões)</b>
Vip3Ah1	DQ832323	ABH10614	Pub. de Patente Internacional No. WO2013015993
Vip3Ba1	AY823271	AAV70653	
Vip3Bb1		ADN08760	
Vip3Bb2	EF439819	ABO30520	
Tipo Vip3B	HM016910	ADI48120	

[00243] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de ocorrência não natural compreende pelo menos uma sequência de nucleotídeos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a uma ou mais das sequências de nucleotídeos Vip apresentadas pelos números de acesso proporcionados na Tabela 4.

[00244] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de ocorrência não natural compreende pelo menos uma sequência de nucleotídeos que hibridiza especificamente com a sequência de nucleotídeos de uma ou mais das sequências de nucleotídeos Vip apresentadas pelos números de acesso proporcionados na Tabela 4 sob condições de hibridização estringentes.

[00245] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de ocorrência não natural compreende pelo menos uma sequência de nucleotídeos que codifica a sequência de aminoácidos apresentada em uma ou mais das sequências de nucleotídeos Vip apresentadas pelos números de acesso proporcionados na Tabela 4.

[00246] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de ocorrência não natural compreende pelo menos uma sequência de nucleotídeos que codifica uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica à sequência de aminoácidos apresentada em uma ou mais das sequências de nucleotídeos Vip apresentadas pelos números de acesso proporcionados na Tabela 4.

[00247] A presente invenção também proporciona ácidos nucleicos de ocorrência não natural. Como usado aqui relativamente a ácidos nucleicos, o termo "de ocorrência não natural" se refere a ácidos nucleicos que não existem naturalmente na natureza. Em algumas modalidades, um ácido nucleico de ocorrência não natural não existe naturalmente na natureza porque não está no contexto genético da

célula/organismo onde reside naturalmente. Isto é, o ácido nucleico de ocorrência não natural está substancialmente modificado, por intervenção humana deliberada, relativamente à sua forma nativa no que se refere à composição (por exemplo, compreendido em um cassete de expressão heterólogo/recombinante com uma ou mais sequências promotoras, sequências de íntron e/ou sequências de terminação heterólogas) e/ou está localizado em um locus genômico não nativo. Assim, plantas, e partes de plantas de ocorrência não natural da presente invenção podem compreender uma ou mais sequências de nucleotídeos exógenas ou heterólogas e/ou uma ou mais cópias de ocorrência não natural de uma sequência de nucleotídeos de ocorrência natural (isto é, cópias estranhas de um gene que ocorre naturalmente nessa espécie). Em algumas modalidades, as moléculas de ácidos nucleicos de ocorrência não natural da invenção podem compreender qualquer(qualquer) variação(ões) adequada(s) das suas correspondentes mais próximas de ocorrência natural. Por exemplo, moléculas de ácidos nucleicos de ocorrência não natural da presente invenção podem compreender uma sequência de nucleotídeos de outro modo de ocorrência natural tendo uma ou mais mutações pontuais, inserções ou deleções relativamente à sequência de nucleotídeos de ocorrência natural.

[00248] Ácidos nucleicos de ocorrência não natural da presente invenção podem compreender qualquer marcador/alelo de interesse adequado, incluindo, mas não se limitando a, os descritos aqui.

[00249] Em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, o ácido nucleico de ocorrência não natural pode compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, dentro do segmento

cromossômico 7514).

[00250] Em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma ou mais sequências de ácidos nucleicos derivadas de germoplasma de milho NP2222. Por exemplo, o ácido nucleico de ocorrência não natural pode compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1, em que o segmento cromossômico é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico ao(s) segmento(s) correspondente(s) de germoplasma de milho NP2222. Em algumas de tais modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 12768 (por exemplo, segmentos cromossômicos 3, 13, 25, 506, 7514, 7546, 12747, 12753, 12760–12761 e/ou 12767–12768) de germoplasma de milho NP2222, o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo, ou um fragmento informativo do seu complemento reverso.

[00251] Em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma ou mais sequências de ácidos nucleicos derivadas de germoplasma de milho NP2660. Por exemplo, o ácido nucleico de ocorrência não natural pode compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1, em que o segmento cromossômico é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico ao(s) segmento(s) correspondente(s) de germoplasma de milho NP2660. Em algumas de tais modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 12743 e/ou um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12768 (por

exemplo, segmentos cromossômicos 3, 13, 25, 506, 7514, 7546, 12747, 12753, 12760–12761 e/ou 12767–12768) de germoplasma de milho NP2660, o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo, ou um fragmento informativo do seu complemento reverso.

[00252] Em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma ou mais sequências de ácidos nucleicos derivadas de germoplasma de milho NP2276. Por exemplo, o ácido nucleico de ocorrência não natural pode compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1, em que o segmento cromossômico é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico ao(s) segmento(s) correspondente(s) de germoplasma de milho NP2276. Em algumas de tais modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende, consiste essencialmente de ou consiste do segmento cromossômico 1, um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12743 e/ou um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12768 (por exemplo, segmentos cromossômicos 13, 506, 7514, 7546 e/ou 12760–12761) de germoplasma de milho NP2276, o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo, ou um fragmento informativo do seu complemento reverso.

[00253] Em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma ou mais sequências de ácidos nucleicos derivadas de germoplasma de milho ID3461. Por exemplo, o ácido nucleico de ocorrência não natural pode compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1, em que o segmento cromossômico é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais

idêntico ao(s) segmento(s) correspondente(s) de germoplasma de milho ID3461. Em algumas de tais modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um ou mais dos segmentos cromossômicos 1 até 17 (por exemplo, segmentos cromossômicos 1 e/ou 13) de germoplasma de milho ID3461, o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo, ou um fragmento informativo do seu complemento reverso.

[00254] Em modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma ou mais sequências de ácidos nucleicos derivadas de uma linhagem na Tabela 11.

[00255] Em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma ou mais sequências de nucleotídeos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico a uma ou mais das sequências de nucleotídeos apresentadas nas SEQ ID NOs: 1 até 350 e polipeptídeos Vip (como descritos nas Tabelas 3 e 4), o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo, ou um fragmento informativo do seu complemento reverso.

[00256] Em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos uma sequência de nucleotídeos que codifica uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica à sequência de aminoácidos apresentada em uma ou mais das SEQ ID NOs: 351 até 525 (como descritas na Tabela 3).

[00257] Em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2. Por exemplo, em algumas modalidades, a sequência de ácido nucleico isolada compreende 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15,

20, 25, 30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95, 100, 110, 120, 130, 140 ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2.

[00258] Em modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 8. Por exemplo, em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende pelo menos cerca de 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17 ou mais de, ou todos os 18 alelos desejados descritos na Tabela 8.

[00259] Em modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende um ou mais dos alelos desejados:

(a) no cromossomo 5 (QTL 5.1 e/ou QTL 5.2) como descrito na Tabela 8;

(b) no cromossomo 3 como descrito na Tabela 8;

(c) no cromossomo 7 como descrito na Tabela 8;

(d) no cromossomo 10 como descrito na Tabela 8;

(e) nos cromossomos 3 e 5 como descritos na Tabela 8;

(f) nos cromossomos 5 e 7 como descritos na Tabela 8;

(g) nos cromossomos 3, 5 e 7 como descritos na Tabela 8;

(h) nos cromossomos 5 e 10 como descritos na Tabela 8;

(i) nos cromossomos 3, 5 e 10 como descritos na Tabela 8; ou

(j) qualquer combinação de (a) até (i).

[00260] Em modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 10. Por exemplo, em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25 ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 10.

[00261] Em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende códons específicos para expressão em plantas.

[00262] Em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência



não natural é um ácido nucleico isolado.

[00263] Em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende uma ou mais frações detectáveis, como digoxigenina, fluoresceína, éster de acridina, biotina, fosfatase alcalina, peroxidase de rábano-silvestre,  $\beta$ -glucuronidase,  $\beta$ -galactosidase, luciferase, ferritina ou um isótopo radioativo. Ver, por exemplo, Prober et al. Science 238:336-340 (1987); Patentes Europeias Nos. 144914 e 119448; e Patentes U.S. Nos. 4,582,789 e 4,563,417.

[00264] Ácidos nucleicos de ocorrência não natural da presente invenção podem compreender qualquer(qualsquer) transgene(s) adequado(s), incluindo, mas não se limitando a, transgenes que codificam produtos genéticos que proporcionam resistência a herbicidas, resistência a pragas (por exemplo, um transgene *Vip3*) e/ou resistência a doenças.

[00265] Em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende um ou mais transgenes codificando um produto genético que proporciona resistência a um ou mais herbicidas. Por exemplo, o ácido nucleico de ocorrência não natural pode compreender um transgene que codifica um produto genético que proporciona resistência ao glifosato, sulfonilureia, imidazolinona, dicamba, glufisinato, ácido fenoxi propriônico, ciclohexoma, traizina, benzonitrila, e/ou broxinil.

[00266] Em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural compreende um ou mais transgenes codificando um produto genético que proporciona resistência a uma ou mais pragas. Por exemplo, o ácido nucleico de ocorrência não natural pode compreender um transgene que codifica um produto genético que proporciona resistência bacteriana, fúngica, a gastrópodes, insetos, nematódeos, oomicetos, fitoplasma, protozoários, e/ou viral.

[00267] Em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência

não natural compreende um ou mais transgenes codificando um produto genético que proporciona resistência a uma ou mais doenças.

[00268] Ácidos nucleicos de ocorrência não natural da presente invenção podem compreender qualquer número adequado de ácidos nucleicos. Em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural tem 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17, 18, 19, 20, 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95, 100, 125, 150, 175, 200, 225, 250, 275, 300, 325, 350, 375, 400, 450, 500 ou mais nucleotídeos de comprimento. Em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural tem menos do que cerca de 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17, 18, 19, 20, 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95, 100, 125, 150, 175, 200, 225, 250, 275, 300, 325, 350, 375, 400, 450 ou 500 nucleotídeos de comprimento. Em algumas modalidades, o ácido nucleico de ocorrência não natural tem cerca de 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17, 18, 19, 20, 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95, 100, 125, 150, 175, 200, 225, 250, 275, 300, 325, 350, 375, 400, 450 ou 500 nucleotídeos de comprimento.

[00269] A presente invenção também proporciona cassetes de expressão compreendendo um ou mais ácidos nucleicos de ocorrência não natural da presente invenção. Em algumas modalidades, o cassete de expressão compreende um ácido nucleico codificando um polipeptídeo que confere pelo menos uma propriedade (por exemplo, resistência a um agente de seleção) que pode ser usada para detectar, identificar ou selecionar células e tecidos de plantas transformados.

[00270] A presente invenção também proporciona vetores compreendendo um ou mais ácidos nucleicos de ocorrência não natural e/ou cassetes de expressão da presente invenção.

[00271] A presente invenção também se estende a composições

compreendendo ácidos nucleicos de ocorrência não natural, cassetes de expressão e/ou vetores da presente invenção.

[00272] A presente invenção estende-se a usos de ácidos nucleicos de ocorrência não natural, cassetes de expressão e vetores da presente invenção, incluindo, mas não se limitando a, métodos para identificar, selecionar e/ou produzir plantas de milho férteis; prever se e/ou em que extensão uma planta de milho será fértil; reduzir os custos associados a programas de melhoramento e/ou produção de sementes; e/ou aumentar a eficiência de programas de melhoramento e/ou produção de sementes.

[00273] A presente invenção também proporciona iniciadores para amplificar sequências de ácidos nucleicos compreendendo um ou mais marcadores associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais marcadores da presente invenção).

[00274] Iniciadores da presente invenção podem compreender qualquer sequência de ácido nucleico útil para amplificar um ou mais marcadores associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais marcadores da presente invenção).

[00275] Em algumas modalidades, o iniciador compreende sequências de ácidos nucleicos úteis para amplificar um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, em algumas modalidades, o par de iniciadores compreende sequências de nucleotídeos úteis para amplificar um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, segmento cromossômico 7514).

[00276] A presente invenção estende-se a composições compreendendo iniciadores da presente invenção. Em algumas modalidades, a composição compreende um par de iniciadores, em que cada um dos iniciadores é um iniciador da presente invenção.

[00277] A presente invenção também proporciona produtos de

amplificação compreendendo um ou mais marcadores/alelos associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais marcadores/alelos associados a fertilidade masculina acrescida).

[00278] Produtos de amplificação da presente invenção podem ser derivados de qualquer(qualsquer) segmento(s) cromossômico(s) adequado(s).

[00279] Em algumas modalidades, o produto de amplificação é derivado de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, em algumas modalidades, o produto de amplificação é derivado de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, segmento cromossômico 7514).

[00280] Produtos de amplificação da presente invenção podem compreender qualquer(qualsquer) alelo(s) de interesse adequado(s).

[00281] Em algumas modalidades, o produto de amplificação compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma ou mais sequências de ácidos nucleicos derivadas de germoplasma de milho NP2222. Por exemplo, o produto de amplificação pode compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1 (por exemplo, segmentos cromossômicos 3, 13, 25, 506, 7514, 7546, 12747, 12753, 12760–12761 e/ou 12767–12768), em que o segmento cromossômico é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico ao(s) segmento(s) correspondente(s) de germoplasma de milho NP2222.

[00282] Em algumas modalidades, o produto de amplificação compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma ou mais sequências de ácidos nucleicos derivadas de germoplasma de milho NP2660. Por exemplo, o produto de amplificação pode compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1 (por exemplo, segmentos

cromossômicos 3, 13, 25, 506, 7514, 7546, 12747, 12753, 12760–12761 e/ou 12767–12768), em que o segmento cromossômico é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico ao(s) segmento(s) correspondente(s) de germoplasma de milho NP2660.

[00283] Em algumas modalidades, o produto de amplificação compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma ou mais sequências de ácidos nucleicos derivadas de germoplasma de milho NP2276. Por exemplo, o produto de amplificação pode compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1 (por exemplo, segmentos cromossômicos 1, 182, 184, 10230, 10259 e/ou 10276–10277), em que o segmento cromossômico é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico ao(s) segmento(s) correspondente(s) de germoplasma de milho NP2276.

[00284] Em algumas modalidades, o produto de amplificação compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma ou mais sequências de ácidos nucleicos derivadas de germoplasma de milho ID3461. Por exemplo, o produto de amplificação pode compreender, consistir essencialmente de ou consistir de um ou mais dos segmentos cromossômicos 1 até 17 descritos na Tabela 1 (por exemplo, segmentos cromossômicos 1 e/ou 13), em que o segmento cromossômico é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico ao(s) segmento(s) correspondente(s) de germoplasma de milho ID3461.

[00285] Em modalidades, o produto de amplificação compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma ou mais sequências de ácidos nucleicos derivadas de uma linhagem na Tabela 11.

[00286] Em algumas modalidades, o produto de amplificação compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos

uma sequência de nucleotídeos das SEQ ID NOs: 1 até 350, o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo, ou um fragmento informativo do seu complemento reverso.

[00287] Em algumas modalidades, o produto de amplificação compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos uma sequência de nucleotídeos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a uma ou mais das SEQ ID NOs: 1 até 350, o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo ou um fragmento informativo do seu complemento reverso.

[00288] Em algumas modalidades, o produto de amplificação compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos uma sequência de nucleotídeos que hibridiza especificamente com a sequência de nucleotídeos de uma ou mais das SEQ ID NOs: 1 até 350, o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo ou um fragmento informativo do seu complemento reverso sob condições de hibridização estridentes.

[00289] Em algumas modalidades, o produto de amplificação compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos uma sequência de nucleotídeos que codifica a sequência de aminoácidos apresentada em uma ou mais das SEQ ID NOs: 351 até 525 (como descritas na Tabela 3).

[00290] Em algumas modalidades, o produto de amplificação compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos uma sequência de nucleotídeos que codifica uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica à sequência de aminoácidos apresentada em uma ou mais das SEQ ID NOs: 351 até 525 (como descritas na Tabela 3).

[00291] Em algumas modalidades, o produto de amplificação

compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos uma das SEQ ID NOs: 526 até 613 (como descritas na Tabela 9), o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo ou um fragmento informativo do seu complemento reverso.

[00292] Em algumas modalidades, o produto de amplificação compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos uma sequência de nucleotídeos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a uma ou mais das SEQ ID NOs: 526 até 613 (como descritas na Tabela 9), o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo ou um fragmento informativo do seu complemento reverso.

[00293] Em algumas modalidades, o produto de amplificação compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos uma sequência de nucleotídeos que hibridiza especificamente com a sequência de nucleotídeos de uma ou mais das SEQ ID NOs: 526 até 613 (como descritas na Tabela 9), o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo ou um fragmento informativo do seu complemento reverso sob condições de hibridização estringentes.

[00294] Em algumas modalidades, o produto de amplificação compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2 ou o seu complemento reverso. Por exemplo, em algumas modalidades, o produto de amplificação compreende, consiste essencialmente de ou consiste de pelo menos cerca de 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25, 30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95, 100, 110, 120, 130, 140 ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2.

[00295] Em modalidades, o produto de amplificação compreende um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 8. Por exemplo, em algumas modalidades, o produto de amplificação compreende pelo menos cerca de 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17 ou

mais de, ou todos os 18 alelos desejados descritos na Tabela 8.

[00296] Em modalidades, o produto de amplificação compreende um ou mais dos alelos desejados:

(a) no cromossomo 5 (QTL 5.1 e/ou QTL 5.2) como descrito na Tabela 8;

(b) no cromossomo 3 como descrito na Tabela 8;

(c) no cromossomo 7 como descrito na Tabela 8;

(d) no cromossomo 10 como descrito na Tabela 8;

(e) nos cromossomos 3 e 5 como descritos na Tabela 8;

(f) nos cromossomos 5 e 7 como descritos na Tabela 8;

(g) nos cromossomos 3, 5 e 7 como descritos na Tabela 8;

(h) nos cromossomos 5 e 10 como descritos na Tabela 8;

(i) nos cromossomos 3, 5 e 10 como descritos na Tabela 8; ou

(j) qualquer combinação de (a) até (i).

[00297] Em algumas modalidades, o produto de amplificação compreende um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 10. Por exemplo, em algumas modalidades, o produto de amplificação compreende pelo menos cerca de 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25 ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 10.

[00298] Em algumas modalidades, o produto de amplificação compreende uma ou mais frações detectáveis, como digoxigenina, fluoresceína, éster de acridina, biotina, fosfatase alcalina, peroxidase de rábano-silvestre,  $\beta$ -glucuronidase,  $\beta$ -galactosidase, luciferase, ferritina ou um isótopo radioativo. Ver, por exemplo, Prober et al. Science 238:336-340 (1987); Patentes Europeias Nos. 144914 e 119448; e Patentes U.S. Nos. 4,582,789 e 4,563,417.

[00299] Produtos de amplificação da presente invenção podem ser derivados usando quaisquer iniciadores adequados.

[00300] Produtos de amplificação da presente invenção podem ser gerados usando qualquer(quaisquer) técnica(s) adequada(s), incluindo,



mas não se limitando a, reação em cadeia de polimerase (PCR) (por exemplo, Mullis et al. Cold Spring Harbor Symp. Quant. Biol. 51:263-273 (1986); Patentes Europeias Nos. 50,424; 84,796; 258,017; 237,362 e 201,184; Patentes U.S. Nos. 4,683,202; 4,582,788 e 4,683,194).

[00301] A presente invenção também proporciona sondas marcadoras isoladas e purificadas (como descritas na Tabela 9).

[00302] Sondas marcadoras (como descritas na Tabela 9) da presente invenção podem ser dirigidas contra qualquer(qualsquer) alelo(s), haplótipo(s) e/ou molécula(s) de interesse adequado(s).

[00303] Em algumas modalidades, a sonda marcadora é dirigida contra um segmento cromossômico de germoplasma de milho NP2222. Por exemplo, a sonda marcadora pode ser dirigida contra um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 12768 como descritos na Tabela 1 (por exemplo, segmentos cromossômicos 3, 13, 25, 506, 7514, 7546, 12747, 12753, 12760–12761 e/ou 12767–12768) de germoplasma de milho NP2222, o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo ou um fragmento informativo do seu complemento reverso.

[00304] Em algumas modalidades, a sonda marcadora é dirigida contra um segmento cromossômico de germoplasma de milho NP2660. Por exemplo, a sonda marcadora pode ser dirigida contra um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 12743 e/ou um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12768 (como descritos na Tabela 1; por exemplo, segmentos cromossômicos 3, 13, 25, 506, 7514, 7546, 12747, 12753, 12760–12761 e/ou 12767–12768) de germoplasma de milho NP2660, o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo ou um fragmento informativo do seu complemento reverso.

[00305] Em algumas modalidades, a sonda marcadora é dirigida contra um segmento cromossômico de germoplasma de milho NP2276. Por exemplo, a sonda marcadora pode ser dirigida contra o segmento cromossômico 1 como descrito na Tabela 1, um ou mais dos segmentos

cromossômicos 46 até 12743 e/ou um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12768 (por exemplo, segmentos cromossômicos 13, 506, 7514, 7546 e/ou 12760–12761) de germoplasma de milho NP2276, o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo ou um fragmento informativo do seu complemento reverso. Em algumas modalidades, a sonda marcadora é dirigida contra um segmento cromossômico de germoplasma de milho ID3461. Por exemplo, a sonda marcadora pode ser dirigida contra um ou mais dos segmentos cromossômicos 1 até 17 da Tabela 1 (por exemplo, segmentos cromossômicos 1 e/ou 13) de germoplasma de milho ID3461, o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo ou um fragmento informativo do seu complemento reverso.

[00306] Em modalidades, a sonda marcadora é dirigida contra um segmento cromossômico de uma linhagem na Tabela 11, por exemplo, a sonda marcadora pode ser dirigida contra um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1, o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo ou um fragmento informativo do seu complemento reverso.

[00307] Em algumas modalidades, a sonda marcadora é dirigida contra uma sequência de nucleotídeos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a uma ou mais das sequências de nucleotídeos apresentadas nas SEQ ID NOs: 1 até 350 como descritas na Tabela 3 e nos números de acesso de VIP descritos na Tabela 4, o seu complemento reverso, ou um seu fragmento informativo.

[00308] Em algumas modalidades, a sonda marcadora é dirigida contra uma ou mais sequências de nucleotídeos que codificam uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a uma ou mais das sequências de aminoácidos apresentadas nas SEQ ID Nos:

351 até 525 (como descritas na Tabela 3), o seu complemento reverso, ou um seu fragmento informativo.

[00309] Em algumas modalidades, a sonda marcadora é dirigida contra uma sequência de nucleotídeos que compreende um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2. Por exemplo, em algumas modalidades, a sonda marcadora é dirigida contra uma sequência de nucleotídeos que compreende 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25, 30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95, 100, 110, 120, 130, 140 ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2.

[00310] Em modalidades, a sonda marcadora é dirigida contra uma sequência de nucleotídeos que compreende um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 8. Por exemplo, em algumas modalidades, a sonda marcadora é dirigida contra uma sequência de nucleotídeos que compreende pelo menos cerca de 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17 ou mais de, ou todos os 18 alelos desejados descritos na Tabela 8 (*ver*, por exemplo, as sondas exemplificativas descritas na Tabela 9).

[00311] Em modalidades, a sonda marcadora é dirigida contra uma sequência de nucleotídeos que compreende um ou mais dos alelos desejados:

- (a) no cromossomo 5 (QTL 5.1 e/ou QTL 5.2) como descrito na Tabela 8;
- (b) no cromossomo 3 como descrito na Tabela 8;
- (c) no cromossomo 7 como descrito na Tabela 8;
- (d) no cromossomo 10 como descrito na Tabela 8;
- (e) nos cromossomos 3 e 5 como descritos na Tabela 8;
- (f) nos cromossomos 5 e 7 como descritos na Tabela 8;
- (g) nos cromossomos 3, 5 e 7 como descritos na Tabela 8;
- (h) nos cromossomos 5 e 10 como descritos na Tabela 8;
- (i) nos cromossomos 3, 5 e 10 como descritos na Tabela 8; ou

(j) qualquer combinação de (a) até (i).

[00312] Em algumas modalidades, a sonda marcadora é dirigida contra uma sequência de nucleotídeos que compreende um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 10. Por exemplo, em algumas modalidades, a sonda marcadora é dirigida contra uma sequência de nucleotídeos que compreende 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25 ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 10.

[00313] Em algumas modalidades, a sonda marcadora é dirigida contra uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a uma ou mais das sequências de aminoácidos apresentadas nas SEQ ID Nos: 351 até 525 (como descritas na Tabela 3) ou um seu fragmento informativo.

[00314] Em algumas modalidades, a sonda marcadora compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a um segmento cromossômico de NP2222, o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo ou um fragmento informativo do seu complemento reverso. Em algumas de tais modalidades, o segmento cromossômico compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 12768, como descritos na Tabela 1 (por exemplo, segmentos cromossômicos 3, 13, 25, 506, 7514, 7546, 12747, 12753, 12760–12761 e/ou 12767–12768).

[00315] Em algumas modalidades, a sonda marcadora compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a um segmento cromossômico de NP2660, o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo ou um fragmento informativo do seu

complemento reverso. Em algumas de tais modalidades, o segmento cromossômico compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 12743 e/ou um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12768, como descritos na Tabela 1 (por exemplo, segmentos cromossômicos 3, 13, 25, 506, 7514, 7546, 12747, 12753, 12760–12761 e/ou 12767–12768).

[00316] Em algumas modalidades, a sonda marcadora compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a um segmento cromossômico de NP2276, o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo ou um fragmento informativo do seu complemento reverso. Em algumas de tais modalidades, o segmento cromossômico compreende, consiste essencialmente de ou consiste do segmento cromossômico 1, um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12743 e/ou um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12768, como descritos na Tabela 1 (por exemplo, segmentos cromossômicos 13, 506, 7514, 7546 e/ou 12760–12761).

[00317] Em algumas modalidades, a sonda marcadora compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a um segmento cromossômico de ID3461, o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo ou um fragmento informativo do seu complemento reverso. Em algumas de tais modalidades, o segmento cromossômico compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um ou mais dos segmentos cromossômicos 1 até 17 como descritos na Tabela 1 (por exemplo, segmentos cromossômicos 1 e/ou 13).

[00318] Por exemplo, a sonda marcadora pode ser dirigida contra um ou mais dos segmentos cromossômicos 1 até 17 como descritos na

Tabela 1 (por exemplo, segmentos cromossômicos 1 e/ou 13) de germoplasma de milho ID3461, o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo ou um fragmento informativo do seu complemento reverso.

[00319] Em modalidades, a sonda marcadora é dirigida contra um ou mais segmentos cromossômicos de uma linhagem na Tabela 11.

[00320] Em algumas modalidades, a sonda marcadora compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a uma ou mais das SEQ ID NOs: 1 até 350, o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo ou um fragmento informativo do seu complemento reverso.

[00321] Em algumas modalidades, a sonda marcadora compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma sequência de nucleotídeos que codifica uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica à sequência de aminoácidos apresentada em uma ou mais das SEQ ID NOs: 351 até 525 (como descritas na Tabela 3).

[00322] Em algumas modalidades, a sonda marcadora compreende, consiste essencialmente de ou consiste de uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a uma ou mais das SEQ ID NOs: 526 até 613 (como descritas na Tabela 9), o seu complemento reverso, um seu fragmento informativo ou um fragmento informativo do seu complemento reverso.

[00323] Em algumas modalidades, a sonda marcadora compreende uma ou mais frações detectáveis, como digoxigenina, fluoresceína, éster de acridina, biotina, fosfatase alcalina, peroxidase de rábano-silvestre,  $\beta$ -glucuronidase,  $\beta$ -galactosidase, luciferase, ferritina ou um

isótopo radioativo. Ver, por exemplo, Prober et al. Science 238:336-340 (1987); Patentes Europeias Nos. 144914 e 119448; e Patentes U.S. Nos. 4,582,789 e 4,563,417.

[00324] A presente invenção também proporciona métodos para identificar, selecionar e/ou produzir plantas e partes de plantas de milho tendo fertilidade acrescida ou uma ou mais características associadas a fertilidade acrescida (por exemplo, uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida); métodos de previsão da fertilidade (por exemplo, fertilidade masculina) em plantas e partes de plantas de milho; métodos de melhoramento; métodos de redução dos custos associados a um programa de melhoramento e/ou produção de sementes; e métodos de melhoria da produção de sementes ou pólen em uma planta de milho (por exemplo, aumento da contagem de pólen por antera, pendão e/ou planta).

[00325] Os métodos da invenção podem ser praticados usando um ou mais de qualquer um dos marcadores, alelos, haplótipos, moléculas de interesse e/ou ácidos nucleicos de ocorrência não natural descritos aqui.

[00326] Métodos de identificação de plantas e partes de plantas de milho tendo fertilidade acrescida ou uma ou mais características associadas a fertilidade acrescida podem compreender, consistir essencialmente de ou consistir de detecção de um ou mais marcadores associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais marcadores da presente invenção como descrito aqui) em uma planta ou parte de planta de milho (por exemplo, um germoplasma milho ou um produto de amplificação de um germoplasma de milho).

[00327] Métodos de seleção de plantas e partes de plantas de milho tendo fertilidade acrescida ou uma ou mais características associadas a fertilidade acrescida podem compreender, consistir essencialmente de ou consistir de detecção de um ou mais marcadores associados a

fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais marcadores da presente invenção como descrito aqui) em uma planta ou parte de planta de milho (por exemplo, um germoplasma de milho ou um produto de amplificação de um germoplasma de milho) e seleção da referida planta ou parte de planta de milho com base na presença do(s) referido(s) marcador(es).

[00328] Métodos de previsão da fertilidade (por exemplo, fertilidade masculina) em plantas e partes de plantas de milho podem compreender, consistir essencialmente de ou consistir de detecção da presença de um ou mais marcadores associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais marcadores da presente invenção) em uma planta ou parte de planta de milho (por exemplo, um germoplasma de milho ou um produto de amplificação de um germoplasma de milho). Em algumas modalidades, a presença do(s) referido(s) marcador(es) no genoma da referida planta ou parte de planta de milho está associada a um aumento de pelo menos cerca de 5 %, 10 %, 15 %, 20 %, 25 %, 30 %, 35 %, 40 %, 45 %, 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 100 %, 110 %, 120 %, 130 %, 140 %, 150 %, 160 %, 170 %, 180 %, 190 %, 200 %, 225 %, 250 %, 275 %, 300 % ou mais na proporção entre plantas funcionalmente férteis e plantas inférteis. Por exemplo, em algumas modalidades, a presença do(s) referido(s) marcador(es) no genoma de uma planta ou parte de planta de milho indica ser provável que a referida planta ou parte de planta de milho exiba produção de pólen aumentada, produção de pólen aumentada por antera, morfologia do pólen melhorada, produção de anteras aumentada, produção de anteras aumentada por pendão, morfologia das anteras melhorada, produção de pendões aumentada, morfologia dos pendões melhorada, produção de cabelos aumentada, morfologia dos cabelos melhorada, produção de cabelos aumentada por planta, contagem de grãos aumentada, morfologia dos grãos melhorada, produção de grãos aumentada por espiga, prevalência decrescida de



aborto de grãos, produção de grãos aumentada por planta, viabilidade dos grãos aumentada, fertilidade acrescida sob condições de estresse (por exemplo, condições de seca), fertilidade acrescida sob temperaturas diurnas elevadas e/ou fertilidade acrescida sob temperaturas noturnas elevadas em comparação com uma planta de controle (por exemplo, um ou seus dois progenitores, uma linhagem quase isogênica que está desprovida de uma sequência codificante de proteína Vip3, etc.).

[00329] Em modalidades dos métodos descritos aqui, uma planta ou sua parte (ou um antepassado ou planta da progenitura ou sua parte) é submetida a fenotipagem para confirmar o estado de fertilidade (por exemplo, o estado de fertilidade masculina) ou a presença de características associadas a fertilidade.

[00330] Métodos de melhoramento da presente invenção podem compreender, consistir essencialmente de ou consistir de:

(a) detecção de um ou mais marcadores associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais marcadores da presente invenção) em uma planta ou parte de planta de milho (por exemplo, um germoplasma de milho ou um produto de amplificação de um germoplasma de milho) e seleção da referida planta ou parte de planta de milho para inclusão em um programa de melhoramento com base na presença do(s) referido(s) marcador(es); e/ou

(b) detecção da ausência de um ou mais marcadores associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais marcadores da presente invenção) em uma planta ou parte de planta de milho (por exemplo, um germoplasma de milho ou um produto de amplificação de um germoplasma de milho) e exclusão da referida planta ou parte de planta de milho de um programa de melhoramento com base na ausência do(s) referido(s) marcador(es).

[00331] Em modalidades do método de (a), o método compreende

adicionalmente cruzar a planta de milho (ou um seu antepassado, progenitura ou irmão) com uma segunda planta de milho que está opcionalmente desprovida do marcador para produzir uma planta de milho da progenitura, que opcionalmente compreende o marcador. Os peritos na técnica apreciarão que, no caso de uma linhagem endogâmica, o termo "cruzar a planta de milho" ou "cruzar a planta de milho selecionada" podem referir-se a um progenitor, irmão ou planta da progenitura idêntico ou essencialmente idêntico (por exemplo, pelo menos 95 % geneticamente idêntico).

[00332] Opcionalmente, o método compreende adicionalmente fenotipagem da planta ou parte de planta de milho (ou um antepassado ou planta da progenitura ou sua parte) para confirmar o estado de fertilidade (por exemplo, o estado de fertilidade masculina) ou a presença de características associadas a fertilidade.

[00333] Plantas e partes de plantas de milho selecionadas para inclusão no programa de melhoramento podem ser usadas para produzir uma ou mais gerações de progenitura fértil. Em algumas modalidades, cada geração das plantas da progenitura compreende plantas e partes de plantas de milho substancial e/ou completamente férteis.

[00334] A invenção também abrange métodos para produzir uma planta tendo uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida. Em modalidades, o método compreende: selecionar de uma população diversificada de plantas de milho uma planta de milho compreendendo um marcador, alelo, haplótipo, região genômica, e similares associado a fertilidade masculina acrescida como descrito aqui; e cruzar a planta de milho (ou um seu antepassado, progenitura ou irmão) com si mesma ou com uma segunda planta de milho para produzir uma planta da progenitura compreendendo o marcador/alelo/haplótipo/região genômica, desse modo produzindo

uma planta tendo uma ou mais características associadas a fertilidade masculina acrescida. Em modalidades, a segunda planta de milho não compreende o marcador/alelo/haplótipo/região genômica. Em modalidades, o marcador/alelo/haplótipo/região genômica é detectado em ácido nucleico da primeira planta de milho e/ou planta da progenitura (por exemplo, em um produto de amplificação de uma amostra de ácido nucleico da planta de milho e/ou progenitura). Opcionalmente, o método compreende adicionalmente fenotipagem da planta ou parte de planta de milho (ou um antepassado ou planta da progenitura ou sua parte) para confirmar o estado de fertilidade (por exemplo, o estado de fertilidade masculina) ou a presença de características associadas a fertilidade.

[00335] Em modalidades, métodos de aumento da produção de sementes ou redução dos custos associados a um programa de melhoramento e/ou produção de sementes compreendem, consistem essencialmente de, ou consistem de:

(a) detecção de um ou mais marcadores associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais marcadores da presente invenção) em uma planta ou parte de planta de milho (por exemplo, um germoplasma de milho ou um produto de amplificação de um germoplasma de milho) e seleção da referida planta ou parte de planta de milho para inclusão no programa de melhoramento e/ou produção de sementes com base na presença do(s) referido(s) marcador(es); e/ou

(b) detecção da ausência de um ou mais marcadores associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais marcadores da presente invenção) em uma planta ou parte de planta de milho (por exemplo, um germoplasma de milho ou um produto de amplificação de um germoplasma de milho) e exclusão da referida planta ou parte de planta de milho do programa de melhoramento e/ou produção de sementes com base na ausência do(s) referido(s)

marcador(es).

[00336] Opcionalmente, o método compreende adicionalmente fenotipagem da planta ou parte de planta de milho (ou um antepassado ou planta da progenitura ou sua parte) para confirmar o estado de fertilidade (por exemplo, o estado de fertilidade masculina) ou a presença de características associadas a fertilidade.

[00337] Plantas e partes de plantas de milho selecionadas para inclusão no programa de melhoramento e/ou produção de sementes podem ser usadas para produzir uma ou mais gerações de progenitura fértil. Em algumas modalidades, cada geração das plantas da progenitura compreende plantas e partes de plantas de milho substancial e/ou completamente férteis.

[00338] Métodos de produção de plantas e partes de plantas de milho tendo fertilidade acrescida ou uma ou mais características associadas a fertilidade acrescida podem compreender, consistir essencialmente de ou consistir de:

(a) detecção de um ou mais marcadores associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais marcadores da presente invenção) em uma planta ou parte de planta de milho (por exemplo, um germoplasma de milho ou um produto de amplificação de um germoplasma de milho) e produção de uma planta de milho a partir da referida planta ou parte de planta de milho;

(b) introdução de um ácido nucleico compreendendo um ou mais alelos associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais alelos associados a fertilidade masculina acrescida) no genoma de uma planta ou parte de planta de milho e produção de uma planta de milho a partir da referida planta ou parte de planta de milho;

(c) introdução de um ácido nucleico compreendendo um ou mais alelos associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais alelos associados a fertilidade masculina acrescida) no genoma de uma

planta ou parte de planta de milho, detecção do(s) referido(s) alelo(s) na referida planta ou parte de planta de milho (por detecção do(s) referido(s) alelo(s) ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta ou parte de planta de milho, por exemplo) e produção de uma planta de milho a partir da referida planta ou parte de planta de milho;

(d) introdução de um ácido nucleico compreendendo um ou mais alelos associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais alelos associados a fertilidade masculina acrescida) no genoma de uma parte de planta de milho ou parte de planta, detecção de um ou mais marcadores ligados ao(s) referido(s) alelo(s) na referida parte de planta de milho ou parte de planta (por detecção do(s) referido(s) marcador(es) ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta ou parte de planta de milho, por exemplo) e produção de uma planta de milho a partir da referida planta ou parte de planta de milho;

(e) introdução de uma região genômica compreendendo um ou mais transgenes associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais transgenes associados a fertilidade masculina acrescida) no genoma de uma planta ou parte de planta de milho e produção de uma planta de milho a partir da referida planta ou parte de planta de milho;

(f) introdução de uma região genômica compreendendo um ou mais transgenes associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais transgenes associados a fertilidade masculina acrescida) no genoma de uma planta ou parte de planta de milho, detecção da referida região genômica na referida planta ou parte de planta de milho (por detecção do(s) referido(s) transgene(s) ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta ou parte de planta de milho, por exemplo) e produção de uma planta de milho a partir da referida planta ou parte de planta de milho; e/ou

(g) introdução de uma região genômica compreendendo um ou mais transgenes associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais transgenes associados a fertilidade masculina acrescida) no genoma de uma parte de planta de milho ou parte de planta, detecção de um ou mais marcadores ligados à referida região genômica na referida parte de planta de milho ou parte de planta (por detecção do(s) referido(s) marcador(es) ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta ou parte de planta de milho, por exemplo) e produção de uma planta de milho a partir da referida planta ou parte de planta de milho.

[00339] Opcionalmente, o método compreende adicionalmente fenotipagem da planta ou parte de planta de milho (ou um antepassado ou planta da progenitura ou sua parte) para confirmar o estado de fertilidade (por exemplo, o estado de fertilidade masculina) ou a presença de características associadas a fertilidade.

[00340] Métodos para melhorar a produção de pólen em uma planta de milho (por exemplo, por aumento da contagem de pólen por antera, pendão e/ou planta) podem compreender, consistir essencialmente de ou consistir de:

(a) introdução de um ácido nucleico compreendendo um ou mais alelos associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais alelos associados a fertilidade masculina acrescida) no genoma de uma planta de milho e, opcionalmente, detecção do(s) referido(s) alelo(s) na referida planta de milho (por detecção do(s) referido(s) alelo(s) ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta de milho, por exemplo).

(b) introdução de um ácido nucleico compreendendo um ou mais alelos associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais alelos associados a fertilidade masculina acrescida) no genoma de uma planta de milho e, opcionalmente, detecção de um ou mais marcadores

ligados ao(s) referido(s) alelo(s) na referida planta de milho (por detecção do(s) referido(s) marcador(es) ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida parte de planta de milho, por exemplo);

(c) introdução de um ácido nucleico compreendendo um ou mais alelos associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais alelos associados a fertilidade masculina acrescida) no genoma de uma parte de planta de milho e produção de uma planta de milho a partir da referida parte de planta de milho;

(d) introdução de um ácido nucleico compreendendo um ou mais alelos associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais alelos associados a fertilidade masculina acrescida) no genoma de uma planta ou parte de planta de milho, detecção do(s) referido(s) alelo(s) na referida planta ou parte de planta de milho (por detecção do(s) referido(s) alelo(s) ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta ou parte de planta de milho, por exemplo) e produção de uma planta de milho a partir da referida planta ou parte de planta de milho;

(e) introdução de um ácido nucleico compreendendo um ou mais alelos associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais alelos associados a fertilidade masculina acrescida) no genoma de uma planta ou parte de planta de milho, detecção de um ou mais marcadores ligados ao(s) referido(s) alelo(s) na referida planta ou parte de planta de milho (por detecção do(s) referido(s) marcador(es) ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta ou parte de planta de milho, por exemplo) e produção de uma planta de milho a partir da referida planta ou parte de planta de milho;

(f) introdução de uma região genômica compreendendo um ou mais transgenes associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais transgenes associados a fertilidade masculina acrescida) no

genoma de uma planta ou parte de planta de milho e produção de uma planta de milho a partir da referida planta ou parte de planta de milho;

(g) introdução de uma região genômica compreendendo um ou mais transgenes associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais transgenes associados a fertilidade masculina acrescida) no genoma de uma planta ou parte de planta de milho, detecção da referida região genômica na referida planta ou parte de planta de milho (por detecção do(s) referido(s) transgene(s) ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta ou parte de planta de milho, por exemplo) e produção de uma planta de milho a partir da referida planta ou parte de planta de milho; e/ou

(h) introdução de uma região genômica compreendendo um ou mais transgenes associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais transgenes associados a fertilidade masculina acrescida) no genoma de uma parte de planta de milho ou parte de planta, detecção de um ou mais marcadores ligados à referida região genômica na referida parte de planta de milho ou parte de planta (por detecção do(s) referido(s) marcador(es) ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta ou parte de planta de milho, por exemplo) e produção de uma planta de milho a partir da referida planta ou parte de planta de milho.

[00341] Opcionalmente, o método compreende adicionalmente fenotipagem da planta ou parte de planta de milho (ou um antepassado ou planta da progenitura ou sua parte) para confirmar o estado de fertilidade (por exemplo, o estado de fertilidade masculina) ou a presença de características associadas a fertilidade.

[00342] A invenção contempla adicionalmente um método para melhorar a produção de sementes de uma planta de milho, compreendendo: cruzar uma primeira planta de milho com uma segunda planta de milho, em que a primeira planta de milho compreende dentro



do seu genoma um marcador associado a fertilidade masculina acrescida, e em que o referido marcador está localizado dentro de um ou mais dos intervalos cromossômicos descritos na Tabela 1, para produzir uma planta de milho da progenitura compreendendo o referido marcador; e usar uma planta de milho da progenitura compreendendo o referido marcador como um polinizador (macho) em um cruzamento com si mesma ou com uma segunda planta de milho que atua como um progenitor de sementes (fêmea), desse modo melhorando a produção de sementes do cruzamento em comparação com um cruzamento de controle adequado (por exemplo, uma autofecundação ou cruzamento com a planta da progenitura desprovida do marcador associado a fertilidade acrescida). Em modalidades, a segunda planta de milho está desprovida do marcador. Em modalidades exemplificativas, o método reduz a proporção entre plantas de milho progenitoras polinizadoras e progenitoras de sementes requerida para a produção de sementes em pelo menos cerca de 25 % em comparação com um cruzamento de controle adequado. Em modalidades, o método aumenta o número de sementes produzidas por planta progenitora polinizadora e/ou planta progenitora de sementes em pelo menos cerca de 25 %.

[00343] Opcionalmente, o método compreende adicionalmente fenotipagem da primeira planta de milho e/ou da planta da progenitura (ou um antepassado ou planta da progenitura ou sua parte) para confirmar o estado de fertilidade (por exemplo, o estado de fertilidade masculina) ou a presença de características associadas a fertilidade.

[00344] Marcadores para uso com os métodos da invenção podem incluir qualquer um ou mais marcadores adequados como descrito aqui.

[00345] Marcadores associados a fertilidade (por exemplo, fertilidade masculina) acrescida podem ser detectados usando qualquer sonda marcadora adequada como descrito aqui.

[00346] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando

uma sonda desenhada para detectar um alelo de interesse localizado dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar um alelo de interesse localizado dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, dentro do segmento cromossômico 7514).

[00347] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar dois ou mais alelos localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar dois ou mais alelos localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um haplótipo compreendendo dois ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514).

[00348] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar alelos localizados em segmentos cromossômicos distintos, em que cada um dos segmentos cromossômicos distintos compreende um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador é detectado usando sondas desenhadas para detectar:

- 1) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 1;

- 2) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou

mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados no cromossomo 2;

3) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3);

4) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 18 até 45 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 25);

5) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12744 até 12749 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12747);

6) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12750 até 12755 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12753);

7) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou

mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12756;

8) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12762 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12760 e/ou segmento cromossômico 12761);

9) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12763 até 12768 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12768);

10) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514), um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3), um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 18 até 45 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 25) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12763 até 12768 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico

12768);

11) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 1;

12) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados no cromossomo 2;

13) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 18 até 45 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 25);

14) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12744 até 12749 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12747);

15) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12750 até 12755 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12753);

16) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12756;

17) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12762 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12760 e/ou segmento cromossômico 12761);

18) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12763 até 12768 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12768);

19) um ou mais alelos de interesse localizados no cromossomo 2, um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3), um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 10266 até 10271 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 10269) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12756.

[00349] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar um ou mais segmentos

cromossômicos derivados de germoplasma de milho NP2222 (por exemplo, germoplasma de milho NP2222AC), em que os referidos um ou mais segmentos cromossômicos compreendem, consistem essencialmente de ou consistem de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 12768 (por exemplo, segmentos cromossômicos 3, 13, 25, 506, 7514, 7546, 12747, 12753, 12760–12761 e/ou 12767–12768) derivados de germoplasma de milho NP2222.

[00350] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar um ou mais segmentos cromossômicos derivados de germoplasma de milho NP2660 (por exemplo, germoplasma de milho NP2660AC NIL-2343, NP2660AC NIL-3338 ou NP2660AC NIL-3367), em que os referidos um ou mais segmentos cromossômicos compreendem, consistem essencialmente de ou consistem de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 12743 e/ou um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12768 (por exemplo, segmentos cromossômicos 3, 13, 25, 506, 7514, 7546, 12747, 12753, 12760–12761 e/ou 12767–12768) derivados de germoplasma de milho NP2660.

[00351] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar um ou mais segmentos cromossômicos derivados de germoplasma de milho NP2276 (por exemplo, germoplasma de milho NP2276AC NIL), em que os referidos um ou mais segmentos cromossômicos compreendem, consistem essencialmente de ou consistem de um ou mais dos segmentos

cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar o segmento cromossômico 1, um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12743 e/ou um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12768 (por exemplo, segmentos cromossômicos 13, 506, 7514, 7546 e/ou 12760–12761) derivados de germoplasma de milho NP2276.

[00352] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar um ou mais segmentos cromossômicos derivados de germoplasma de milho ID3461, em que os referidos um ou mais segmentos cromossômicos compreendem, consistem essencialmente de ou consistem de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar um ou mais dos segmentos cromossômicos 1 até 17 (por exemplo, segmentos cromossômicos 1 e/ou 13) derivados de germoplasma de milho ID3461.

[00353] Em modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar um ou mais segmentos cromossômicos derivados de uma linhagem na Tabela 11.

[00354] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar pelo menos uma das SEQ ID NOs: 1 até 350 (como descritas na Tabela 3).

[00355] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar qualquer sequência de nucleotídeos que seja pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a uma ou mais das SEQ ID NOs: 1 até 350 (como descritas na Tabela 3).

[00356] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar qualquer sequência de



nucleotídeos que hibridize especificamente com a sequência de nucleotídeos de uma ou mais das SEQ ID NOs: 1 até 350 (como descritas na Tabela 3) sob condições de hibridização estringentes. Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar qualquer sequência de nucleotídeos que codifique a sequência de aminoácidos apresentada em uma ou mais das SEQ ID NOs: 351 até 525 (como descritas na Tabela 3).

[00357] Em algumas modalidades o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar qualquer sequência de nucleotídeos que codifique uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica à sequência de aminoácidos apresentada em uma ou mais das SEQ ID NOs: 351 até 525 (como descritas na Tabela 3).

[00358] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar pelo menos uma das SEQ ID NOs: 526 até 613 (como descritas na Tabela 9).

[00359] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar qualquer sequência de nucleotídeos que seja pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a uma ou mais das SEQ ID NOs: 526 até 613 (como descritas na Tabela 9).

[00360] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar qualquer sequência de nucleotídeos que hibridize especificamente com a sequência de nucleotídeos de uma ou mais das SEQ ID NOs: 526 até 613 (como descritas na Tabela 9) sob condições de hibridização estringentes.

[00361] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2. Por exemplo, em algumas modalidades, o

marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25, 30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95, 100, 110, 120, 130, 140 ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2.

[00362] Em modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 8. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar pelo menos cerca de 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17 ou mais de, ou todos os 18 alelos desejados descritos na Tabela 8 (ver, por exemplo, as sondas exemplificativas descritas na Tabela 9).

[00363] Em modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar um ou mais dos alelos desejados:

(a) no cromossomo 5 (QTL 5.1 e/ou QTL 5.2) como descrito na Tabela 8;

(b) no cromossomo 3 como descrito na Tabela 8;

(c) no cromossomo 7 como descrito na Tabela 8;

(d) no cromossomo 10 como descrito na Tabela 8;

(e) nos cromossomos 3 e 5 como descritos na Tabela 8;

(f) nos cromossomos 5 e 7 como descritos na Tabela 8;

(g) nos cromossomos 3, 5 e 7 como descritos na Tabela 8;

(h) nos cromossomos 5 e 10 como descritos na Tabela 8;

(i) nos cromossomos 3, 5 e 10 como descritos na Tabela 8; ou

(j) qualquer combinação de (a) até (i).

[00364] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 10. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25 ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 10.

[00365] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar o complemento reverso de um de um marcador como descrito aqui.

[00366] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar um fragmento informativo de um dos marcadores como descrito aqui.

[00367] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar um marcador ligado a um ou mais dos marcadores descritos aqui. Isto é, o marcador pode ser detectado usando uma sonda desenhada para detectar um marcador que está em desequilíbrio de ligação com qualquer um dos marcadores descritos aqui.

[00368] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar um marcador localizado em cerca de 20 cM, 15 cM, 10 cM, 5 cM ou 1 cM ou menos de qualquer um dos marcadores descritos aqui. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar um ou mais marcadores localizados em cerca de 5 cM, 1 cM ou menos do segmento cromossômico 7514.

[00369] Marcadores associados a fertilidade acrescida podem ser detectados em qualquer parte de planta adequada, incluindo, mas não se limitando a, produtos de amplificação derivados de germoplasma de milho.

[00370] Marcadores associados a fertilidade acrescida podem ser detectados em qualquer produto de amplificação adequado, por exemplo, um produto de amplificação como descrito aqui.

[00371] Em algumas modalidades, o marcador é detectado em um produto de amplificação compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, em algumas modalidades, o

marcador pode ser detectado em um produto de amplificação compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de:

- (a) segmento cromossômico 1;
- (b) um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, dentro do segmento cromossômico 3);
- (c) um ou mais dos segmentos cromossômicos 18 até 45 (por exemplo, dentro do segmento cromossômico 25);
- (d) um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, dentro do segmento cromossômico 7514);
- (e) um ou mais dos segmentos cromossômicos 12744 até 12749 (por exemplo, dentro do segmento cromossômico 12747);
- (f) um ou mais dos segmentos cromossômicos 12750 até 12755 (por exemplo, dentro do segmento cromossômico 12753);
- (g) um ou mais do segmento cromossômico 12756;
- (h) um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12762 (por exemplo, dentro do segmento cromossômico 12760 e/ou segmento cromossômico 12761); ou
- (i) um ou mais dos segmentos cromossômicos 12763 até 12768 (por exemplo, dentro do segmento cromossômico 12768).

[00372] Em algumas modalidades, o marcador é detectado em um produto de amplificação compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de pelo menos uma das SEQ ID NOs: 1 até 350 (como descritas na Tabela 3).

[00373] Em algumas modalidades, o marcador é detectado em um produto de amplificação compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de uma sequência de nucleotídeos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a uma ou mais das SEQ ID NOs: 1 até 350 (como descritas na Tabela 3).

[00374] Em algumas modalidades, o marcador é detectado em um

produto de amplificação compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de uma sequência de nucleotídeos que hibridiza especificamente com a sequência de nucleotídeos de uma ou mais das SEQ ID NOs: 1 até 350 (como descritas na Tabela 3) sob condições de hibridização estridentes.

[00375] Em algumas modalidades, o marcador é detectado em um produto de amplificação compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de uma sequência de nucleotídeos que codifica a sequência de aminoácidos apresentada em uma ou mais das SEQ ID NOs: 351 até 525 (como descritas na Tabela 3).

[00376] Em algumas modalidades, o marcador é detectado em um produto de amplificação compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de uma sequência de nucleotídeos que codifica uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica à sequência de aminoácidos apresentada em uma ou mais das SEQ ID NOs: 351 até 525 (como descritas na Tabela 3).

[00377] Em algumas modalidades, o marcador é detectado usando uma sonda desenhada para detectar pelo menos uma das SEQ ID NOs: 526 até 613 (como descritas na Tabela 9).

[00378] Em algumas modalidades, o marcador é detectado em um produto de amplificação compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de uma sequência de nucleotídeos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a uma ou mais das SEQ ID NOs: 526 até 613 (como descritas na Tabela 9).

[00379] Em algumas modalidades, o marcador é detectado em um produto de amplificação compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de uma sequência de nucleotídeos que hibridiza especificamente com a sequência de nucleotídeos de uma ou mais das

SEQ ID NOs: 526 até 613 (como descritas na Tabela 9) sob condições de hibridização estringentes.

[00380] Em algumas modalidades, o marcador é detectado em um produto de amplificação compreendendo um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador é detectado em um produto de amplificação compreendendo 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25, 30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95, 100, 110, 120, 130, 140 ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2.

[00381] Em modalidades, o marcador é detectado em um produto de amplificação compreendendo um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 8. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador é detectado em um produto de amplificação compreendendo pelo menos cerca de 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17 ou mais de, ou todos os 18 alelos desejados descritos na Tabela 8 (*ver*, por exemplo, os iniciadores de amplificação e sondas exemplificativos descritos na Tabela 9).

[00382] Em modalidades, o marcador é detectado em um produto de amplificação compreendendo um ou mais dos alelos desejados:

- (a) no cromossomo 5 (QTL 5.1 e/ou QTL 5.2) como descrito na Tabela 8;
- (b) no cromossomo 3 como descrito na Tabela 8;
- (c) no cromossomo 7 como descrito na Tabela 8;
- (d) no cromossomo 10 como descrito na Tabela 8;
- (e) nos cromossomos 3 e 5 como descritos na Tabela 8;
- (f) nos cromossomos 5 e 7 como descritos na Tabela 8;
- (g) nos cromossomos 3, 5 e 7 como descritos na Tabela 8;
- (h) nos cromossomos 5 e 10 como descritos na Tabela 8;
- (i) nos cromossomos 3, 5 e 10 como descritos na Tabela 8; ou
- (j) qualquer combinação de (a) até (i).

[00383] Em algumas modalidades, o marcador é detectado em um produto de amplificação compreendendo um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 10. Por exemplo, em algumas modalidades, o marcador é detectado em um produto de amplificação compreendendo 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 20, 25 ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 10.

[00384] Alelos podem ser introduzidos dentro de plantas e partes de plantas de milho usando qualquer método adequado, incluindo, mas não se limitando a, cruzamento, transfecção, transdução, transformação ou fusão de protoplastos, técnica de duplo haploide, resgate de embriões, ou por qualquer outro sistema de transferência de ácidos nucleicos. Em algumas modalidades, um ou mais alelos associados a fertilidade acrescida é/são introduzido(s) no genoma de uma planta ou parte de planta de milho através de um programa de melhoramento compreendendo MAS usando um ou mais dos marcadores descritos aqui.

[00385] Assim, em algumas modalidades, métodos de produção de plantas e partes de plantas de milho tendo fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida) ou uma ou mais características associadas a fertilidade acrescida e/ou plantas e partes de plantas de milho compreendendo um ou mais alelos associados a fertilidade acrescida e métodos para melhorar produção de pólen podem compreender:

(a) cruzar uma primeira planta ou parte de planta de milho com uma segunda planta ou parte de planta de milho, em que a primeira planta ou parte de planta de milho compreende dentro do seu genoma um ou mais alelos associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais alelos associados a fertilidade masculina acrescida);

(b) cruzar uma primeira planta ou parte de planta de milho com uma segunda planta ou parte de planta de milho, em que a primeira

planta ou parte de planta de milho compreende dentro do seu genoma um ou mais haplótipos associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais alelos associados a fertilidade masculina acrescida);

(c) detectar a presença de um ou mais alelos associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais alelos associados a fertilidade masculina acrescida) em uma primeira planta ou parte de planta de milho (por detecção do(s) referido(s) alelo(s) ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta ou parte de planta de milho, por exemplo) e cruzar a primeira planta ou parte de planta de milho com uma segunda planta ou parte de planta de milho desprovida do(s) referido(s) alelo(s);

(d) detectar a presença de um ou mais haplótipos associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais haplótipos associados a fertilidade masculina acrescida) em uma primeira planta ou parte de planta de milho (por detecção do(s) referido(s) haplótipo(s) ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta ou parte de planta de milho, por exemplo) e cruzar a primeira planta ou parte de planta de milho com uma segunda planta ou parte de planta de milho desprovida do(s) referido(s) alelo(s);

(e) detectar a presença de um ou mais transgenes associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais transgenes associados a fertilidade masculina acrescida) em uma primeira planta ou parte de planta de milho (por detecção do(s) referido(s) transgene(s) ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta ou parte de planta de milho, por exemplo) e cruzar a primeira planta ou parte de planta de milho com uma segunda planta ou parte de planta de milho desprovida do(s) referido(s) marcador(es);

(f) detectar a presença de uma região genômica compreendendo um ou mais transgenes associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais transgenes associados a fertilidade



masculina acrescida) em uma primeira planta ou parte de planta de milho (por detecção da referida região genômica ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta ou parte de planta de milho, por exemplo) e cruzar a primeira planta ou parte de planta de milho com uma segunda planta ou parte de planta de milho desprovida da referida região genômica;

(g) detectar a presença de um ou mais marcadores associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais marcadores associados a fertilidade masculina acrescida) em uma primeira planta ou parte de planta de milho (por detecção do(s) referido(s) marcador(es) ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta ou parte de planta de milho, por exemplo) e cruzar a primeira planta ou parte de planta de milho com uma segunda planta ou parte de planta de milho desprovida do(s) referido(s) marcador(es);

(h) cruzar uma primeira planta ou parte de planta de milho compreendendo um ou mais alelos associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais alelos associados a fertilidade masculina acrescida) com uma segunda planta ou parte de planta de milho que está desprovida do(s) referido(s) alelo(s) e efetuar o retrocruzamento, por uma ou mais gerações, da progenitura compreendendo o(s) referido(s) alelo(s) com a referida segunda planta ou parte de planta de milho;

(i) detectar a presença de um ou mais alelos associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais alelos associados a fertilidade masculina acrescida) em uma primeira planta ou parte de planta de milho (por detecção do(s) referido(s) alelo(s) ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta ou parte de planta de milho, por exemplo), cruzar a primeira planta ou parte de planta de milho com uma segunda planta ou parte de planta de milho desprovida do(s) referido(s) alelo(s), e efetuar o retrocruzamento,

por uma ou mais gerações, da progenitura compreendendo o(s) referido(s) alelo(s) com a referida segunda planta ou parte de planta de milho;

(j) detectar a presença de um ou mais haplótipos associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais haplótipos associados a fertilidade masculina acrescida) em uma primeira planta ou parte de planta de milho (por detecção do(s) referido(s) haplótipo(s) ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta ou parte de planta de milho, por exemplo), cruzar a primeira planta ou parte de planta de milho com uma segunda planta ou parte de planta de milho desprovida do(s) referido(s) haplótipo(s), e efetuar o retrocruzamento, por uma ou mais gerações, da progenitura compreendendo o(s) referido(s) haplótipo(s) com a referida segunda planta ou parte de planta de milho;

(k) detectar a presença de um ou mais transgenes associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais transgenes associados a fertilidade masculina acrescida) em uma primeira planta ou parte de planta de milho (por detecção do(s) referido(s) transgene(s) ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta ou parte de planta de milho, por exemplo), cruzar a primeira planta ou parte de planta de milho com uma segunda planta ou parte de planta de milho desprovida do(s) referido(s) transgene(s), e efetuar o retrocruzamento, por uma ou mais gerações, da progenitura compreendendo o(s) referido(s) transgene(s) com a referida segunda planta ou parte de planta de milho; e/ou

(l) detectar a presença de uma região genômica compreendendo um ou mais transgenes associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais transgenes associados a fertilidade masculina acrescida) em uma primeira planta ou parte de planta de milho (por detecção da referida região genômica ou de um seu

fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta ou parte de planta de milho, por exemplo), cruzar a primeira planta ou parte de planta de milho com uma segunda planta ou parte de planta de milho desprovida da referida região genômica, e efetuar o retrocruzamento, por uma ou mais gerações, da progenitura compreendendo a referida região genômica com a referida segunda planta ou parte de planta de milho; e/ou

(m) detectar a presença de um ou mais marcadores associados a fertilidade acrescida (por exemplo, um ou mais marcadores associados a fertilidade masculina acrescida) em uma primeira planta ou parte de planta de milho (por detecção do(s) referido(s) marcador(es) ou de um seu fragmento informativo em um produto de amplificação da referida planta ou parte de planta de milho, por exemplo), cruzar a primeira planta ou parte de planta de milho com uma segunda planta ou parte de planta de milho desprovida do(s) referido(s) marcador(es), e efetuar o retrocruzamento, por uma ou mais gerações, da progenitura compreendendo o(s) referido(s) marcador(es) com a referida segunda planta ou parte de planta de milho.

[00386] Opcionalmente, o método compreende adicionalmente fenotipagem da planta ou parte de planta de milho (ou um antepassado ou planta da progenitura ou sua parte) para confirmar o estado de fertilidade (por exemplo, o estado de fertilidade masculina) ou a presença de características associadas a fertilidade.

[00387] Qualquer(qualsquer) alelo(s) adequado(s) pode(m) ser introduzido(s) na planta ou parte de planta de milho, incluindo, mas não se limitando a, qualquer um ou mais dos alelos descritos.

[00388] Em algumas modalidades, um ácido nucleico compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1 é introduzido na planta ou parte de planta de milho. Por exemplo, em

algumas modalidades, um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, segmento cromossômico 7514) são introduzidos na planta ou parte de planta de milho.

[00389] Em algumas modalidades, um ou mais haplótipos associados a fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida) são introduzidos na planta ou parte de planta de milho. O haplótipo pode incluir qualquer um de um ou mais dos haplótipos como descrito aqui. Em algumas de tais modalidades, o haplótipo compreende, consiste essencialmente de ou consiste de dois ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1 (por exemplo, um haplótipo compreendendo dois ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514). Em algumas de tais modalidades, o haplótipo compreende, consiste essencialmente de ou consiste de um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um primeiro segmento cromossômico e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um segundo segmento cromossômico diferente do primeiro segmento cromossômico, em que cada um dos primeiro e segundo segmentos cromossômicos compreende um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, o haplótipo pode compreender, consistir essencialmente de ou consistir de:

- 1) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 1;

- 2) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados no cromossomo 2;

3) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3);

4) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 18 até 45 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 25);

5) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12744 até 12749 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12747);

6) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12750 até 12755 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12753);

7) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico

7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12756;

8) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12762 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12760 e/ou segmento cromossômico 12761);

9) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12763 até 12768 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12768);

10) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12473 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 7514), um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3), um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 18 até 45 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 25) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12763 até 12768 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12768);

11) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou

mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 1;

12) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados no cromossomo 2;

13) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 18 até 45 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 25);

14) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12744 até 12749 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12747);

15) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12750 até 12755 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12753);

16) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais

alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12756;

17) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12762 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12760 e/ou segmento cromossômico 12761);

18) um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 12763 até 12768 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12768);

19) um ou mais alelos de interesse localizados no cromossomo 2, um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 17 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 3), um ou mais alelos de interesse localizados dentro de um ou mais dos segmentos cromossômicos 10266 até 10271 (por exemplo, um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 10269) e um ou mais alelos de interesse localizados dentro do segmento cromossômico 12756.

[00390] Em algumas modalidades, um ácido nucleico compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de um ou mais segmentos cromossômicos derivados de germoplasma de milho NP2222 é introduzido na planta ou parte de planta de milho, em



que os referidos um ou mais segmentos cromossômicos compreendem, consistem essencialmente de ou consistem de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, em algumas modalidades, um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 12768 (por exemplo, segmentos cromossômicos 3, 13, 25, 506, 7514, 7546, 12747, 12753, 12760–12761 e/ou 12767–12768) derivados de germoplasma de milho NP2222 são introduzidos na planta ou parte de planta de milho.

[00391] Em algumas modalidades, um ácido nucleico compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de um ou mais segmentos cromossômicos derivados de germoplasma de milho NP2660 é introduzido na planta ou parte de planta de milho, em que os referidos um ou mais segmentos cromossômicos compreendem, consistem essencialmente de ou consistem de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, em algumas modalidades, um ou mais dos segmentos cromossômicos 3 até 12743 e/ou um ou mais dos segmentos cromossômicos 12757 até 12768 (por exemplo, segmentos cromossômicos 3, 13, 25, 506, 7514, 7546, 12747, 12753, 12760–12761 e/ou 12767–12768) derivados de germoplasma de milho NP2660 são introduzidos na planta ou parte de planta de milho.

[00392] Em algumas modalidades, um ácido nucleico compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de um ou mais segmentos cromossômicos derivados de germoplasma de milho NP2276 é introduzido na planta ou parte de planta de milho, em que os referidos um ou mais segmentos cromossômicos compreendem, consistem essencialmente de ou consistem de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, em algumas modalidades, o segmento cromossômico 1, um ou mais dos segmentos cromossômicos 46 até 12743 e/ou um ou mais dos

segmentos cromossômicos 12757 até 12768 (por exemplo, segmentos cromossômicos 13, 506, 7514, 7546 e/ou 12760–12761) derivados de germoplasma de milho NP2276 são introduzidos na planta ou parte de planta de milho.

[00393] Em algumas modalidades, um ácido nucleico compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de um ou mais segmentos cromossômicos derivados de germoplasma de milho ID3461 é introduzido na planta ou parte de planta de milho, em que os referidos um ou mais segmentos cromossômicos compreendem, consistem essencialmente de ou consistem de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1. Por exemplo, em algumas modalidades, um ou mais dos segmentos cromossômicos 1 até 17 (por exemplo, segmentos cromossômicos 1 e/ou 13) derivados de germoplasma de milho ID3461 são introduzidos na planta ou parte de planta de milho.

[00394] Em algumas modalidades, um ácido nucleico compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de um ou mais segmentos cromossômicos derivados de uma linhagem de milho na Tabela 11 é introduzido na planta ou parte de planta de milho, em que os referidos um ou mais segmentos cromossômicos compreendem, consistem essencialmente de ou consistem de um ou mais dos segmentos cromossômicos descritos na Tabela 1.

[00395] Em algumas modalidades, um ou mais genes associados a fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida) são introduzidos na planta ou parte de planta de milho.

[00396] Em algumas modalidades, um ácido nucleico compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de pelo menos uma das sequências de nucleotídeos das SEQ ID NOs: 1 até 350 (como descritas na Tabela 3) é introduzido na planta ou parte de planta de milho.

[00397] Em algumas modalidades, um ácido nucleico compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de pelo menos uma sequência de nucleotídeos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a uma ou mais das SEQ ID NOs: 1 até 350 (como descritas na Tabela 3) é introduzido na planta ou parte de planta de milho.

[00398] Em algumas modalidades, um ácido nucleico compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de pelo menos uma sequência de nucleotídeos que hibridiza especificamente com a sequência de nucleotídeos de uma ou mais das SEQ ID NOs: 1 até 350 (como descritas na Tabela 3) sob condições de hibridização estridentes é introduzido na planta ou parte de planta de milho.

[00399] Em algumas modalidades, um ácido nucleico compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de pelo menos uma sequência de nucleotídeos que codifica a sequência de aminoácidos apresentada em uma ou mais das SEQ ID NOs: 351 até 525 (como descritas na Tabela 3) é introduzido na planta ou parte de planta de milho.

[00400] Em algumas modalidades, um ácido nucleico compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de pelo menos uma sequência de nucleotídeos que codifica uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica à sequência de aminoácidos apresentada em uma ou mais das SEQ ID NOs: 351 até 525 (como descritas na Tabela 3) é introduzido na planta ou parte de planta de milho.

[00401] Em algumas modalidades, um ácido nucleico compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 2 é introduzido na planta ou parte de planta de milho.

[00402] Em modalidades, um ácido nucleico compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo de um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 8 é introduzido na planta ou parte de planta de milho.

[00403] Em modalidades, um ácido nucleico é introduzido dentro de uma planta ou parte de planta de milho, em que o ácido nucleico compreende, consiste essencialmente de, ou consiste de um ou mais dos alelos desejados:

(a) no cromossomo 5 (QTL 5.1 e/ou QTL 5.2) como descrito na Tabela 8;

(b) no cromossomo 3 como descrito na Tabela 8;

(c) no cromossomo 7 como descrito na Tabela 8;

(d) no cromossomo 10 como descrito na Tabela 8;

(e) nos cromossomos 3 e 5 como descritos na Tabela 8;

(f) nos cromossomos 5 e 7 como descritos na Tabela 8;

(g) nos cromossomos 3, 5 e 7 como descritos na Tabela 8;

(h) nos cromossomos 5 e 10 como descritos na Tabela 8;

(i) nos cromossomos 3, 5 e 10 como descritos na Tabela 8; ou

(j) qualquer combinação de (a) até (i).

[00404] Em algumas modalidades, um ácido nucleico compreendendo um ou mais dos alelos desejados descritos na Tabela 10 é introduzido na planta ou parte de planta de milho.

[00405] Em algumas modalidades, um ácido nucleico compreendendo, consistindo essencialmente de, ou consistindo do complemento reverso de um dos ácidos nucleicos descritos aqui é introduzido na planta ou parte de planta de milho.

[00406] Em algumas modalidades, o ácido nucleico introduzido na planta ou parte de planta de milho não está no contexto genético natural da planta de milho (por exemplo, não ocorre naturalmente na linhagem ou variedade de milho, e foi aí introduzido por intervenção humana).

[00407] Nos métodos da invenção descritos aqui, o marcador, alelo e/ou haplótipo, e similares, é detectado em ácido nucleico (por exemplo, uma amostra de ácido nucleico) de planta ou parte de planta. Em modalidades, o marcador, alelo e/ou haplótipo, e similares, é detectado em um produto de amplificação de uma amostra de ácido nucleico da planta ou parte de planta.

[00408] Os métodos da invenção podem ser usados para melhoramento “forward” ou para introgressão de um ou mais locais genéticos associados a fertilidade acrescida em um novo contexto genético (por exemplo, para efetuar introgressão do traço dentro de uma linhagem de milho endogâmica de elite).

[00409] Métodos da presente invenção podem ser usados para aumentar a eficiência de um programa de melhoramento e/ou produção de sementes (por exemplo, produção de sementes de uma linhagem dupla haploide ou endogâmica) por redução do número de plantas masculinas requeridas para melhoramento e/ou produção de sementes, redução da proporção entre plantas masculinas e femininas requeridas para melhoramento e/ou produção de sementes, redução dos custos associados a melhoramento e/ou produção de sementes (por exemplo, o(s) custo(s) de terra e preparação de camas de sementes, plantação, aplicação de fertilizantes, controle de ervas daninhas, colheita e/ou realização de testes), aumento da produção de pólen (por exemplo, produção de pólen por antera/pendão/planta), melhoria da morfologia do pólen, aumento da viabilidade do pólen, aumento da produção de anteras (por exemplo, produção de anteras por pendão/planta), melhoria da morfologia das anteras, aumento da viabilidade das anteras, aumento da produção de pendões (por exemplo, produção de pendões por planta), melhoria da morfologia dos pendões, aumento da viabilidade dos pendões, aumento da produção de cabelos (por exemplo, produção de cabelos por espiga/planta), melhoria da

morfologia dos cabelos, aumento da viabilidade dos cabelos, aumento da produção de sementes (por exemplo, produção de sementes por espiga/planta), melhoria da morfologia das sementes, decréscimo da prevalência de aborto de grãos, aumento da viabilidade das sementes, aumento da fertilidade masculina sob condições de estresse (por exemplo, condições de seca), aumento da fertilidade (por exemplo, fertilidade masculina) sob temperaturas diurnas elevadas e/ou aumento da fertilidade (por exemplo, fertilidade masculina) sob temperaturas noturnas elevadas.

[00410] Em algumas modalidades, métodos da presente invenção aumentam a eficiência de um programa de melhoramento e/ou produção de sementes em pelo menos cerca de 5 %, 10 %, 15 %, 20 %, 25 %, 30 %, 35 %, 40 %, 45 %, 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 100 %, 110 %, 120 %, 130 %, 140 %, 150 %, 160 %, 170 %, 180 %, 190 %, 200 %, 225 %, 250 %, 275 % 300 % ou mais em comparação com um programa de melhoramento/produção de sementes de controle (por exemplo, um programa de melhoramento/produção de sementes usando as mesmas variedades de milho na ausência de seleção assistida por marcadores com marcadores da presente invenção).

[00411] Em algumas modalidades, métodos da presente invenção reduzem o número de plantas masculinas requeridas para um programa de melhoramento e/ou produção de sementes em pelo menos cerca de 5 %, 10 %, 15 %, 20 %, 25 %, 30 %, 35 %, 40 %, 45 %, 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 % 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 % ou mais em comparação com um programa de melhoramento de controle (por exemplo, um programa de melhoramento usando as mesmas variedades de milho na ausência de seleção assistida por marcadores com marcadores da presente invenção).

[00412] Em algumas modalidades, métodos da presente invenção

reduzem a proporção entre plantas masculinas e femininas requeridas para um programa de melhoramento e/ou produção de sementes em pelo menos cerca de 5 %, 10 %, 15 %, 20 %, 25 %, 30 %, 35 %, 40 %, 45 %, 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 % ou mais em comparação com um programa de melhoramento de controle (por exemplo, um programa de melhoramento usando as mesmas variedades de milho na ausência de seleção assistida por marcadores com marcadores da presente invenção).

[00413] Em algumas modalidades, métodos da presente invenção reduzem um ou mais dos custos associados a um programa de melhoramento e/ou produção de sementes (por exemplo, o(s) custo(s) de terra e preparação de camas de sementes, plantação, aplicação de fertilizante, controle de ervas daninhas, colheita e/ou realização de testes) em pelo menos cerca de 5 %, 10 %, 15 %, 20 %, 25 %, 30 %, 35 %, 40 %, 45 %, 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 % ou mais em comparação com um programa de melhoramento/produção de sementes de controle (por exemplo, um programa de melhoramento/produção de sementes usando as mesmas variedades de milho na ausência de seleção assistida por marcadores com marcadores da presente invenção). Em modalidades, o programa de produção de sementes produz sementes de uma linhagem dupla haploide ou endogâmica.

[00414] Em algumas modalidades, métodos da presente invenção reduzem o custo global associado de um programa de melhoramento e/ou produção de sementes em pelo menos cerca de 5 %, 10 %, 15 %, 20 %, 25 %, 30 %, 35 %, 40 %, 45 %, 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 % ou mais em comparação com um programa de melhoramento/produção de sementes de controle (por exemplo, um programa de

melhoramento/produção de sementes usando as mesmas variedades de milho na ausência de seleção assistida por marcadores com marcadores da presente invenção). Em modalidades, o programa de produção de sementes produz sementes de uma linhagem dupla haploide ou endogâmica.

[00415] Em algumas modalidades, métodos da presente invenção aumentam o número de grãos de pólen produzidos por planta em um programa de melhoramento e/ou produção de sementes em pelo menos cerca de 5 %, 10 %, 15 %, 20 %, 25 %, 30 %, 35 %, 40 %, 45 %, 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 100 %, 110 %, 120 %, 130 %, 140 %, 150 %, 160 %, 170 %, 180 %, 190 %, 200 %, 225 %, 250 %, 275 %, 300 % ou mais em comparação com um programa de melhoramento/produção de sementes de controle (por exemplo, um programa de melhoramento/produção de sementes usando as mesmas variedades de milho na ausência de seleção assistida por marcadores com marcadores da presente invenção).

[00416] Em algumas modalidades, métodos da presente invenção aumentam o número de anteras produzidas por planta em um programa de melhoramento e/ou produção de sementes em pelo menos cerca de 5 %, 10 %, 15 %, 20 %, 25 %, 30 %, 35 %, 40 %, 45 %, 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 100 %, 110 %, 120 %, 130 %, 140 %, 150 %, 160 %, 170 %, 180 %, 190 %, 200 %, 225 %, 250 %, 275 %, 300 % ou mais em comparação com um programa de melhoramento/produção de sementes de controle (por exemplo, um programa de melhoramento/produção de sementes usando as mesmas variedades de milho na ausência de seleção assistida por marcadores com marcadores da presente invenção).

[00417] Em algumas modalidades, métodos da presente invenção aumentam o número de pendões produzidos por planta em um programa de melhoramento e/ou produção de sementes em pelo menos



cerca de 5 %, 10 %, 15 %, 20 %, 25 %, 30 %, 35 %, 40 %, 45 %, 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 100 %, 110 %, 120 %, 130 %, 140 %, 150 %, 160 %, 170 %, 180 %, 190 %, 200 %, 225 %, 250 %, 275 %, 300 % ou mais em comparação com um programa de melhoramento/produção de sementes de controle (por exemplo, um programa de melhoramento/produção de sementes usando as mesmas variedades de milho na ausência de seleção assistida por marcadores com marcadores da presente invenção).

[00418] Em algumas modalidades, métodos da presente invenção aumentam o número de sementes produzidas por planta em um programa de melhoramento e/ou produção de sementes em pelo menos cerca de 5 %, 10 %, 15 %, 20 %, 25 %, 30 %, 35 %, 40 %, 45 %, 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 100 %, 110 %, 120 %, 130 %, 140 %, 150 %, 160 %, 170 %, 180 %, 190 %, 200 %, 225 %, 250 %, 275 %, 300 % ou mais em comparação com um programa de melhoramento/produção de sementes de controle (por exemplo, um programa de melhoramento/produção de sementes usando as mesmas variedades de milho na ausência de seleção assistida por marcadores com marcadores da presente invenção).

[00419] Em algumas modalidades, métodos da presente invenção aumentam o número de sementes produzidas por planta masculina em um programa de melhoramento e/ou produção de sementes em pelo menos cerca de 5 %, 10 %, 15 %, 20 %, 25 %, 30 %, 35 %, 40 %, 45 %, 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 100 %, 110 %, 120 %, 130 %, 140 %, 150 %, 160 %, 170 %, 180 %, 190 %, 200 %, 225 %, 250 %, 275 %, 300 % ou mais em comparação com um programa de melhoramento/produção de sementes de controle (por exemplo, um programa de melhoramento/produção de sementes usando as mesmas variedades de milho na ausência de seleção assistida por marcadores com marcadores da presente invenção).

[00420] Em algumas modalidades, métodos da presente invenção aumentam o número de sementes produzidas por planta feminina em um programa de melhoramento e/ou produção de sementes em pelo menos cerca de 5 %, 10 %, 15 %, 20 %, 25 %, 30 %, 35 %, 40 %, 45 %, 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 100 %, 110 %, 120 %, 130 %, 140 %, 150 %, 160 %, 170 %, 180 %, 190 %, 200 %, 225 %, 250 %, 275 %, 300 % ou mais em comparação com um programa de melhoramento/produção de sementes de controle (por exemplo, um programa de melhoramento/produção de sementes usando as mesmas variedades de milho na ausência de seleção assistida por marcadores com marcadores da presente invenção).

[00421] Métodos da presente invenção podem ser praticados com e/ou usados para identificar, melhorar, selecionar e/ou produzir qualquer planta ou parte de planta de milho adequada.

[00422] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho (por exemplo, a planta ou parte de planta doadora e/ou a receptora) é um membro do grupo heterótico Stiff Stalk.

[00423] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho (por exemplo, a planta ou parte de planta doadora e/ou a receptora) é um membro do grupo heterótico não Stiff Stalk.

[00424] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho (por exemplo, a planta ou parte de planta doadora e/ou a receptora) é um membro do grupo heterótico lodent.

[00425] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho (por exemplo, a planta ou parte de planta doadora e/ou a receptora) é uma planta ou parte de planta de milho B14, B37, B73, OH43 ou lodent. Em modalidades, a planta ou parte de planta doadora provém do grupo B14. Em modalidades, a planta ou parte de planta receptora provém do grupo B37 ou B73.

[00426] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de

milho (por exemplo, a planta ou parte de planta doadora e/ou a receptora) é uma planta ou parte de planta de milho NP2391, NP2460, NP2222, NP2660, NP2276 ou ID3461.

[00427] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho (por exemplo, a planta ou parte de planta doadora e/ou a receptora) provém de uma linhagem descrita na Tabela 11.

[00428] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho (por exemplo, a planta ou parte de planta doadora e/ou a receptora) é derivada de uma planta ou parte de planta de milho B14, B37, B73, OH43 ou Iodent.

[00429] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho (por exemplo, a planta ou parte de planta doadora e/ou a receptora) é derivada de uma planta ou parte de planta de milho NP2391, NP2460, NP2222, NP2660, NP2276 ou ID3461.

[00430] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho (por exemplo, a planta ou parte de planta doadora e/ou a receptora) é derivada de uma linhagem na Tabela 11.

[00431] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho (por exemplo, a planta ou parte de planta doadora e/ou a receptora) provém de uma linhagem ou variedade de milho de ocorrência não natural. Em modalidades representativas, a planta ou parte de planta de ocorrência não natural (por exemplo, a planta ou parte de planta doadora e/ou a receptora) provém de uma planta ou parte de planta cultivada.

[00432] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho (por exemplo, a planta ou parte de planta doadora e/ou a receptora) é uma planta ou parte de planta de milho endogâmica.

[00433] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho (por exemplo, a planta ou parte de planta doadora e/ou a receptora) é uma planta ou parte de planta de milho dupla haploide.

[00434] Em algumas modalidades, uma planta ou parte de planta de milho endogâmica ou dupla haploide ou endogâmica (por exemplo, a planta ou parte de planta doadora e/ou a receptora) é uma planta ou parte de planta endogâmica ou dupla haploide masculina (por exemplo, é usada como um polinizador em um cruzamento ou para autofecundação).

[00435] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho (por exemplo, a planta ou parte de planta doadora e/ou a receptora) provém de uma variedade de milho de elite. Por exemplo, em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho é NP2222, NP2660, NP2276, NP2391 ou NP2460.

[00436] Em modalidades, a planta ou parte de planta de milho (por exemplo, a planta ou parte de planta receptora) exibe um decréscimo da fertilidade masculina quando é hemizigótica e/ou homozigótica para um gene *Vip3* (por exemplo, um gene *Vip3a*, como ilustrado pelo evento de milho MIR162). Em modalidades, a planta ou parte de planta de milho não é funcionalmente fértil ou é mesmo androestéril quando é hemizigótica e/ou homozigótica para um gene *Vip3*.

[00437] Em algumas modalidades, o genoma da planta ou parte de planta de milho é pelo menos cerca de 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico a uma variedade de milho de elite. Por exemplo, em algumas modalidades, o genoma da planta ou parte de planta de milho é pelo menos 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntico ao de NP2222, NP2660, NP2276, NP2391 e/ou NP2460.

[00438] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho é a progenitura de um cruzamento entre uma variedade de milho de elite e uma variedade de milho que compreende um alelo associado a fertilidade acrescida. Por exemplo, em algumas modalidades, o

genoma da variedade de milho de elite é pelo menos cerca de 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 97 %, 99 % ou 100 % idêntico ao de NP2222, NP2660, NP2276, NP2391 e/ou NP2460 ou de uma linhagem de elite descrita na Tabela 11; e o genoma da variedade compreendendo um alelo associado a fertilidade acrescida é pelo menos cerca de 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 97 %, 99 % ou 100 % idêntico ao de NP2222, NP2660, NP2276, ID3461 ou de uma linhagem descrita na Tabela 11.

[00439] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho é a progenitura de uma introgressão em que o progenitor recorrente é uma variedade de milho de elite e o doador compreende um alelo associado a fertilidade acrescida. Por exemplo, em algumas modalidades, o genoma do progenitor recorrente é pelo menos cerca de 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 97 %, 99 % ou 100 % idêntico ao de NP2222, NP2660, NP2276, NP2391 e/ou NP2460 ou de uma linhagem descrita na Tabela 11; e o genoma do doador é pelo menos cerca de 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 97 %, 99 % ou 100 % idêntico ao de NP2222, NP2660, NP2276, ID3461 ou de uma linhagem descrita na Tabela 11.

[00440] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho é a progenitura de um cruzamento entre uma primeira variedade de milho de elite (por exemplo, uma linhagem testadora) e a progenitura de um cruzamento entre uma segunda variedade de milho de elite (por exemplo, um progenitor recorrente) e uma variedade de milho que compreende um alelo associado a fertilidade acrescida (por exemplo, um doador). Por exemplo, em algumas modalidades, o genoma da primeira variedade de milho de elite é pelo menos cerca de 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 97 %, 99 % ou 100 % idêntico ao de NP2222, NP2660, NP2276, NP2391 e/ou NP2460 ou de uma linhagem descrita na Tabela 11; o genoma da segunda

variedade de milho de elite é pelo menos cerca de 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 97 %, 99 % ou 100 % idêntico ao de NP2222, NP2660, NP2276, NP2391 e/ou NP2460 ou de uma linhagem descrita na Tabela 11; e o genoma da variedade compreendendo um alelo associado a fertilidade acrescida é pelo menos cerca de 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 97 %, 99 % ou 100 % idêntico ao de NP2222, NP2660, NP2276, ID3461 ou de uma linhagem descrita na Tabela 11.

[00441] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho é a progenitura de um cruzamento entre uma primeira variedade de milho de elite e a progenitura de uma introgressão em que o progenitor recorrente é uma segunda variedade de milho de elite e o doador compreende um alelo associado a fertilidade acrescida. Por exemplo, em algumas modalidades, o genoma da primeira variedade de milho de elite é pelo menos cerca de 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 97 %, 99 % ou 100 % idêntico ao de NP2222, NP2660, NP2276, NP2391 e/ou NP2460 ou de uma linhagem descrita na Tabela 11; o genoma do progenitor recorrente é pelo menos cerca de 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 97 %, 99 % ou 100 % idêntico ao de NP2222, NP2660, NP2276, NP2391 e/ou NP2460 ou de uma linhagem descrita na Tabela 11; e o genoma do doador é pelo menos cerca de 50 %, 55 %, 60 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 97 %, 99 % ou 100 % idêntico ao de NP2222, NP2660, NP2276 ou ID3461 ou de uma linhagem descrita na Tabela 11.

[00442] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho compreende um ou mais transgenes que codificam um produto genético que proporciona resistência a um ou mais herbicidas (por exemplo, glifosato, sulfonilureia, imidazolinona, dicamba, glufisinato, ácido fenoxi propiônico, ciclohexoma, traizina, benzonitrila e/ou

broxinil).

[00443] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho compreende um ou mais transgenes que codificam um produto genético que proporciona resistência a uma ou mais pragas (por exemplo, uma ou mais bactérias, um ou mais fungos, um ou mais gastrópodes, um ou mais insetos, um ou mais nematódeos, um ou mais oomicetos, um ou mais fitoplasmas, um ou mais protozoários e/ou um ou mais vírus).

[00444] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho compreende um ou mais transgenes que codificam um produto genético que proporciona resistência a uma ou mais doenças.

[00445] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho expressa uma ou mais proteínas Vip3, por exemplo, compreende um transgene *Vip3* em um estado hemizigótico ou homozigótico.

[00446] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho expressa um ou mais ácidos nucleicos codificando uma proteína Vip3 (por exemplo, uma proteína Vip3A). Então a planta ou parte de planta de milho pode ser hemizigótica ou homozigótica para o(s) ácido(s) nucleico(s) codificando a(s) proteína(s) Vip3. Por exemplo, em modalidades, a planta ou parte de planta é hemizigótica ou homozigótica para o evento de milho MIR162. Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho compreende uma ou mais sequências de nucleotídeos Vip apresentadas pelos números de acesso na Tabela 4.

[00447] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho expressa pelo menos uma sequência de nucleotídeos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a uma ou mais das sequências de nucleotídeos Vip apresentadas pelos números de acesso na Tabela 4.

[00448] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de

milho expressa pelo menos uma sequência de nucleotídeos que hibridiza especificamente com a sequência de nucleotídeos de uma ou mais das SEQ ID NOs: 536 até 601 (como descritas na Tabela 4) sob condições de hibridização estridentes.

[00449] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho expressa pelo menos uma sequência de nucleotídeos que codifica uma ou mais das sequências de aminoácidos Vip apresentadas pelos números de acesso na Tabela 4.

[00450] Em algumas modalidades, a planta ou parte de planta de milho expressa pelo menos uma sequência de nucleotídeos que codifica uma sequência de aminoácidos que é pelo menos cerca de 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 %, 96 %, 97 %, 98 %, 99 %, 99,5 % ou mais idêntica a uma ou mais das sequências de aminoácidos Vip apresentadas pelos números de acesso na Tabela 4.

[00451] A presente invenção estende-se a plantas identificadas, selecionadas e/ou produzidas de acordo com métodos da presente invenção.

[00452] A presente invenção também se estende a produtos recolhidos de plantas identificadas, selecionadas e/ou produzidas de acordo com métodos da presente invenção, incluindo, mas não se limitando a, células de planta e partes coletáveis de plantas incluindo mas não se limitando a sementes, folhas, frutos, flores, caules.

[00453] Em algumas modalidades, o produto recolhido é uma célula de planta ou parte de planta capaz de produzir uma planta tendo fertilidade acrescida (por exemplo, fertilidade masculina acrescida).

[00454] A presente invenção também se estende a produtos derivados de plantas produzidas de acordo com os métodos da presente invenção, incluindo, mas não se limitando a, péletes secos e pós, óleos, gorduras, ácidos graxos, amidos e proteínas.

[00455] **Exemplos**



[00456] Os exemplos que se seguem não se destinam a ser um catálogo detalhado de todas as maneiras diferentes pelas quais a presente invenção pode ser implementada ou de todas as características que podem ser adicionadas à presente invenção. Os entendidos na técnica apreciarão que podem ser feitas numerosas variações e adições às várias modalidades sem sair da presente invenção. Conseqüentemente, as seguintes descrições se destinam a ilustrar algumas modalidades particulares da invenção, e não a especificar exaustivamente todas as suas permutações, combinações e variações.

### **Exemplo 1**

#### **Desenvolvimento de Populações de Mapeamento**

[00457] Após a constatação inicial de variação genética em reduções induzidas por Vip3 em fertilidade masculina, foram conduzidos ensaios para caracterizar que linhagens de milho endogâmicas eram mais afetadas e que linhagens de milho endogâmicas eram menos afetadas por redução induzida por Vip3 em fertilidade masculina.

[00458] Foram avaliadas algumas linhagens de milho endogâmicas homozigóticas para Vip3A (evento MIR162). Foi observado que a fertilidade masculina foi reduzida em cada uma das linhagens endogâmicas homozigóticas para Vip3A testadas, se bem que em graus variáveis. Ver Tabela 9 embaixo. Sob condições normais de crescimento, algumas linhagens endogâmicas (por exemplo, a linhagem NP2222) exibiram redução mínima na fertilidade masculina, ao passo que outras (por exemplo, algumas linhagens ID3461) exibiram uma redução significativa na fertilidade masculina. De fato, várias das linhagens endogâmicas homozigóticas para Vip3A (por exemplo, algumas linhagens NP2660 e NP2276) demonstraram ser inférteis. A redução média da fertilidade masculina foi aproximadamente 50 %.

[00459] Tabela 5. Reduções induzidas por Vip3A da fertilidade

masculina variam através de contextos genéticos.

Linhagem Endogâmica	Contagem de Pólen de Progenitor Doador Usado para Introduzir Vip3A em Linhagem Endogâmica	Macho Fértil?
B14 linhagem 1	boa	sim
B37 linhagem 1	muito fraca	não
B37 linhagem 2	muito boa	não
B73 linhagem 1	marginal	não
B73 linhagem 2	fraca	não
OH43 linhagem 1	muito boa	sim
Iodent linhagem 1	aceitável	não
Iodent linhagem 2	aceitável	sim
Iodent linhagem 3	muito fraca	sim

[00460] Foi observado que o efeito da expressão de Vip3A foi mitigado em linhagens endogâmicas hemizigóticas para Vip3A. Linhagens endogâmicas que eram macho-inférteis quando homozigóticas para Vip3A eram macho-férteis quando hemizigóticas para Vip3A. De igual modo, linhagens endogâmicas férteis que exibiram uma redução significativa da fertilidade masculina quando homozigóticas para Vip3A foram substancial ou completamente macho-férteis quando hemizigóticas para Vip3A.

[00461] Foi observado que um aumento do estresse ambiental exacerbou as reduções induzidas por Vip3A da fertilidade masculina. Em particular, foi observado que reduções induzidas por Vip3A da fertilidade masculina foram mais notórias em linhagens endogâmicas que cresceram sob condições de seca e/ou temperatura elevada (por exemplo, temperaturas diurnas elevadas e/ou temperaturas noturnas elevadas). Ver Fig. 1. Reduções induzidas por Vip3A da fertilidade masculina também foram notórias em linhagens endogâmicas que cresceram sob condições compreendendo um grande diferencial entre temperaturas diurnas e noturnas. Ver Fig. 2.

[00462] Com base nas observações anteriores, foram desenvolvidas populações de mapeamento F2 biparentais por cruzamento de linhagens endogâmicas expressando Vip3A macho-férteis (NP2222 e ID3461) com uma linhagem endogâmica expressando Vip3A macho-infértil (NP2276) de um modo recíproco. Uma vez que a linhagem infértil não podia ser usada como macho quando homozigótica para Vip3A, os cruzamentos F1 naqueles casos foram efetuados por cruzamento de pólen da linhagem hemizigótica para Vip3A correspondente sobre cabelos de linhagens endogâmicas macho-férteis que eram homozigóticas para Vip3A para derivar as plantas F1, e então seleção das plantas F1 homozigóticas para produzir a semente F2. Todas as plantas F1 resultantes dos cruzamentos iniciais foram suficientemente macho-férteis para autopolinização para produzir a semente F2.

## **Exemplo 2**

### **Análise e Identificação de Marcadores Moleculares de QTLs Associados a Fertilidade Masculina Acrescida**

[00463] Usando genética NP2276 cruzada com NP2222 ou ID3461 como descrito no Exemplo 1, foram identificados QTLs associados a fertilidade masculina. Não foi encontrado nenhum efeito citoplasmático.

[00464] Plantas F2 derivadas das sementes F2 descritas no Exemplo

1 cresceram no campo em locais de sementeira de inverno Syngenta® em Puerto Rico. Cada população F2 consistiu de ~500 plantas. Cada planta foi submetida a fenotipagem e/ou pontuada quanto à fertilidade masculina como descrito no Exemplo 3. Cada planta foi testada quanto à zigosidade do transgene *Vip3A* (nula, hemizigótica, homozigótica) e foi confirmado que expressava o transgene *Vip3A* em um nível adequado. Cada planta F2 também foi submetida a genotipagem usando ~200 marcadores SNP que representavam polimorfismos entre os progenitores e com os marcadores espaçados ao longo do genoma. Foi usado software QTL Cartographer para análise com o propósito de identificar QTLs responsivos ao fenótipo de interesse (fertilidade masculina acrescida).

[00465] As pontuações LOD para quatro dos QTLs identificados neste estudo são apresentadas na Tabela 6 embaixo. Como aí mostrado, um QTL identificado no cromossomo 5 exibiu uma associação forte a fertilidade masculina acrescida.

[00466] Tabela 6. Pontuações LOD de QTLs identificados usando plantas F2 de cruzamentos biparentais de NP2222 e NP2276 e cruzamentos biparentais de ID3461 e NP2276

<b>Crom</b>	<b>NP2276/ NP2222</b>	<b>NP2222/ NP2276</b>	<b>NP2222/ NP2276 comb</b>	<b>NP2276/ ID3461</b>	<b>ID3461/ NP2276</b>	<b>XO/ID comb</b>
<b>3</b>	NS	5,8	8,2	7,9	NS	6,2
<b>4</b>	NS	7,4	7,7	(3,6)	NS	(3,6)
<b>5</b>	11,1	8,3	19,9	14,3	13,0	23,1
<b>10</b>	NS	10,9	8,9	6,2	12,3	26,8

Limiar de significância de LOD = 2,5.

### **Exemplo 3**

#### **Fenotipagem quanto a Fertilidade Masculina Acrescida**

[00467] Para fenotipagem quanto a fertilidade masculina acrescida,

cada pendão de planta F2 foi classificado no campo quanto à qualidade/ quantidade das anteras e quantidade de pólen. Essas classificações foram combinadas em uma única pontuação de Índice de Fertilidade 1 até 9 (ver Tabela 7 embaixo; em que uma pontuação de 1 representa a melhor fertilidade e 9 representa infertilidade). Uma vez que a quantidade de pólen é uma medida mais relevante de fertilidade masculina; foi mais ponderada no Índice de Fertilidade derivado. As pontuações do Índice de Fertilidade foram determinadas em uma base diária começando no dia depois de uma planta ter iniciado o processo de extrusão das anteras. Ao primeiro sinal de extrusão das anteras, o pendão foi ensacado para pontuação nos dois dias seguintes consecutivos. A pontuação mais elevada de fertilidade foi usada na análise final dos dados. O clima inclemente por vezes requereu saltar um dia, mas foram sempre coletados dois dias de dados em cada planta. A qualidade das anteras foi pontuada em uma escala de 1 até 3 com 1 sendo o padrão normal de extrusão das anteras, 2 sendo extrusão das anteras irregular e/ou reduzida, e 3 sendo ausência de extrusão das anteras (esterilidade masculina completa). A quantidade de pólen foi pontuada em uma escala relativa de 1 até 4 com 1 sendo produção elevada de pólen e 4 sendo produção nula de pólen ao longo do período de 24 horas. Plantas paternas segregando Vip3A crescendo no mesmo campo foram usadas como controles para calibrar as determinações da quantidade de pólen.

[00468] Tabela 7. Índice de Fertilidade usado para pontuar plantas F2 de cruzamentos biparentais de NP2222 e NP2276 e cruzamentos biparentais de ID3461 e NP2276.

<b>Pontuação das Anteras</b>	<b>Pontuação do Pólen</b>	<b>Índice de Fertilidade</b>
1	1	1
2	1	
3	1	

Pontuação das Anteras	Pontuação do Pólen	Índice de Fertilidade
1	2	2
2	2	3
3	2	
1	3	4
2	3	5
3	3	6
1	4	7
2	4	8
3	4	9

#### **Exemplo 4**

#### **Mapeamento Fino de um QTL no Cromossomo 5**

[00469] A linhagem endogâmica NP2276 normalmente é altamente macho-fértil, mas é macho-infértil quando é homozigótica para Vip3A. Dada esta grande redução da fertilidade masculina induzida por Vip3A, foi decidido mapear finamente o QTL que se verificou ter o maior efeito nos estudos de mapeamento de F2 (um QTL no cromossomo 5) para definir um intervalo mais pequeno que pudesse ser usado para conversão de outras genéticas com este QTL de fertilidade.

[00470] Linhagens quase isogênicas (NILs) compreendendo um QTL NP2222-homozigótica no cromossomo 3 no contexto genético NP2276 foram usadas para mapear finamente o QTL no cromossomo 5.

[00471] Materiais F1 dos cruzamentos NP2276 x NP2222 descritos no Exemplo 1 foram retrocruzados com NP2276 três vezes e autofecundados múltiplas vezes com seleção para manutenção da genética NP2222 em um QTL no cromossomo 3 e manutenção de ambas as genéticas NP2222 e NP2276 em um QTL no cromossomo 5. O restante do genoma fora destes dois QTLs foi selecionado para genética NP2276 tanto quanto possível. Os QTLs no cromossomo 4 e 10 foram deixados segregarem de novo para a genética NP2276

juntamente com o resto do genoma.

[00472] As NILs acabadas cresceram em condições de campo normais em locais de sementeira de inverno Syngenta® em Puerto Rico. NILs compreendendo a genética NP2222 no QTL no cromossomo 3 e no QTL no cromossomo 5 exibiram fertilidade masculina relativamente elevada, similar a segregados nulos de NP2276. NILs compreendendo a genética NP2222 no QTL no cromossomo 3 e genética NP2276 no QTL no cromossomo 5 foram macho-inférteis. Após múltiplas rondas de mapeamento fino, o QTL no cromossomo 5 foi reduzido iterativamente até uma região de 12,13 MB limitada por e incluindo as posições 72,696,160 e 84,824,203 (segmento cromossômico 190, como descrito na Tabela 1).

[00473] Em estudos em estufa nos quais a produção de pólen foi quantificada, NILs compreendendo a genética NP2222 no QTL no cromossomo 3 e este QTL mais pequeno no cromossomo 5 exibiram fertilidade masculina a ~80 % da medida para segregados de tipo selvagem ou nulos de NP2276.

### **Exemplo 5**

#### **Identificação e Mapeamento Fino de QTLs Associados a Fertilidade Masculina Acrescida**

[00474] QTLs associados a fertilidade masculina acrescida foram identificados e mapeados usando as técnicas descritas acima relativamente aos Exemplos 1–4.

Exemplos dos QTLs identificados são proporcionados na Tabela 8.

Tabela 8. QTLs associados a quantidade acrescida de anteras e/ou qualidade melhorada de anteras.

QTL	Cr.	cM	Marcador Esquerdo	Posição	Alelo Favorável	Marcador Direito	Posição	Alelo Favorável	Fenótipo	Pontuação LOD	% da variação fenotípica explicada
3	3	151,6	1	174825991	G	2	195514453	A	Qualidade das Anteras	3,2	7,1
4-1	4	92,5	3	25326309	G	4	26400247	G	Qualidade/Quantidade das Anteras	2,61	7,06
4-2	4	216,3	5	233629032	A	6	232968070	A	Qualidade/Quantidade das Anteras	Qualidade-20,8 Quantidade-20,3	Qualidade-32,1 Quantidade-32,8
5-1	5	94,9	7	181522829	A	8	77920728	G	Qualidade/Quantidade das Anteras	Qualidade-90,1 Quantidade-84,85	Qualidade-56,9 Quantidade-55,7
5-2	5	147,6	9	84824103	T	10	169454950	T	Qualidade/Quantidade das Anteras	Qualidade-24,3 Quantidade-23,3	Qualidade-48,3 Quantidade-47,9
6	6	189,3	11	165317744	T	12	165632140	G	Qualidade das Anteras	Qualidade-5,2 Quantidade-6,1	Qualidade-7,8 Quantidade-8,8



QTL	Cr.	cM	Marcador Esquerdo	Posição	Alelo Favorável	Marcador Direito	Posição	Alelo Favorável	Fenótipo	Pontuação LOD	% da variação fenotípica explicada
7	7	92,2	13	33157904	G	14	52027945	A	Qualidade/Quantidade das Anteras	Qualidade-21,0 Quantidade-20,2	Qualidade-32,6 Quantidade-20,2
9	9	176,8	15	128947590	A	16	147896266	C	Qualidade/Quantidade das Anteras	Qualidade-9,9 Quantidade-9,6	Qualidade-14,4 Quantidade-14,7
10	10	192,5	17	142092409	G	18	145273700	G	Qualidade das Anteras	3,25	6,85

Limiar de significância de LOD = 2,5.

[00475] Tabela 9. Planejamento de sequências, sondas e iniciadores úteis para identificar os alelos favoráveis nos QTLs descritos na Tabela 8

Cr	QT L	marcad or	Alelo Favorável	Planejamento (SEQ ID)	Sonda (SEQ ID)	Sonda (SEQ ID)	Iniciador (SEQ ID)	Iniciador (SEQ ID)
3	3	1	G	536	537	538	539	540
3	3	2	A	526	528	530	527	529
4	4-1	3	G	541	542	543	544	545
4	4-1	4	G	546	547	548	549	550
4	4-2	5	A	551	552	553	554	555
4	4-2	6	A	556	557	558	559	560
5	5-1	7	A	561	562	563	564	565
5	5-1	8	G	566	567	568	569	570
5	5-2	9	T	531	532	534	535	533
5	5-2	10	T	571	572	573	574	575
6	6	11	T	576	577	578	579	580
6	6	12	G	581	582	583		
7	7	13	G	584	585	586	587	588
7	7	14	A	589	590	591	592	593
9	9	15	A	594	595	596	597	598
9	9	16	C	599	600	601	602	603
10	10	17	G	604	605	606	607	608
10	10	18	G	609	610	611	612	613

[00476] Foi observado que a linhagem endogâmica B14 linhagem 1 (ver Tabela 8 acima) compreende alelos associados a fertilidade masculina acrescida em QTLs nos cromossomos 2, 3, 4, 5, 7, 8, 9 e 10.

[00477] Foi observado que as linhagens endogâmicas B37 linhagem 2 e B73 linhagem 2 (ver Tabela 8 acima) compreendem alelos

associados a fertilidade masculina acrescida em um QTL nos cromossomos 5, 7 e 9.

[00478] O QTL predominante identificado neste estudo, centrado em redor da posição 81,265,937 no cromossomo 5, foi finamente mapeado usando uma variedade de marcadores e técnicas. Após múltiplas rondas de mapeamento fino, o QTL foi iterativamente reduzido até uma região de 1,431 MB limitada por e incluindo as posições 80,804,587 e 82,325,587 (segmento cromossômico 7514, como descrito na Tabela 1). Como mostrado na Tabela 3, esse segmento cromossômico codifica algumas proteínas.

### **Exemplo 6**

#### **Alelos Associados a Intervalos de QTLs**

[00479] Efetuou-se uma comparação dos SNPs presentes na linhagem de milho endogâmica NP2222 versus linhagem NP2276 ao longo dos intervalos de QTLs associados a fertilidade masculina na Tabela 8 acima. Os resultados são mostrados na Tabela 10. Quando os alelos diferem entre as duas linhagens, o alelo de NP2222 corresponde ao alelo favorável.

[00480] O planejamento de métodos de ensaio, incluindo o planejamento de iniciadores e sondas adequados, para detectar a presença ou ausência dos alelos favoráveis identificados na Tabela 10 em outras plantas e partes de plantas de milho é prontamente aparente para os peritos na técnica. Por exemplo, é possível avaliar uma sequência estendendo-se para 5' e/ou 3' a partir da posição indicada de cada SNP (por exemplo, 25, 50, 100, 150, 200, 250 nucleotídeos ou mais na direção 5' e/ou 3') e usar qualquer um de uma variedade de programas de software conhecidos para planejar iniciadores e sondas de amplificação apropriados com o propósito de detectar a presença ou ausência do alelo favorável presente em NP2222 em um ensaio de amplificação.

[00481] Tabela 10. Polimorfismos Adicionais em QTLs de Fertilidade

QTL	Cromossomo	Posição de Nucleotídeo	Favorável
3	Chr3	176,322,027	C
3	Chr3	184,155,559	C
3	Chr3	184,215,519	A
3	Chr3	184,672,762	G
3	Chr3	185,229,529	A
3	Chr3	186,563,317	A
3	Chr3	187,045,835	A
3	Chr3	188,335,251	A
3	Chr3	189,901,375	G
3	Chr3	191,195,919	A
3	Chr3	193,847,182	A
4_1	Chr4	25,639,678	G
4_1	Chr4	25,988,159	A
4_1	Chr4	26,373,200	A
4_2	Chr4	232,928,019	G
4_2	Chr4	232,940,724	G
4_2	Chr4	233,005,187	G
4_2	Chr4	233,204,685	A
4_2	Chr4	233,268,189	C
5_1	Chr5	78,301,966	A
5_1	Chr5	81,454,989	A
5_1	Chr5	82,952,810	A
5_1	Chr5	83,278,003	A
5_1 E 5_2	Chr5	86,074,618	C
5_1 E 5_2	Chr5	92,369,931	A
5_1 E 5_2	Chr5	99,818,185	A
5_1 E 5_2	Chr5	107,477,545	G

QTL	Cromossomo	Posição de Nucleotídeo	Favorável
5_1 E 5_2	Chr5	113,579,713	A
5_1 E 5_2	Chr5	120,984,518	A
5_1 E 5_2	Chr5	131,435,275	G
5_1 E 5_2	Chr5	141,169,239	G
5_1 E 5_2	Chr5	149,998,432	A
5_1 E 5_2	Chr5	163,409,720	G
5_1 E 5_2	Chr5	168,858,119	A
5_1	Chr5	170,069,183	A
5_1	Chr5	175,459,402	G
5_1	Chr5	178,321,558	A
6	Chr6	165,353,049	C
6	Chr6	165,632,314	C
6	Chr6	165,348,117	C
7	Chr7	34,171,694	C
7	Chr7	33,520,778	A
7	Chr7	34,141,494	G
9	Chr9	129,905,275	A
9	Chr9	131,727,013	A
9	Chr9	138,019,524	A
9	Chr9	138,312,159	C
9	Chr9	138,685,900	G
9	Chr9	141,476,864	G
9	Chr9	142,462,911	A
9	Chr9	135,855,445	A
9	Chr9	144,740,620	G
10	Chr10	142,596,522	A
10	Chr10	143,063,299	G
10	Chr10	143,394,664	G

QTL	Cromossomo	Posição de Nucleotídeo	Favorável
10	Chr10	143,663,216	C
10	Chr10	144,109,193	A
10	Chr10	144,314,228	C
10	Chr10	144,741,863	G

**Exemplo 7****Outras Fontes Publicamente Disponíveis de Alelos Favoráveis**

[00482] Usando análise de regressão linear e distâncias genéticas em pares, prevê-se que as seguintes linhagens públicas na Tabela 11 da coleção Ames Germplasm contêm os alelos favoráveis identificados na Tabela 8 acima.

[00483] Tabela 11. Linhagens públicas que se prevê conterem alelos favoráveis.

t	Linhagens Públicas que se Prevê Terem Alelo Favorável	Probabilidade da Presença do Alelo Favorável	Outras Linhagens com Similaridade Global
3	A659	65%	A73, A660, EP29, W22
4-1	V102	86,8%	W8304, W8555
4-2	B103	99,8%	OC4, PHG50, PHP76
5-1	NC372, N192, A680	99,7%	PB80, TX714, NC372, B73, GEMS-0101, W8304
5-2	NC372, N192, A680	99,7%	PB80, TX714, NC372, B73, GEMS-0101, W8304
6	B104, NC268, NC306, NC310, NC372	99,8%	B121, B110, NC306, NC268A, NC312, NC308, NC326, PB80, TX714
7	ND253, LH52	99,8%, 99,2%	ND264, S117, MO17, MO17T, Seagull Seventeen

t	Linhagens Públicas que se Prevê Terem Alelo Favorável	Probabilidade da Presença do Alelo Favorável	Outras Linhagens com Similaridade Global
9	Pa762	97%	R218, R219, VEN981, SAN349a- 1, OH43T, OH43
10	DE1	96,2%	DE2, PHP02, MS81, MS75

### **Exemplo 8**

#### **Produção de Plantas de Milho Expressando Vip3A com Fertilidade Masculina Acrescida**

[00484] O segmento cromossômico 13 (como descrito na Tabela 1) é submetido a introgressão a partir de NP2222 em uma linhagem endogâmica homozigótica para aVip3A (por exemplo, uma linhagem endogâmica MIR162). A linhagem de milho submetida a introgressão exibe fertilidade masculina acrescida em comparação com o seu progenitor recorrente. Em particular, a linhagem de milho submetida a introgressão exibe produção de pólen aumentada, produção de anteras aumentada e morfologia das anteras melhorada sob condições normais de crescimento ou condições de estresse ambiental (por exemplo, condições de estresse devido a seca e/ou temperatura elevada). Os efeitos benéficos do segmento cromossômico submetido a introgressão são mais pronunciados em plantas crescendo em condições de temperatura elevada (por exemplo, temperaturas diurnas e/ou noturnas elevadas).

### **Exemplo 9**

#### **Produção de Plantas de Milho Expressando Vip3A com Fertilidade Masculina Acrescida**

[00485] O segmento cromossômico 13 (como descrito na Tabela 1) é submetido a introgressão a partir de NP2660 em uma linhagem endogâmica homozigótica para aVip3A (por exemplo, uma linhagem

endogâmica MIR162). A linhagem de milho submetida a introgressão exibe fertilidade masculina acrescida em comparação com o seu progenitor recorrente. Em particular, a linhagem de milho submetida a introgressão exibe produção de pólen aumentada, produção de anteras aumentada e morfologia das anteras melhorada sob condições normais de crescimento ou condições de estresse ambiental (por exemplo, condições de estresse devido a seca e/ou temperatura elevada). Os efeitos benéficos do segmento cromossômico submetido a introgressão são mais pronunciados em plantas crescendo em condições de temperatura elevada (por exemplo, temperaturas diurnas e/ou noturnas elevadas).

#### **Exemplo 10**

#### **Produção de Plantas de Milho Expressando Vip3A com Fertilidade Masculina Acrescida**

[00486] O segmento cromossômico 43 (como descrito na Tabela 1) é submetido a introgressão a partir de NP2222 em uma linhagem endogâmica homozigótica para aVip3A (por exemplo, uma linhagem endogâmica MIR162). A linhagem de milho submetida a introgressão exibe fertilidade masculina acrescida em comparação com o seu progenitor recorrente. Em particular, a linhagem de milho submetida a introgressão exibe produção de pólen aumentada, produção de anteras aumentada e morfologia das anteras melhorada sob condições normais de crescimento ou condições de estresse ambiental (por exemplo, condições de estresse devido a seca e/ou temperatura elevada). Os efeitos benéficos do segmento cromossômico submetido a introgressão são mais pronunciados em plantas crescendo em condições de temperatura elevada (por exemplo, temperaturas diurnas e/ou noturnas elevadas).

#### **Exemplo 11**

#### **Produção de Plantas de Milho Expressando Vip3A com Fertilidade**



**Masculina Acrescida**

[00487] O segmento cromossômico 43 (como descrito na Tabela 1) é submetido a introgressão a partir de NP2660 em uma linhagem endogâmica homozigótica para aVip3A (por exemplo, uma linhagem endogâmica MIR162). A linhagem de milho submetida a introgressão exibe fertilidade masculina acrescida em comparação com o seu progenitor recorrente. Em particular, a linhagem de milho submetida a introgressão exibe produção de pólen aumentada, produção de anteras aumentada e morfologia das anteras melhorada sob condições normais de crescimento ou condições de estresse ambiental (por exemplo, condições de estresse devido a seca e/ou temperatura elevada). Os efeitos benéficos do segmento cromossômico submetido a introgressão são mais pronunciados em plantas crescendo em condições de temperatura elevada (por exemplo, temperaturas diurnas e/ou noturnas elevadas).

**Exemplo 12****Produção de Plantas de Milho Expressando Vip3A com Fertilidade****Masculina Acrescida**

[00488] O segmento cromossômico 7514 (como descrito na Tabela 1) é submetido a introgressão a partir de NP2222 em uma linhagem endogâmica homozigótica para aVip3A (por exemplo, uma linhagem endogâmica MIR162). A linhagem de milho submetida a introgressão exibe fertilidade masculina acrescida em comparação com o seu progenitor recorrente. Em particular, a linhagem de milho submetida a introgressão exibe produção de pólen aumentada, produção de anteras aumentada e morfologia das anteras melhorada sob condições normais de crescimento ou condições de estresse ambiental (por exemplo, condições de estresse devido a seca e/ou temperatura elevada). Os efeitos benéficos do segmento cromossômico submetido a introgressão são mais pronunciados em plantas crescendo em condições de

temperatura elevada (por exemplo, temperaturas diurnas e/ou noturnas elevadas).

### **Exemplo 13**

#### **Produção de Plantas de Milho Expressando Vip3A com Fertilidade Masculina Acrescida**

[00489] O segmento cromossômico 7514 (como descrito na Tabela 1) é submetido a introgressão a partir de NP2660 em uma linhagem endogâmica homozigótica para aVip3A (por exemplo, uma linhagem endogâmica MIR162). A linhagem de milho submetida a introgressão exibe fertilidade masculina acrescida em comparação com o seu progenitor recorrente. Em particular, a linhagem de milho submetida a introgressão exibe produção de pólen aumentada, produção de anteras aumentada e morfologia das anteras melhorada sob condições normais de crescimento ou condições de estresse ambiental (por exemplo, condições de estresse devido a seca e/ou temperatura elevada). Os efeitos benéficos do segmento cromossômico submetido a introgressão são mais pronunciados em plantas crescendo em condições de temperatura elevada (por exemplo, temperaturas diurnas e/ou noturnas elevadas).

### **Exemplo 14**

#### **Produção de Plantas de Milho Expressando Vip3A com Fertilidade Masculina Acrescida**

[00490] O segmento cromossômico 7514 (como descrito na Tabela 1) é submetido a introgressão a partir de NP2276 em uma linhagem endogâmica homozigótica para aVip3A (por exemplo, uma linhagem endogâmica MIR162). A linhagem de milho submetida a introgressão exibe fertilidade masculina acrescida em comparação com o seu progenitor recorrente. Em particular, a linhagem de milho submetida a introgressão exibe produção de pólen aumentada, produção de anteras aumentada e morfologia das anteras melhorada sob condições normais

de crescimento ou condições de estresse ambiental (por exemplo, condições de estresse devido a seca e/ou temperatura elevada). Os efeitos benéficos do segmento cromossômico submetido a introgressão são mais pronunciados em plantas crescendo em condições de temperatura elevada (por exemplo, temperaturas diurnas e/ou noturnas elevadas).

### **Exemplo 15**

#### **Produção de Plantas de Milho Expressando Vip3A com Fertilidade Masculina Acrescida**

[00491] O segmento cromossômico 12747 (como descrito na Tabela 1) é submetido a introgressão a partir de NP2222 em uma linhagem endogâmica homozigótica para aVip3A (por exemplo, uma linhagem endogâmica MIR162). A linhagem de milho submetida a introgressão exibe fertilidade masculina acrescida em comparação com o seu progenitor recorrente. Em particular, a linhagem de milho submetida a introgressão exibe produção de pólen aumentada, produção de anteras aumentada e morfologia das anteras melhorada sob condições normais de crescimento ou condições de estresse ambiental (por exemplo, condições de estresse devido a seca e/ou temperatura elevada). Os efeitos benéficos do segmento cromossômico submetido a introgressão são mais pronunciados em plantas crescendo em condições de temperatura elevada (por exemplo, temperaturas diurnas e/ou noturnas elevadas).

### **Exemplo 16**

#### **Produção de Plantas de Milho Expressando Vip3A com Fertilidade Masculina Acrescida**

[00492] O segmento cromossômico 12747 (como descrito na Tabela 1) é submetido a introgressão a partir de NP2660 em uma linhagem endogâmica homozigótica para aVip3A (por exemplo, uma linhagem endogâmica MIR162). A linhagem de milho submetida a introgressão

exibe fertilidade masculina acrescida em comparação com o seu progenitor recorrente. Em particular, a linhagem de milho submetida a introgressão exibe produção de pólen aumentada, produção de anteras aumentada e morfologia das anteras melhorada sob condições normais de crescimento ou condições de estresse ambiental (por exemplo, condições de estresse devido a seca e/ou temperatura elevada). Os efeitos benéficos do segmento cromossômico submetido a introgressão são mais pronunciados em plantas crescendo em condições de temperatura elevada (por exemplo, temperaturas diurnas e/ou noturnas elevadas).

#### **Exemplo 17**

##### **Produção de Plantas de Milho Expressando Vip3A com Fertilidade Masculina Acrescida**

[00493] O segmento cromossômico 12753 (como descrito na Tabela 1) é submetido a introgressão a partir de NP2222 em uma linhagem endogâmica homozigótica para aVip3A (por exemplo, uma linhagem endogâmica MIR162). A linhagem de milho submetida a introgressão exibe fertilidade masculina acrescida em comparação com o seu progenitor recorrente. Em particular, a linhagem de milho submetida a introgressão exibe produção de pólen aumentada, produção de anteras aumentada e morfologia das anteras melhorada sob condições normais de crescimento ou condições de estresse ambiental (por exemplo, condições de estresse devido a seca e/ou temperatura elevada). Os efeitos benéficos do segmento cromossômico submetido a introgressão são mais pronunciados em plantas crescendo em condições de temperatura elevada (por exemplo, temperaturas diurnas e/ou noturnas elevadas).

#### **Exemplo 18**

##### **Produção de Plantas de Milho Expressando Vip3A com Fertilidade Masculina Acrescida**

[00494] O segmento cromossômico 12753 (como descrito na Tabela 1) é submetido a introgressão a partir de NP2660 em uma linhagem endogâmica homozigótica para aVip3A (por exemplo, uma linhagem endogâmica MIR162). A linhagem de milho submetida a introgressão exibe fertilidade masculina acrescida em comparação com o seu progenitor recorrente. Em particular, a linhagem de milho submetida a introgressão exibe produção de pólen aumentada, produção de anteras aumentada e morfologia das anteras melhorada sob condições normais de crescimento ou condições de estresse ambiental (por exemplo, condições de estresse devido a seca e/ou temperatura elevada). Os efeitos benéficos do segmento cromossômico submetido a introgressão são mais pronunciados em plantas crescendo em condições de temperatura elevada (por exemplo, temperaturas diurnas e/ou noturnas elevadas).

### **Exemplo 19**

#### **Produção de Plantas de Milho Expressando Vip3A com Fertilidade Masculina Acrescida**

[00495] O segmento cromossômico 12760 (como descrito na Tabela 1) é submetido a introgressão a partir de NP2222 em uma linhagem endogâmica homozigótica para aVip3A (por exemplo, uma linhagem endogâmica MIR162). A linhagem de milho submetida a introgressão exibe fertilidade masculina acrescida em comparação com o seu progenitor recorrente. Em particular, a linhagem de milho submetida a introgressão exibe produção de pólen aumentada, produção de anteras aumentada e morfologia das anteras melhorada sob condições normais de crescimento ou condições de estresse ambiental (por exemplo, condições de estresse devido a seca e/ou temperatura elevada). Os efeitos benéficos do segmento cromossômico submetido a introgressão são mais pronunciados em plantas crescendo em condições de temperatura elevada (por exemplo, temperaturas diurnas e/ou noturnas

elevadas).

### **Exemplo 20**

#### **Produção de Plantas de Milho Expressando Vip3A com Fertilidade Masculina Acrescida**

[00496] O segmento cromossômico 12760 (como descrito na Tabela 1) é submetido a introgressão a partir de NP2660 em uma linhagem endogâmica homozigótica para aVip3A (por exemplo, uma linhagem endogâmica MIR162). A linhagem de milho submetida a introgressão exibe fertilidade masculina acrescida em comparação com o seu progenitor recorrente. Em particular, a linhagem de milho submetida a introgressão exibe produção de pólen aumentada, produção de anteras aumentada e morfologia das anteras melhorada sob condições normais de crescimento ou condições de estresse ambiental (por exemplo, condições de estresse devido a seca e/ou temperatura elevada). Os efeitos benéficos do segmento cromossômico submetido a introgressão são mais pronunciados em plantas crescendo em condições de temperatura elevada (por exemplo, temperaturas diurnas e/ou noturnas elevadas).

### **Exemplo 21**

#### **Produção de Plantas de Milho Expressando Vip3A com Fertilidade Masculina Acrescida**

[00497] O segmento cromossômico 12760 (como descrito na Tabela 1) é submetido a introgressão a partir de NP2276 em uma linhagem endogâmica homozigótica para aVip3A (por exemplo, uma linhagem endogâmica MIR162). A linhagem de milho submetida a introgressão exibe fertilidade masculina acrescida em comparação com o seu progenitor recorrente. Em particular, a linhagem de milho submetida a introgressão exibe produção de pólen aumentada, produção de anteras aumentada e morfologia das anteras melhorada sob condições normais de crescimento ou condições de estresse ambiental (por exemplo,

condições de estresse devido a seca e/ou temperatura elevada). Os efeitos benéficos do segmento cromossômico submetido a introgressão são mais pronunciados em plantas crescendo em condições de temperatura elevada (por exemplo, temperaturas diurna e/ou noturnas elevadas).

Tabela 1. Exemplos de segmentos cromossômicos associados a fertilidade acrescida em milho.

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1	1	39248635	198733255
2	2		
3	3	7411453	168481421
4	3	7411453	174825991
5	3	7411453	184816495
6	3	7411453	195514453
7	3	7411453	213804184
8	3	168481421	174825991
9	3	168481421	184816495
10	3	168481421	195514453
11	3	168481421	213804184
12	3	174825991	184816495
13	3	174825991	195514453
14	3	174825991	213804184
15	3	184816495	195514453
16	3	184816495	213804184
17	3	195514453	213804184
18	4	9852206	25326309
19	4	9852206	26400247
20	4	9852206	182010511

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
21	4	9852206	216707012
22	4	9852206	232968070
23	4	9852206	233629032
24	4	9852206	238991842
25	4	25326309	26400247
26	4	25326309	182010511
27	4	25326309	216707012
28	4	25326309	232968070
29	4	25326309	233629032
30	4	25326309	238991842
31	4	26400247	182010511
32	4	26400247	216707012
33	4	26400247	232968070
34	4	26400247	233629032
35	4	26400247	238991842
36	4	182010511	216707012
37	4	182010511	232968070
38	4	182010511	233629032
39	4	182010511	238991842
40	4	216707012	232968070
41	4	216707012	233629032
42	4	216707012	238991842
43	4	232968070	233629032
44	4	232968070	238991842
45	4	233629032	238991842
46	5	72696160	73132763
47	5	72696160	74614332



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
48	5	72696160	78022476
49	5	72696160	78023096
50	5	72696160	78131652
51	5	72696160	78131784
52	5	72696160	78310499
53	5	72696160	78381593
54	5	72696160	78389884
55	5	72696160	78520683
56	5	72696160	78765635
57	5	72696160	78780292
58	5	72696160	78813114
59	5	72696160	78814710
60	5	72696160	78814976
61	5	72696160	78815306
62	5	72696160	78821393
63	5	72696160	78826528
64	5	72696160	78826538
65	5	72696160	78826612
66	5	72696160	78918620
67	5	72696160	78918850
68	5	72696160	79056960
69	5	72696160	79163631
70	5	72696160	79176557
71	5	72696160	79188028
72	5	72696160	79201760
73	5	72696160	79230005
74	5	72696160	79230318

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
75	5	72696160	79505592
76	5	72696160	79510072
77	5	72696160	79538012
78	5	72696160	79538048
79	5	72696160	79538367
80	5	72696160	79669824
81	5	72696160	79682242
82	5	72696160	79699261
83	5	72696160	79710673
84	5	72696160	79861902
85	5	72696160	79867710
86	5	72696160	79867868
87	5	72696160	79867873
88	5	72696160	79961961
89	5	72696160	80086268
90	5	72696160	80190673
91	5	72696160	80190777
92	5	72696160	80192546
93	5	72696160	80195395
94	5	72696160	80199923
95	5	72696160	80241911
96	5	72696160	80282785
97	5	72696160	80345337
98	5	72696160	80389787
99	5	72696160	80411639
100	5	72696160	80446855
101	5	72696160	80492790

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
102	5	72696160	80670554
103	5	72696160	80674679
104	5	72696160	80720509
105	5	72696160	80800856
106	5	72696160	80804587
107	5	72696160	80807409
108	5	72696160	80835734
109	5	72696160	80835734
110	5	72696160	80971764
111	5	72696160	80972258
112	5	72696160	80974450
113	5	72696160	81047638
114	5	72696160	81082921
115	5	72696160	81157909
116	5	72696160	81265937
117	5	72696160	81267485
118	5	72696160	81267499
119	5	72696160	81274512
120	5	72696160	81763618
121	5	72696160	81797217
122	5	72696160	81800186
123	5	72696160	81806213
124	5	72696160	81854583
125	5	72696160	81859374
126	5	72696160	81861368
127	5	72696160	81863686
128	5	72696160	81916850

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
129	5	72696160	81954891
130	5	72696160	81985250
131	5	72696160	82083752
132	5	72696160	82101253
133	5	72696160	82143124
134	5	72696160	82236318
135	5	72696160	82325587
136	5	72696160	82427210
137	5	72696160	82431853
138	5	72696160	82446714
139	5	72696160	82446794
140	5	72696160	82551111
141	5	72696160	82552090
142	5	72696160	82555641
143	5	72696160	82555670
144	5	72696160	82556511
145	5	72696160	82559047
146	5	72696160	82561535
147	5	72696160	82610100
148	5	72696160	82676822
149	5	72696160	82676901
150	5	72696160	82883691
151	5	72696160	82954942
152	5	72696160	82971688
153	5	72696160	83023965
154	5	72696160	83094205
155	5	72696160	83146355

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
156	5	72696160	83280630
157	5	72696160	83281412
158	5	72696160	83400242
159	5	72696160	83405797
160	5	72696160	83437132
161	5	72696160	83522252
162	5	72696160	83560095
163	5	72696160	83560204
164	5	72696160	83572400
165	5	72696160	83607661
166	5	72696160	83745342
167	5	72696160	83861275
168	5	72696160	83861633
169	5	72696160	83865653
170	5	72696160	83865914
171	5	72696160	83865920
172	5	72696160	83868010
173	5	72696160	84019752
174	5	72696160	84065912
175	5	72696160	84086632
176	5	72696160	84089603
177	5	72696160	84104814
178	5	72696160	84105175
179	5	72696160	84251635
180	5	72696160	84252180
181	5	72696160	84253030
182	5	72696160	84254208

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
183	5	72696160	84314930
184	5	72696160	84340523
185	5	72696160	84516340
186	5	72696160	84706916
187	5	72696160	84799488
188	5	72696160	84801081
189	5	72696160	84824103
190	5	72696160	84824203
191	5	72696160	84824816
192	5	72696160	84825422
193	5	72696160	84825763
194	5	72696160	84825942
195	5	72696160	84936441
196	5	72696160	84936493
197	5	72696160	84943705
198	5	72696160	169454950
199	5	72696160	181522829
200	5	72696160	204759879
201	5	72696160	209874191
202	5	73132763	74614332
203	5	74614332	78022476
204	5	74614332	78023096
205	5	74614332	78131652
206	5	74614332	78131784
207	5	74614332	78310499
208	5	74614332	78381593
209	5	74614332	78389884

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
210	5	74614332	78520683
211	5	74614332	78765635
212	5	74614332	78780292
213	5	74614332	78813114
214	5	74614332	78814710
215	5	74614332	78814976
216	5	74614332	78815306
217	5	74614332	78821393
218	5	74614332	78826528
219	5	74614332	78826538
220	5	74614332	78826612
221	5	74614332	78918620
222	5	74614332	78918850
223	5	74614332	79056960
224	5	74614332	79163631
225	5	74614332	79176557
226	5	74614332	79188028
227	5	74614332	79201760
228	5	74614332	79230005
229	5	74614332	79230318
230	5	74614332	79505592
231	5	74614332	79510072
232	5	74614332	79538012
233	5	74614332	79538048
234	5	74614332	79538367
235	5	74614332	79669824
236	5	74614332	79682242

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
237	5	74614332	79699261
238	5	74614332	79710673
239	5	74614332	79861902
240	5	74614332	79867710
241	5	74614332	79867868
242	5	74614332	79867873
243	5	74614332	79961961
244	5	74614332	80086268
245	5	74614332	80190673
246	5	74614332	80190777
247	5	74614332	80192546
248	5	74614332	80195395
249	5	74614332	80199923
250	5	74614332	80241911
251	5	74614332	80282785
252	5	74614332	80345337
253	5	74614332	80389787
254	5	74614332	80411639
255	5	74614332	80446855
256	5	74614332	80492790
257	5	74614332	80670554
258	5	74614332	80674679
259	5	74614332	80720509
260	5	74614332	80800856
261	5	74614332	80804587
262	5	74614332	80807409
263	5	74614332	80835734



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
264	5	74614332	80835734
265	5	74614332	80971764
266	5	74614332	80972258
267	5	74614332	80974450
268	5	74614332	81047638
269	5	74614332	81082921
270	5	74614332	81157909
271	5	74614332	81265937
272	5	74614332	81267485
273	5	74614332	81267499
274	5	74614332	81274512
275	5	74614332	81763618
276	5	74614332	81797217
277	5	74614332	81800186
278	5	74614332	81806213
279	5	74614332	81854583
280	5	74614332	81859374
281	5	74614332	81861368
282	5	74614332	81863686
283	5	74614332	81916850
284	5	74614332	81954891
285	5	74614332	81985250
286	5	74614332	82083752
287	5	74614332	82101253
288	5	74614332	82143124
289	5	74614332	82236318
290	5	74614332	82325587

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
291	5	74614332	82427210
292	5	74614332	82431853
293	5	74614332	82446714
294	5	74614332	82446794
295	5	74614332	82551111
296	5	74614332	82552090
297	5	74614332	82555641
298	5	74614332	82555670
299	5	74614332	82556511
300	5	74614332	82559047
301	5	74614332	82561535
302	5	74614332	82610100
303	5	74614332	82676822
304	5	74614332	82676901
305	5	74614332	82883691
306	5	74614332	82954942
307	5	74614332	82971688
308	5	74614332	83023965
309	5	74614332	83094205
310	5	74614332	83146355
311	5	74614332	83280630
312	5	74614332	83281412
313	5	74614332	83400242
314	5	74614332	83405797
315	5	74614332	83437132
316	5	74614332	83522252
317	5	74614332	83560095

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
318	5	74614332	83560204
319	5	74614332	83572400
320	5	74614332	83607661
321	5	74614332	83745342
322	5	74614332	83861275
323	5	74614332	83861633
324	5	74614332	83865653
325	5	74614332	83865914
326	5	74614332	83865920
327	5	74614332	83868010
328	5	74614332	84019752
329	5	74614332	84065912
330	5	74614332	84086632
331	5	74614332	84089603
332	5	74614332	84104814
333	5	74614332	84105175
334	5	74614332	84251635
335	5	74614332	84252180
336	5	74614332	84253030
337	5	74614332	84254208
338	5	74614332	84314930
339	5	74614332	84340523
340	5	74614332	84516340
341	5	74614332	84706916
342	5	74614332	84799488
343	5	74614332	84801081
344	5	74614332	84824103

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
345	5	74614332	84824203
346	5	74614332	84824816
347	5	74614332	84825422
348	5	74614332	84825763
349	5	74614332	84825942
350	5	74614332	84936441
351	5	74614332	84936493
352	5	74614332	84943705
353	5	74614332	169454950
354	5	74614332	181522829
355	5	74614332	204759879
356	5	74614332	209874191
357	5	74614332	78022476
358	5	74614332	78023096
359	5	74614332	78131652
360	5	74614332	78131784
361	5	74614332	78310499
362	5	74614332	78381593
363	5	74614332	78389884
364	5	74614332	78520683
365	5	74614332	78765635
366	5	74614332	78780292
367	5	74614332	78813114
368	5	74614332	78814710
369	5	74614332	78814976
370	5	74614332	78815306
371	5	74614332	78821393

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
372	5	74614332	78826528
373	5	74614332	78826538
374	5	74614332	78826612
375	5	74614332	78918620
376	5	74614332	78918850
377	5	74614332	79056960
378	5	74614332	79163631
379	5	74614332	79176557
380	5	74614332	79188028
381	5	74614332	79201760
382	5	74614332	79230005
383	5	74614332	79230318
384	5	74614332	79505592
385	5	74614332	79510072
386	5	74614332	79538012
387	5	74614332	79538048
388	5	74614332	79538367
389	5	74614332	79669824
390	5	74614332	79682242
391	5	74614332	79699261
392	5	74614332	79710673
393	5	74614332	79861902
394	5	74614332	79867710
395	5	74614332	79867868
396	5	74614332	79867873
397	5	74614332	79961961
398	5	74614332	80086268

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
399	5	74614332	80190673
400	5	74614332	80190777
401	5	74614332	80192546
402	5	74614332	80195395
403	5	74614332	80199923
404	5	74614332	80241911
405	5	74614332	80282785
406	5	74614332	80345337
407	5	74614332	80389787
408	5	74614332	80411639
409	5	74614332	80446855
410	5	74614332	80492790
411	5	74614332	80670554
412	5	74614332	80674679
413	5	74614332	80720509
414	5	74614332	80800856
415	5	74614332	80804587
416	5	74614332	80807409
417	5	74614332	80835734
418	5	74614332	80835734
419	5	74614332	80971764
420	5	74614332	80972258
421	5	74614332	80974450
422	5	74614332	81047638
423	5	74614332	81082921
424	5	74614332	81157909
425	5	74614332	81265937

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
426	5	74614332	81267485
427	5	74614332	81267499
428	5	74614332	81274512
429	5	74614332	81763618
430	5	74614332	81797217
431	5	74614332	81800186
432	5	74614332	81806213
433	5	74614332	81854583
434	5	74614332	81859374
435	5	74614332	81861368
436	5	74614332	81863686
437	5	74614332	81916850
438	5	74614332	81954891
439	5	74614332	81985250
440	5	74614332	82083752
441	5	74614332	82101253
442	5	74614332	82143124
443	5	74614332	82236318
444	5	74614332	82325587
445	5	74614332	82427210
446	5	74614332	82431853
447	5	74614332	82446714
448	5	74614332	82446794
449	5	74614332	82551111
450	5	74614332	82552090
451	5	74614332	82555641
452	5	74614332	82555670

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
453	5	74614332	82556511
454	5	74614332	82559047
455	5	74614332	82561535
456	5	74614332	82610100
457	5	74614332	82676822
458	5	74614332	82676901
459	5	74614332	82883691
460	5	74614332	82954942
461	5	74614332	82971688
462	5	74614332	83023965
463	5	74614332	83094205
464	5	74614332	83146355
465	5	74614332	83280630
466	5	74614332	83281412
467	5	74614332	83400242
468	5	74614332	83405797
469	5	74614332	83437132
470	5	74614332	83522252
471	5	74614332	83560095
472	5	74614332	83560204
473	5	74614332	83572400
474	5	74614332	83607661
475	5	74614332	83745342
476	5	74614332	83861275
477	5	74614332	83861633
478	5	74614332	83865653
479	5	74614332	83865914



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
480	5	74614332	83865920
481	5	74614332	83868010
482	5	74614332	84019752
483	5	74614332	84065912
484	5	74614332	84086632
485	5	74614332	84089603
486	5	74614332	84104814
487	5	74614332	84105175
488	5	74614332	84251635
489	5	74614332	84252180
490	5	74614332	84253030
491	5	74614332	84254208
492	5	74614332	84314930
493	5	74614332	84340523
494	5	74614332	84516340
495	5	74614332	84706916
496	5	74614332	84799488
497	5	74614332	84801081
498	5	74614332	84824103
499	5	74614332	84824203
500	5	74614332	84824816
501	5	74614332	84825422
502	5	74614332	84825763
503	5	74614332	84825942
504	5	74614332	84936441
505	5	74614332	84936493
506	5	74614332	84943705

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
507	5	74614332	169454950
508	5	74614332	181522829
509	5	74614332	204759879
510	5	74614332	209874191
511	5	77920728	78022476
512	5	77920728	78023096
513	5	77920728	78131652
514	5	77920728	78131784
515	5	77920728	78310499
516	5	77920728	78381593
517	5	77920728	78389884
518	5	77920728	78520683
519	5	77920728	78765635
520	5	77920728	78780292
521	5	77920728	78813114
522	5	77920728	78814710
523	5	77920728	78814976
524	5	77920728	78815306
525	5	77920728	78821393
526	5	77920728	78826528
527	5	77920728	78826538
528	5	77920728	78826612
529	5	77920728	78918620
530	5	77920728	78918850
531	5	77920728	79056960
532	5	77920728	79163631
533	5	77920728	79176557

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
534	5	77920728	79188028
535	5	77920728	79201760
536	5	77920728	79230005
537	5	77920728	79230318
538	5	77920728	79505592
539	5	77920728	79510072
540	5	77920728	79538012
541	5	77920728	79538048
542	5	77920728	79538367
543	5	77920728	79669824
544	5	77920728	79682242
545	5	77920728	79699261
546	5	77920728	79710673
547	5	77920728	79861902
548	5	77920728	79867710
549	5	77920728	79867868
550	5	77920728	79867873
551	5	77920728	79961961
552	5	77920728	80086268
553	5	77920728	80190673
554	5	77920728	80190777
555	5	77920728	80192546
556	5	77920728	80195395
557	5	77920728	80199923
558	5	77920728	80241911
559	5	77920728	80282785
560	5	77920728	80345337

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
561	5	77920728	80389787
562	5	77920728	80411639
563	5	77920728	80446855
564	5	77920728	80492790
565	5	77920728	80670554
566	5	77920728	80674679
567	5	77920728	80720509
568	5	77920728	80800856
569	5	77920728	80804587
570	5	77920728	80807409
571	5	77920728	80835734
572	5	77920728	80835734
573	5	77920728	80971764
574	5	77920728	80972258
575	5	77920728	80974450
576	5	77920728	81047638
577	5	77920728	81082921
578	5	77920728	81157909
579	5	77920728	81265937
580	5	77920728	81265937
581	5	77920728	81267485
582	5	77920728	81267499
583	5	77920728	81274512
584	5	77920728	81763618
585	5	77920728	81797217
586	5	77920728	81800186
587	5	77920728	81806213

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
588	5	77920728	81854583
589	5	77920728	81859374
590	5	77920728	81861368
591	5	77920728	81863686
592	5	77920728	81916850
593	5	77920728	81954891
594	5	77920728	81985250
595	5	77920728	82083752
596	5	77920728	82101253
597	5	77920728	82143124
598	5	77920728	82236318
599	5	77920728	82325587
600	5	77920728	82427210
601	5	77920728	82431853
602	5	77920728	82446714
603	5	77920728	82446794
604	5	77920728	82551111
605	5	77920728	82552090
606	5	77920728	82555641
607	5	77920728	82555670
608	5	77920728	82556511
609	5	77920728	82559047
610	5	77920728	82561535
611	5	77920728	82610100
612	5	77920728	82676822
613	5	77920728	82676901
614	5	77920728	82883691

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
615	5	77920728	82954942
616	5	77920728	82971688
617	5	77920728	83023965
618	5	77920728	83094205
619	5	77920728	83146355
620	5	77920728	83280630
621	5	77920728	83281412
622	5	77920728	83400242
623	5	77920728	83405797
624	5	77920728	83437132
625	5	77920728	83522252
626	5	77920728	83560095
627	5	77920728	83560204
628	5	77920728	83572400
629	5	77920728	83607661
630	5	77920728	83745342
631	5	77920728	83861275
632	5	77920728	83861633
633	5	77920728	83865653
634	5	77920728	83865914
635	5	77920728	83865920
636	5	77920728	83868010
637	5	77920728	84019752
638	5	77920728	84065912
639	5	77920728	84086632
640	5	77920728	84089603
641	5	77920728	84104814

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
642	5	77920728	84105175
643	5	77920728	84251635
644	5	77920728	84252180
645	5	77920728	84253030
646	5	77920728	84254208
647	5	77920728	84314930
648	5	77920728	84340523
649	5	77920728	84516340
650	5	77920728	84706916
651	5	77920728	84799488
652	5	77920728	84801081
653	5	77920728	84824103
654	5	77920728	84824103
655	5	77920728	84824203
656	5	77920728	84824816
657	5	77920728	84825422
658	5	77920728	84825763
659	5	77920728	84825942
660	5	77920728	84936441
661	5	77920728	84936493
662	5	77920728	84943705
663	5	77920728	169454950
664	5	77920728	181522829
665	5	77920728	204759879
666	5	77920728	209874191
667	5	78022476	78023096
668	5	78022476	78131652

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
669	5	78022476	78131784
670	5	78022476	78310499
671	5	78022476	78381593
672	5	78022476	78389884
673	5	78022476	78520683
674	5	78022476	78765635
675	5	78022476	78780292
676	5	78022476	78813114
677	5	78022476	78814710
678	5	78022476	78814976
679	5	78022476	78815306
680	5	78022476	78821393
681	5	78022476	78826528
682	5	78022476	78826538
683	5	78022476	78826612
684	5	78022476	78918620
685	5	78022476	78918850
686	5	78022476	79056960
687	5	78022476	79163631
688	5	78022476	79176557
689	5	78022476	79188028
690	5	78022476	79201760
691	5	78022476	79230005
692	5	78022476	79230318
693	5	78022476	79505592
694	5	78022476	79510072
695	5	78022476	79538012



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
696	5	78022476	79538048
697	5	78022476	79538367
698	5	78022476	79669824
699	5	78022476	79682242
700	5	78022476	79699261
701	5	78022476	79710673
702	5	78022476	79861902
703	5	78022476	79867710
704	5	78022476	79867868
705	5	78022476	79867873
706	5	78022476	79961961
707	5	78022476	80086268
708	5	78022476	80190673
709	5	78022476	80190777
710	5	78022476	80192546
711	5	78022476	80195395
712	5	78022476	80199923
713	5	78022476	80241911
714	5	78022476	80282785
715	5	78022476	80345337
716	5	78022476	80389787
717	5	78022476	80411639
718	5	78022476	80446855
719	5	78022476	80492790
720	5	78022476	80670554
721	5	78022476	80674679
722	5	78022476	80720509

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
723	5	78022476	80800856
724	5	78022476	80804587
725	5	78022476	80807409
726	5	78022476	80835734
727	5	78022476	80835734
728	5	78022476	80971764
729	5	78022476	80972258
730	5	78022476	80974450
731	5	78022476	81047638
732	5	78022476	81082921
733	5	78022476	81157909
734	5	78022476	81265937
735	5	78022476	81265937
736	5	78022476	81267485
737	5	78022476	81267499
738	5	78022476	81274512
739	5	78022476	81763618
740	5	78022476	81797217
741	5	78022476	81800186
742	5	78022476	81806213
743	5	78022476	81854583
744	5	78022476	81859374
745	5	78022476	81861368
746	5	78022476	81863686
747	5	78022476	81916850
748	5	78022476	81954891
749	5	78022476	81985250

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
750	5	78022476	82083752
751	5	78022476	82101253
752	5	78022476	82143124
753	5	78022476	82236318
754	5	78022476	82325587
755	5	78022476	82427210
756	5	78022476	82431853
757	5	78022476	82446714
758	5	78022476	82446794
759	5	78022476	82551111
760	5	78022476	82552090
761	5	78022476	82555641
762	5	78022476	82555670
763	5	78022476	82556511
764	5	78022476	82559047
765	5	78022476	82561535
766	5	78022476	82610100
767	5	78022476	82676822
768	5	78022476	82676901
769	5	78022476	82883691
770	5	78022476	82954942
771	5	78022476	82971688
772	5	78022476	83023965
773	5	78022476	83094205
774	5	78022476	83146355
775	5	78022476	83280630
776	5	78022476	83281412

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
777	5	78022476	83400242
778	5	78022476	83405797
779	5	78022476	83437132
780	5	78022476	83522252
781	5	78022476	83560095
782	5	78022476	83560204
783	5	78022476	83572400
784	5	78022476	83607661
785	5	78022476	83745342
786	5	78022476	83861275
787	5	78022476	83861633
788	5	78022476	83865653
789	5	78022476	83865914
790	5	78022476	83865920
791	5	78022476	83868010
792	5	78022476	84019752
793	5	78022476	84065912
794	5	78022476	84086632
795	5	78022476	84089603
796	5	78022476	84104814
797	5	78022476	84105175
798	5	78022476	84251635
799	5	78022476	84252180
800	5	78022476	84253030
801	5	78022476	84254208
802	5	78022476	84314930
803	5	78022476	84340523

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
804	5	78022476	84516340
805	5	78022476	84706916
806	5	78022476	84799488
807	5	78022476	84801081
808	5	78022476	84824103
809	5	78022476	84824203
810	5	78022476	84824816
811	5	78022476	84825422
812	5	78022476	84825763
813	5	78022476	84825942
814	5	78022476	84936441
815	5	78022476	84936493
816	5	78022476	84943705
817	5	78022476	169454950
818	5	78022476	181522829
819	5	78022476	204759879
820	5	78022476	209874191
821	5	78129898	78131652
822	5	78129898	78131784
823	5	78129898	78310499
824	5	78129898	78381593
825	5	78129898	78389884
826	5	78129898	78520683
827	5	78129898	78765635
828	5	78129898	78780292
829	5	78129898	78813114
830	5	78129898	78814710

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
831	5	78129898	78814976
832	5	78129898	78815306
833	5	78129898	78821393
834	5	78129898	78826528
835	5	78129898	78826538
836	5	78129898	78826612
837	5	78129898	78918620
838	5	78129898	78918850
839	5	78129898	79056960
840	5	78129898	79163631
841	5	78129898	79176557
842	5	78129898	79188028
843	5	78129898	79201760
844	5	78129898	79230005
845	5	78129898	79230318
846	5	78129898	79505592
847	5	78129898	79510072
848	5	78129898	79538012
849	5	78129898	79538048
850	5	78129898	79538367
851	5	78129898	79669824
852	5	78129898	79682242
853	5	78129898	79699261
854	5	78129898	79710673
855	5	78129898	79861902
856	5	78129898	79867710
857	5	78129898	79867868

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
858	5	78129898	79867873
859	5	78129898	79961961
860	5	78129898	80086268
861	5	78129898	80190673
862	5	78129898	80190777
863	5	78129898	80192546
864	5	78129898	80195395
865	5	78129898	80199923
866	5	78129898	80241911
867	5	78129898	80282785
868	5	78129898	80345337
869	5	78129898	80389787
870	5	78129898	80411639
871	5	78129898	80446855
872	5	78129898	80492790
873	5	78129898	80670554
874	5	78129898	80674679
875	5	78129898	80720509
876	5	78129898	80800856
877	5	78129898	80804587
878	5	78129898	80807409
879	5	78129898	80835734
880	5	78129898	80971764
881	5	78129898	80972258
882	5	78129898	80974450
883	5	78129898	81047638
884	5	78129898	81082921

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
885	5	78129898	81157909
886	5	78129898	81265937
887	5	78129898	81265937
888	5	78129898	81267485
889	5	78129898	81267499
890	5	78129898	81274512
891	5	78129898	81763618
892	5	78129898	81797217
893	5	78129898	81800186
894	5	78129898	81806213
895	5	78129898	81854583
896	5	78129898	81859374
897	5	78129898	81861368
898	5	78129898	81863686
899	5	78129898	81916850
900	5	78129898	81954891
901	5	78129898	81985250
902	5	78129898	82083752
903	5	78129898	82101253
904	5	78129898	82143124
905	5	78129898	82236318
906	5	78129898	82325587
907	5	78129898	82427210
908	5	78129898	82431853
909	5	78129898	82446714
910	5	78129898	82446794
911	5	78129898	82551111



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
912	5	78129898	82552090
913	5	78129898	82555670
914	5	78129898	82555670
915	5	78129898	82556511
916	5	78129898	82559047
917	5	78129898	82561535
918	5	78129898	82610100
919	5	78129898	82676822
920	5	78129898	82676901
921	5	78129898	82883691
922	5	78129898	82954942
923	5	78129898	82971688
924	5	78129898	83023965
925	5	78129898	83094205
926	5	78129898	83146355
927	5	78129898	83280630
928	5	78129898	83281412
929	5	78129898	83400242
930	5	78129898	83405797
931	5	78129898	83437132
932	5	78129898	83522252
933	5	78129898	83560095
934	5	78129898	83560204
935	5	78129898	83572400
936	5	78129898	83607661
937	5	78129898	83745342
938	5	78129898	83861275

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
939	5	78129898	83861633
940	5	78129898	83865653
941	5	78129898	83865914
942	5	78129898	83865920
943	5	78129898	83868010
944	5	78129898	84019752
945	5	78129898	84065912
946	5	78129898	84086632
947	5	78129898	84089603
948	5	78129898	84104814
949	5	78129898	84105175
950	5	78129898	84251635
951	5	78129898	84252180
952	5	78129898	84253030
953	5	78129898	84254208
954	5	78129898	84314930
955	5	78129898	84340523
956	5	78129898	84516340
957	5	78129898	84706916
958	5	78129898	84799488
959	5	78129898	84801081
960	5	78129898	84824103
961	5	78129898	84824203
962	5	78129898	84824816
963	5	78129898	84825422
964	5	78129898	84825763
965	5	78129898	84825942

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
966	5	78129898	84843411
967	5	78129898	84936441
968	5	78129898	84936493
969	5	78129898	84943705
970	5	78129898	169454950
971	5	78129898	181522829
972	5	78129898	204759879
973	5	78129898	209874191
974	5	78255163	78310499
975	5	78255163	78381593
976	5	78255163	78389884
977	5	78255163	78520683
978	5	78255163	78765635
979	5	78255163	78780292
980	5	78255163	78813114
981	5	78255163	78814710
982	5	78255163	78814976
983	5	78255163	78815306
984	5	78255163	78821393
985	5	78255163	78826528
986	5	78255163	78826538
987	5	78255163	78826612
988	5	78255163	78918620
989	5	78255163	78918850
990	5	78255163	79056960
991	5	78255163	79163631
992	5	78255163	79176557

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
993	5	78255163	79188028
994	5	78255163	79201760
995	5	78255163	79230005
996	5	78255163	79230318
997	5	78255163	79505592
998	5	78255163	79510072
999	5	78255163	79538012
1000	5	78255163	79538048
1001	5	78255163	79538367
1002	5	78255163	79669824
1003	5	78255163	79682242
1004	5	78255163	79699261
1005	5	78255163	79710673
1006	5	78255163	79861902
1007	5	78255163	79867710
1008	5	78255163	79867868
1009	5	78255163	79867873
1010	5	78255163	79961961
1011	5	78255163	80086268
1012	5	78255163	80190673
1013	5	78255163	80190777
1014	5	78255163	80192546
1015	5	78255163	80195395
1016	5	78255163	80199923
1017	5	78255163	80241911
1018	5	78255163	80282785
1019	5	78255163	80345337

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1020	5	78255163	80389787
1021	5	78255163	80411639
1022	5	78255163	80446855
1023	5	78255163	80492790
1024	5	78255163	80670554
1025	5	78255163	80674679
1026	5	78255163	80720509
1027	5	78255163	80800856
1028	5	78255163	80804587
1029	5	78255163	80807409
1030	5	78255163	80835734
1031	5	78255163	80971764
1032	5	78255163	80972258
1033	5	78255163	80974450
1034	5	78255163	81047638
1035	5	78255163	81082921
1036	5	78255163	81157909
1037	5	78255163	81265937
1038	5	78255163	81265937
1039	5	78255163	81267485
1040	5	78255163	81267499
1041	5	78255163	81274512
1042	5	78255163	81763618
1043	5	78255163	81797217
1044	5	78255163	81800186
1045	5	78255163	81806213
1046	5	78255163	81854583

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1047	5	78255163	81859374
1048	5	78255163	81861368
1049	5	78255163	81863686
1050	5	78255163	81916850
1051	5	78255163	81954891
1052	5	78255163	81985250
1053	5	78255163	82083752
1054	5	78255163	82101253
1055	5	78255163	82143124
1056	5	78255163	82236318
1057	5	78255163	82325587
1058	5	78255163	82427210
1059	5	78255163	82431853
1060	5	78255163	82446714
1061	5	78255163	82446794
1062	5	78255163	82551111
1063	5	78255163	82552090
1064	5	78255163	82555641
1065	5	78255163	82555670
1066	5	78255163	82556511
1067	5	78255163	82559047
1068	5	78255163	82561535
1069	5	78255163	82610100
1070	5	78255163	82676822
1071	5	78255163	82676901
1072	5	78255163	82883691
1073	5	78255163	82954942

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1074	5	78255163	82971688
1075	5	78255163	83023965
1076	5	78255163	83094205
1077	5	78255163	83146355
1078	5	78255163	83280630
1079	5	78255163	83281412
1080	5	78255163	83400242
1081	5	78255163	83405797
1082	5	78255163	83437132
1083	5	78255163	83522252
1084	5	78255163	83560095
1085	5	78255163	83560204
1086	5	78255163	83572400
1087	5	78255163	83607661
1088	5	78255163	83745342
1089	5	78255163	83861275
1090	5	78255163	83861633
1091	5	78255163	83865653
1092	5	78255163	83865914
1093	5	78255163	83865920
1094	5	78255163	83868010
1095	5	78255163	84019752
1096	5	78255163	84065912
1097	5	78255163	84086632
1098	5	78255163	84089603
1099	5	78255163	84104814
1100	5	78255163	84105175

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1101	5	78255163	84251635
1102	5	78255163	84252180
1103	5	78255163	84253030
1104	5	78255163	84254208
1105	5	78255163	84314930
1106	5	78255163	84340523
1107	5	78255163	84516340
1108	5	78255163	84706916
1109	5	78255163	84799488
1110	5	78255163	84801081
1111	5	78255163	84824103
1112	5	78255163	84824203
1113	5	78255163	84824816
1114	5	78255163	84825422
1115	5	78255163	84825763
1116	5	78255163	84825942
1117	5	78255163	84843411
1118	5	78255163	84936441
1119	5	78255163	84936493
1120	5	78255163	84943705
1121	5	78255163	169454950
1122	5	78255163	181522829
1123	5	78255163	204759879
1124	5	78255163	209874191
1125	5	78380304	78381593
1126	5	78380304	78389884
1127	5	78380304	78520683



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1128	5	78380304	78765635
1129	5	78380304	78780292
1130	5	78380304	78813114
1131	5	78380304	78814710
1132	5	78380304	78814976
1133	5	78380304	78815306
1134	5	78380304	78821393
1135	5	78380304	78826528
1136	5	78380304	78826538
1137	5	78380304	78826612
1138	5	78380304	78918620
1139	5	78380304	78918850
1140	5	78380304	79056960
1141	5	78380304	79163631
1142	5	78380304	79176557
1143	5	78380304	79188028
1144	5	78380304	79201760
1145	5	78380304	79230005
1146	5	78380304	79230318
1147	5	78380304	79505592
1148	5	78380304	79510072
1149	5	78380304	79538012
1150	5	78380304	79538048
1151	5	78380304	79538048
1152	5	78380304	79538367
1153	5	78380304	79669824
1154	5	78380304	79682242

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1155	5	78380304	79699261
1156	5	78380304	79710673
1157	5	78380304	79861902
1158	5	78380304	79867710
1159	5	78380304	79867868
1160	5	78380304	79867873
1161	5	78380304	79961961
1162	5	78380304	80086268
1163	5	78380304	80190673
1164	5	78380304	80190777
1165	5	78380304	80192546
1166	5	78380304	80195395
1167	5	78380304	80199923
1168	5	78380304	80241911
1169	5	78380304	80282785
1170	5	78380304	80345337
1171	5	78380304	80389787
1172	5	78380304	80411639
1173	5	78380304	80446855
1174	5	78380304	80492790
1175	5	78380304	80670554
1176	5	78380304	80674679
1177	5	78380304	80720509
1178	5	78380304	80800856
1179	5	78380304	80804587
1180	5	78380304	80807409
1181	5	78380304	80835734

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1182	5	78380304	80971764
1183	5	78380304	80972258
1184	5	78380304	80974450
1185	5	78380304	81047638
1186	5	78380304	81082921
1187	5	78380304	81157909
1188	5	78380304	81265937
1189	5	78380304	81265937
1190	5	78380304	81267485
1191	5	78380304	81267499
1192	5	78380304	81274512
1193	5	78380304	81763618
1194	5	78380304	81797217
1195	5	78380304	81800186
1196	5	78380304	81806213
1197	5	78380304	81854583
1198	5	78380304	81859374
1199	5	78380304	81861368
1200	5	78380304	81863686
1201	5	78380304	81916850
1202	5	78380304	81954891
1203	5	78380304	81985250
1204	5	78380304	82083752
1205	5	78380304	82101253
1206	5	78380304	82143124
1207	5	78380304	82236318
1208	5	78380304	82325587

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1209	5	78380304	82427210
1210	5	78380304	82431853
1211	5	78380304	82446714
1212	5	78380304	82446794
1213	5	78380304	82551111
1214	5	78380304	82552090
1215	5	78380304	82555641
1216	5	78380304	82555670
1217	5	78380304	82556511
1218	5	78380304	82559047
1219	5	78380304	82561535
1220	5	78380304	82610100
1221	5	78380304	82676822
1222	5	78380304	82676901
1223	5	78380304	82883691
1224	5	78380304	82954942
1225	5	78380304	82971688
1226	5	78380304	83023965
1227	5	78380304	83094205
1228	5	78380304	83146355
1229	5	78380304	83280630
1230	5	78380304	83281412
1231	5	78380304	83400242
1232	5	78380304	83405797
1233	5	78380304	83437132
1234	5	78380304	83522252
1235	5	78380304	83560095

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1236	5	78380304	83560204
1237	5	78380304	83572400
1238	5	78380304	83607661
1239	5	78380304	83745342
1240	5	78380304	83861275
1241	5	78380304	83861633
1242	5	78380304	83865653
1243	5	78380304	83865914
1244	5	78380304	83865920
1245	5	78380304	83868010
1246	5	78380304	84019752
1247	5	78380304	84065912
1248	5	78380304	84086632
1249	5	78380304	84089603
1250	5	78380304	84104814
1251	5	78380304	84105175
1252	5	78380304	84251635
1253	5	78380304	84252180
1254	5	78380304	84253030
1255	5	78380304	84254208
1256	5	78380304	84314930
1257	5	78380304	84340523
1258	5	78380304	84516340
1259	5	78380304	84706916
1260	5	78380304	84799488
1261	5	78380304	84801081
1262	5	78380304	84824103

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1263	5	78380304	84824203
1264	5	78380304	84824816
1265	5	78380304	84825422
1266	5	78380304	84825763
1267	5	78380304	84825942
1268	5	78380304	84843411
1269	5	78380304	84936441
1270	5	78380304	84936493
1271	5	78380304	84943705
1272	5	78380304	169454950
1273	5	78380304	181522829
1274	5	78380304	204759879
1275	5	78380304	209874191
1276	5	78381834	78389884
1277	5	78381834	78520683
1278	5	78381834	78765635
1279	5	78381834	78780292
1280	5	78381834	78813114
1281	5	78381834	78814710
1282	5	78381834	78814976
1283	5	78381834	78815306
1284	5	78381834	78821393
1285	5	78381834	78826528
1286	5	78381834	78826538
1287	5	78381834	78826612
1288	5	78381834	78918620
1289	5	78381834	78918850

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1290	5	78381834	79056960
1291	5	78381834	79163631
1292	5	78381834	79176557
1293	5	78381834	79188028
1294	5	78381834	79201760
1295	5	78381834	79230005
1296	5	78381834	79230318
1297	5	78381834	79505592
1298	5	78381834	79510072
1299	5	78381834	79538012
1300	5	78381834	79538048
1301	5	78381834	79538367
1302	5	78381834	79669824
1303	5	78381834	79682242
1304	5	78381834	79699261
1305	5	78381834	79710673
1306	5	78381834	79861902
1307	5	78381834	79867710
1308	5	78381834	79867868
1309	5	78381834	79867873
1310	5	78381834	79961961
1311	5	78381834	80086268
1312	5	78381834	80190673
1313	5	78381834	80190777
1314	5	78381834	80192546
1315	5	78381834	80195395
1316	5	78381834	80199923

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1317	5	78381834	80241911
1318	5	78381834	80282785
1319	5	78381834	80345337
1320	5	78381834	80389787
1321	5	78381834	80411639
1322	5	78381834	80446855
1323	5	78381834	80492790
1324	5	78381834	80670554
1325	5	78381834	80674679
1326	5	78381834	80720509
1327	5	78381834	80800856
1328	5	78381834	80804587
1329	5	78381834	80807409
1330	5	78381834	80835734
1331	5	78381834	80971764
1332	5	78381834	80972258
1333	5	78381834	80974450
1334	5	78381834	81047638
1335	5	78381834	81082921
1336	5	78381834	81157909
1337	5	78381834	81265937
1338	5	78381834	81265937
1339	5	78381834	81267485
1340	5	78381834	81267499
1341	5	78381834	81274512
1342	5	78381834	81763618
1343	5	78381834	81797217



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1344	5	78381834	81800186
1345	5	78381834	81806213
1346	5	78381834	81854583
1347	5	78381834	81859374
1348	5	78381834	81861368
1349	5	78381834	81863686
1350	5	78381834	81916850
1351	5	78381834	81954891
1352	5	78381834	81985250
1353	5	78381834	82083752
1354	5	78381834	82101253
1355	5	78381834	82143124
1356	5	78381834	82236318
1357	5	78381834	82325587
1358	5	78381834	82427210
1359	5	78381834	82431853
1360	5	78381834	82446714
1361	5	78381834	82446794
1362	5	78381834	82551111
1363	5	78381834	82552090
1364	5	78381834	82555641
1365	5	78381834	82555670
1366	5	78381834	82556511
1367	5	78381834	82559047
1368	5	78381834	82561535
1369	5	78381834	82610100
1370	5	78381834	82676822

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1371	5	78381834	82676901
1372	5	78381834	82883691
1373	5	78381834	82954942
1374	5	78381834	82971688
1375	5	78381834	83023965
1376	5	78381834	83094205
1377	5	78381834	83146355
1378	5	78381834	83280630
1379	5	78381834	83281412
1380	5	78381834	83400242
1381	5	78381834	83405797
1382	5	78381834	83437132
1383	5	78381834	83522252
1384	5	78381834	83560095
1385	5	78381834	83560204
1386	5	78381834	83572400
1387	5	78381834	83607661
1388	5	78381834	83745342
1389	5	78381834	83861275
1390	5	78381834	83861633
1391	5	78381834	83865653
1392	5	78381834	83865914
1393	5	78381834	83865920
1394	5	78381834	83868010
1395	5	78381834	84019752
1396	5	78381834	84065912
1397	5	78381834	84086632

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1398	5	78381834	84089603
1399	5	78381834	84104814
1400	5	78381834	84105175
1401	5	78381834	84251635
1402	5	78381834	84252180
1403	5	78381834	84253030
1404	5	78381834	84254208
1405	5	78381834	84314930
1406	5	78381834	84340523
1407	5	78381834	84516340
1408	5	78381834	84706916
1409	5	78381834	84799488
1410	5	78381834	84801081
1411	5	78381834	84824103
1412	5	78381834	84824203
1413	5	78381834	84824816
1414	5	78381834	84825422
1415	5	78381834	84825763
1416	5	78381834	84825942
1417	5	78381834	84843411
1418	5	78381834	84936441
1419	5	78381834	84936493
1420	5	78381834	84943705
1421	5	78381834	169454950
1422	5	78381834	181522829
1423	5	78381834	204759879
1424	5	78381834	209874191

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1425	5	78519893	78520683
1426	5	78519893	78765635
1427	5	78519893	78780292
1428	5	78519893	78813114
1429	5	78519893	78814710
1430	5	78519893	78814976
1431	5	78519893	78815306
1432	5	78519893	78821393
1433	5	78519893	78826528
1434	5	78519893	78826538
1435	5	78519893	78826612
1436	5	78519893	78918620
1437	5	78519893	78918850
1438	5	78519893	79056960
1439	5	78519893	79163631
1440	5	78519893	79176557
1441	5	78519893	79188028
1442	5	78519893	79201760
1443	5	78519893	79230005
1444	5	78519893	79230318
1445	5	78519893	79505592
1446	5	78519893	79510072
1447	5	78519893	79538012
1448	5	78519893	79538048
1449	5	78519893	79538367
1450	5	78519893	79669824
1451	5	78519893	79682242

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1452	5	78519893	79699261
1453	5	78519893	79710673
1454	5	78519893	79861902
1455	5	78519893	79867710
1456	5	78519893	79867868
1457	5	78519893	79867873
1458	5	78519893	79961961
1459	5	78519893	80086268
1460	5	78519893	80190673
1461	5	78519893	80190777
1462	5	78519893	80192546
1463	5	78519893	80195395
1464	5	78519893	80199923
1465	5	78519893	80241911
1466	5	78519893	80282785
1467	5	78519893	80345337
1468	5	78519893	80389787
1469	5	78519893	80411639
1470	5	78519893	80446855
1471	5	78519893	80492790
1472	5	78519893	80670554
1473	5	78519893	80674679
1474	5	78519893	80720509
1475	5	78519893	80800856
1476	5	78519893	80804587
1477	5	78519893	80807409
1478	5	78519893	80835734

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1479	5	78519893	80971764
1480	5	78519893	80972258
1481	5	78519893	80974450
1482	5	78519893	81047638
1483	5	78519893	81082921
1484	5	78519893	81157909
1485	5	78519893	81265937
1486	5	78519893	81265937
1487	5	78519893	81267485
1488	5	78519893	81267499
1489	5	78519893	81274512
1490	5	78519893	81763618
1491	5	78519893	81797217
1492	5	78519893	81800186
1493	5	78519893	81806213
1494	5	78519893	81854583
1495	5	78519893	81859374
1496	5	78519893	81861368
1497	5	78519893	81863686
1498	5	78519893	81916850
1499	5	78519893	81954891
1500	5	78519893	81985250
1501	5	78519893	82083752
1502	5	78519893	82101253
1503	5	78519893	82143124
1504	5	78519893	82236318
1505	5	78519893	82325587

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1506	5	78519893	82427210
1507	5	78519893	82431853
1508	5	78519893	82446714
1509	5	78519893	82446794
1510	5	78519893	82551111
1511	5	78519893	82552090
1512	5	78519893	82555641
1513	5	78519893	82555670
1514	5	78519893	82556511
1515	5	78519893	82559047
1516	5	78519893	82561535
1517	5	78519893	82610100
1518	5	78519893	82676822
1519	5	78519893	82676901
1520	5	78519893	82883691
1521	5	78519893	82954942
1522	5	78519893	82971688
1523	5	78519893	83023965
1524	5	78519893	83094205
1525	5	78519893	83146355
1526	5	78519893	83280630
1527	5	78519893	83281412
1528	5	78519893	83400242
1529	5	78519893	83405797
1530	5	78519893	83437132
1531	5	78519893	83522252
1532	5	78519893	83560095

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1533	5	78519893	83560204
1534	5	78519893	83572400
1535	5	78519893	83607661
1536	5	78519893	83745342
1537	5	78519893	83861275
1538	5	78519893	83861633
1539	5	78519893	83865653
1540	5	78519893	83865914
1541	5	78519893	83865920
1542	5	78519893	83868010
1543	5	78519893	84019752
1544	5	78519893	84065912
1545	5	78519893	84086632
1546	5	78519893	84089603
1547	5	78519893	84104814
1548	5	78519893	84105175
1549	5	78519893	84251635
1550	5	78519893	84252180
1551	5	78519893	84253030
1552	5	78519893	84254208
1553	5	78519893	84314930
1554	5	78519893	84340523
1555	5	78519893	84516340
1556	5	78519893	84706916
1557	5	78519893	84799488
1558	5	78519893	84801081
1559	5	78519893	84824103



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1560	5	78519893	84824203
1561	5	78519893	84824816
1562	5	78519893	84825422
1563	5	78519893	84825763
1564	5	78519893	84825942
1565	5	78519893	84843411
1566	5	78519893	84936441
1567	5	78519893	84936493
1568	5	78519893	84943705
1569	5	78519893	169454950
1570	5	78519893	181522829
1571	5	78519893	204759879
1572	5	78519893	209874191
1573	5	78758856	78765635
1574	5	78758856	78780292
1575	5	78758856	78813114
1576	5	78758856	78814710
1577	5	78758856	78814976
1578	5	78758856	78815306
1579	5	78758856	78821393
1580	5	78758856	78826528
1581	5	78758856	78826538
1582	5	78758856	78826612
1583	5	78758856	78918620
1584	5	78758856	78918850
1585	5	78758856	79056960
1586	5	78758856	79163631

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1587	5	78758856	79176557
1588	5	78758856	79188028
1589	5	78758856	79201760
1590	5	78758856	79230005
1591	5	78758856	79230318
1592	5	78758856	79505592
1593	5	78758856	79510072
1594	5	78758856	79538012
1595	5	78758856	79538048
1596	5	78758856	79538367
1597	5	78758856	79669824
1598	5	78758856	79682242
1599	5	78758856	79699261
1600	5	78758856	79710673
1601	5	78758856	79861902
1602	5	78758856	79867710
1603	5	78758856	79867868
1604	5	78758856	79867873
1605	5	78758856	79961961
1606	5	78758856	80086268
1607	5	78758856	80190673
1608	5	78758856	80190777
1609	5	78758856	80192546
1610	5	78758856	80195395
1611	5	78758856	80199923
1612	5	78758856	80241911
1613	5	78758856	80282785

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1614	5	78758856	80345337
1615	5	78758856	80389787
1616	5	78758856	80411639
1617	5	78758856	80446855
1618	5	78758856	80492790
1619	5	78758856	80670554
1620	5	78758856	80674679
1621	5	78758856	80720509
1622	5	78758856	80800856
1623	5	78758856	80804587
1624	5	78758856	80807409
1625	5	78758856	80835734
1626	5	78758856	80971764
1627	5	78758856	80972258
1628	5	78758856	80974450
1629	5	78758856	81047638
1630	5	78758856	81082921
1631	5	78758856	81157909
1632	5	78758856	81265937
1633	5	78758856	81265937
1634	5	78758856	81267485
1635	5	78758856	81267499
1636	5	78758856	81274512
1637	5	78758856	81763618
1638	5	78758856	81797217
1639	5	78758856	81800186
1640	5	78758856	81806213

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1641	5	78758856	81854583
1642	5	78758856	81859374
1643	5	78758856	81861368
1644	5	78758856	81863686
1645	5	78758856	81916850
1646	5	78758856	81954891
1647	5	78758856	81985250
1648	5	78758856	82083752
1649	5	78758856	82101253
1650	5	78758856	82143124
1651	5	78758856	82236318
1652	5	78758856	82325587
1653	5	78758856	82427210
1654	5	78758856	82431853
1655	5	78758856	82446714
1656	5	78758856	82446794
1657	5	78758856	82551111
1658	5	78758856	82552090
1659	5	78758856	82555641
1660	5	78758856	82555670
1661	5	78758856	82556511
1662	5	78758856	82559047
1663	5	78758856	82561535
1664	5	78758856	82610100
1665	5	78758856	82676822
1666	5	78758856	82676901
1667	5	78758856	82883691

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1668	5	78758856	82954942
1669	5	78758856	82971688
1670	5	78758856	83023965
1671	5	78758856	83094205
1672	5	78758856	83146355
1673	5	78758856	83280630
1674	5	78758856	83281412
1675	5	78758856	83400242
1676	5	78758856	83405797
1677	5	78758856	83437132
1678	5	78758856	83522252
1679	5	78758856	83560095
1680	5	78758856	83560204
1681	5	78758856	83572400
1682	5	78758856	83607661
1683	5	78758856	83745342
1684	5	78758856	83861275
1685	5	78758856	83861633
1686	5	78758856	83865653
1687	5	78758856	83865914
1688	5	78758856	83865920
1689	5	78758856	83868010
1690	5	78758856	84019752
1691	5	78758856	84065912
1692	5	78758856	84086632
1693	5	78758856	84089603
1694	5	78758856	84104814

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1695	5	78758856	84105175
1696	5	78758856	84251635
1697	5	78758856	84252180
1698	5	78758856	84253030
1699	5	78758856	84254208
1700	5	78758856	84314930
1701	5	78758856	84340523
1702	5	78758856	84516340
1703	5	78758856	84706916
1704	5	78758856	84799488
1705	5	78758856	84801081
1706	5	78758856	84824103
1707	5	78758856	84824203
1708	5	78758856	84824816
1709	5	78758856	84825422
1710	5	78758856	84825763
1711	5	78758856	84825942
1712	5	78758856	84843411
1713	5	78758856	84936441
1714	5	78758856	84936493
1715	5	78758856	84943705
1716	5	78758856	169454950
1717	5	78758856	181522829
1718	5	78758856	204759879
1719	5	78758856	209874191
1720	5	78772058	78780292
1721	5	78772058	78813114

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1722	5	78772058	78814710
1723	5	78772058	78814976
1724	5	78772058	78815306
1725	5	78772058	78821393
1726	5	78772058	78826528
1727	5	78772058	78826538
1728	5	78772058	78826612
1729	5	78772058	78918620
1730	5	78772058	78918850
1731	5	78772058	79056960
1732	5	78772058	79163631
1733	5	78772058	79176557
1734	5	78772058	79188028
1735	5	78772058	79201760
1736	5	78772058	79230005
1737	5	78772058	79230318
1738	5	78772058	79505592
1739	5	78772058	79510072
1740	5	78772058	79538012
1741	5	78772058	79538048
1742	5	78772058	79538367
1743	5	78772058	79669824
1744	5	78772058	79682242
1745	5	78772058	79699261
1746	5	78772058	79710673
1747	5	78772058	79861902
1748	5	78772058	79867710

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1749	5	78772058	79867868
1750	5	78772058	79867873
1751	5	78772058	79961961
1752	5	78772058	80086268
1753	5	78772058	80190673
1754	5	78772058	80190777
1755	5	78772058	80192546
1756	5	78772058	80195395
1757	5	78772058	80199923
1758	5	78772058	80241911
1759	5	78772058	80282785
1760	5	78772058	80345337
1761	5	78772058	80389787
1762	5	78772058	80411639
1763	5	78772058	80446855
1764	5	78772058	80492790
1765	5	78772058	80670554
1766	5	78772058	80674679
1767	5	78772058	80720509
1768	5	78772058	80800856
1769	5	78772058	80804587
1770	5	78772058	80807409
1771	5	78772058	80835734
1772	5	78772058	80971764
1773	5	78772058	80972258
1774	5	78772058	80974450
1775	5	78772058	81047638



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1776	5	78772058	81082921
1777	5	78772058	81157909
1778	5	78772058	81265937
1779	5	78772058	81265937
1780	5	78772058	81267485
1781	5	78772058	81267499
1782	5	78772058	81274512
1783	5	78772058	81763618
1784	5	78772058	81797217
1785	5	78772058	81800186
1786	5	78772058	81806213
1787	5	78772058	81854583
1788	5	78772058	81859374
1789	5	78772058	81861368
1790	5	78772058	81863686
1791	5	78772058	81916850
1792	5	78772058	81954891
1793	5	78772058	81985250
1794	5	78772058	82083752
1795	5	78772058	82101253
1796	5	78772058	82143124
1797	5	78772058	82236318
1798	5	78772058	82325587
1799	5	78772058	82427210
1800	5	78772058	82431853
1801	5	78772058	82446714
1802	5	78772058	82446794

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1803	5	78772058	82551111
1804	5	78772058	82552090
1805	5	78772058	82555641
1806	5	78772058	82555670
1807	5	78772058	82556511
1808	5	78772058	82559047
1809	5	78772058	82561535
1810	5	78772058	82610100
1811	5	78772058	82676822
1812	5	78772058	82676901
1813	5	78772058	82883691
1814	5	78772058	82954942
1815	5	78772058	82971688
1816	5	78772058	83023965
1817	5	78772058	83094205
1818	5	78772058	83146355
1819	5	78772058	83280630
1820	5	78772058	83281412
1821	5	78772058	83400242
1822	5	78772058	83405797
1823	5	78772058	83437132
1824	5	78772058	83522252
1825	5	78772058	83560095
1826	5	78772058	83560204
1827	5	78772058	83572400
1828	5	78772058	83607661
1829	5	78772058	83745342

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1830	5	78772058	83861275
1831	5	78772058	83861633
1832	5	78772058	83865653
1833	5	78772058	83865914
1834	5	78772058	83865920
1835	5	78772058	83868010
1836	5	78772058	84019752
1837	5	78772058	84065912
1838	5	78772058	84086632
1839	5	78772058	84089603
1840	5	78772058	84104814
1841	5	78772058	84105175
1842	5	78772058	84251635
1843	5	78772058	84252180
1844	5	78772058	84253030
1845	5	78772058	84254208
1846	5	78772058	84314930
1847	5	78772058	84340523
1848	5	78772058	84516340
1849	5	78772058	84706916
1850	5	78772058	84799488
1851	5	78772058	84801081
1852	5	78772058	84824103
1853	5	78772058	84824203
1854	5	78772058	84824816
1855	5	78772058	84825422
1856	5	78772058	84825763

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1857	5	78772058	84825942
1858	5	78772058	84843411
1859	5	78772058	84936441
1860	5	78772058	84936493
1861	5	78772058	84943705
1862	5	78772058	169454950
1863	5	78772058	181522829
1864	5	78772058	204759879
1865	5	78772058	209874191
1866	5	78804756	78813114
1867	5	78804756	78814710
1868	5	78804756	78814976
1869	5	78804756	78815306
1870	5	78804756	78821393
1871	5	78804756	78826528
1872	5	78804756	78826538
1873	5	78804756	78826612
1874	5	78804756	78918620
1875	5	78804756	78918850
1876	5	78804756	79056960
1877	5	78804756	79163631
1878	5	78804756	79176557
1879	5	78804756	79188028
1880	5	78804756	79201760
1881	5	78804756	79230005
1882	5	78804756	79230318
1883	5	78804756	79505592

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1884	5	78804756	79510072
1885	5	78804756	79538012
1886	5	78804756	79538048
1887	5	78804756	79538367
1888	5	78804756	79669824
1889	5	78804756	79682242
1890	5	78804756	79699261
1891	5	78804756	79710673
1892	5	78804756	79861902
1893	5	78804756	79867710
1894	5	78804756	79867868
1895	5	78804756	79867873
1896	5	78804756	79961961
1897	5	78804756	80086268
1898	5	78804756	80190673
1899	5	78804756	80190777
1900	5	78804756	80192546
1901	5	78804756	80195395
1902	5	78804756	80199923
1903	5	78804756	80241911
1904	5	78804756	80282785
1905	5	78804756	80345337
1906	5	78804756	80389787
1907	5	78804756	80411639
1908	5	78804756	80446855
1909	5	78804756	80492790
1910	5	78804756	80670554

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1911	5	78804756	80674679
1912	5	78804756	80720509
1913	5	78804756	80800856
1914	5	78804756	80804587
1915	5	78804756	80807409
1916	5	78804756	80835734
1917	5	78804756	80971764
1918	5	78804756	80972258
1919	5	78804756	80974450
1920	5	78804756	81047638
1921	5	78804756	81082921
1922	5	78804756	81157909
1923	5	78804756	81265937
1924	5	78804756	81265937
1925	5	78804756	81267485
1926	5	78804756	81267499
1927	5	78804756	81274512
1928	5	78804756	81763618
1929	5	78804756	81797217
1930	5	78804756	81800186
1931	5	78804756	81806213
1932	5	78804756	81854583
1933	5	78804756	81859374
1934	5	78804756	81861368
1935	5	78804756	81863686
1936	5	78804756	81916850
1937	5	78804756	81954891

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1938	5	78804756	81985250
1939	5	78804756	82083752
1940	5	78804756	82101253
1941	5	78804756	82143124
1942	5	78804756	82236318
1943	5	78804756	82325587
1944	5	78804756	82427210
1945	5	78804756	82431853
1946	5	78804756	82446714
1947	5	78804756	82446794
1948	5	78804756	82551111
1949	5	78804756	82552090
1950	5	78804756	82555641
1951	5	78804756	82555670
1952	5	78804756	82556511
1953	5	78804756	82559047
1954	5	78804756	82561535
1955	5	78804756	82610100
1956	5	78804756	82676822
1957	5	78804756	82676901
1958	5	78804756	82883691
1959	5	78804756	82954942
1960	5	78804756	82971688
1961	5	78804756	83023965
1962	5	78804756	83094205
1963	5	78804756	83146355
1964	5	78804756	83280630

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1965	5	78804756	83281412
1966	5	78804756	83400242
1967	5	78804756	83405797
1968	5	78804756	83437132
1969	5	78804756	83522252
1970	5	78804756	83560095
1971	5	78804756	83560204
1972	5	78804756	83572400
1973	5	78804756	83607661
1974	5	78804756	83745342
1975	5	78804756	83861275
1976	5	78804756	83861633
1977	5	78804756	83865653
1978	5	78804756	83865914
1979	5	78804756	83865920
1980	5	78804756	83868010
1981	5	78804756	84019752
1982	5	78804756	84065912
1983	5	78804756	84086632
1984	5	78804756	84089603
1985	5	78804756	84104814
1986	5	78804756	84105175
1987	5	78804756	84251635
1988	5	78804756	84252180
1989	5	78804756	84253030
1990	5	78804756	84254208
1991	5	78804756	84314930



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
1992	5	78804756	84340523
1993	5	78804756	84516340
1994	5	78804756	84706916
1995	5	78804756	84799488
1996	5	78804756	84801081
1997	5	78804756	84824103
1998	5	78804756	84824203
1999	5	78804756	84824816
2000	5	78804756	84825422
2001	5	78804756	84825763
2002	5	78804756	84825942
2003	5	78804756	84843411
2004	5	78804756	84936441
2005	5	78804756	84936493
2006	5	78804756	84943705
2007	5	78804756	169454950
2008	5	78804756	181522829
2009	5	78804756	204759879
2010	5	78804756	209874191
2011	5	78805059	78813114
2012	5	78805059	78814710
2013	5	78805059	78814976
2014	5	78805059	78815306
2015	5	78805059	78821393
2016	5	78805059	78826528
2017	5	78805059	78826538
2018	5	78805059	78826612

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2019	5	78805059	78918620
2020	5	78805059	78918850
2021	5	78805059	79056960
2022	5	78805059	79163631
2023	5	78805059	79176557
2024	5	78805059	79188028
2025	5	78805059	79201760
2026	5	78805059	79230005
2027	5	78805059	79230318
2028	5	78805059	79505592
2029	5	78805059	79510072
2030	5	78805059	79538012
2031	5	78805059	79538048
2032	5	78805059	79538367
2033	5	78805059	79669824
2034	5	78805059	79682242
2035	5	78805059	79699261
2036	5	78805059	79710673
2037	5	78805059	79861902
2038	5	78805059	79867710
2039	5	78805059	79867868
2040	5	78805059	79867873
2041	5	78805059	79961961
2042	5	78805059	80086268
2043	5	78805059	80190673
2044	5	78805059	80190777
2045	5	78805059	80192546

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2046	5	78805059	80195395
2047	5	78805059	80199923
2048	5	78805059	80241911
2049	5	78805059	80282785
2050	5	78805059	80345337
2051	5	78805059	80389787
2052	5	78805059	80411639
2053	5	78805059	80446855
2054	5	78805059	80492790
2055	5	78805059	80670554
2056	5	78805059	80674679
2057	5	78805059	80720509
2058	5	78805059	80800856
2059	5	78805059	80804587
2060	5	78805059	80807409
2061	5	78805059	80835734
2062	5	78805059	80971764
2063	5	78805059	80972258
2064	5	78805059	80974450
2065	5	78805059	81047638
2066	5	78805059	81082921
2067	5	78805059	81157909
2068	5	78805059	81265937
2069	5	78805059	81265937
2070	5	78805059	81267485
2071	5	78805059	81267499
2072	5	78805059	81274512

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2073	5	78805059	81763618
2074	5	78805059	81797217
2075	5	78805059	81800186
2076	5	78805059	81806213
2077	5	78805059	81854583
2078	5	78805059	81859374
2079	5	78805059	81861368
2080	5	78805059	81863686
2081	5	78805059	81916850
2082	5	78805059	81954891
2083	5	78805059	81985250
2084	5	78805059	82083752
2085	5	78805059	82101253
2086	5	78805059	82143124
2087	5	78805059	82236318
2088	5	78805059	82325587
2089	5	78805059	82427210
2090	5	78805059	82431853
2091	5	78805059	82446714
2092	5	78805059	82446794
2093	5	78805059	82551111
2094	5	78805059	82552090
2095	5	78805059	82555641
2096	5	78805059	82555670
2097	5	78805059	82556511
2098	5	78805059	82559047
2099	5	78805059	82561535

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2100	5	78805059	82610100
2101	5	78805059	82676822
2102	5	78805059	82676901
2103	5	78805059	82883691
2104	5	78805059	82954942
2105	5	78805059	82971688
2106	5	78805059	83023965
2107	5	78805059	83094205
2108	5	78805059	83146355
2109	5	78805059	83280630
2110	5	78805059	83281412
2111	5	78805059	83400242
2112	5	78805059	83405797
2113	5	78805059	83437132
2114	5	78805059	83522252
2115	5	78805059	83560095
2116	5	78805059	83560204
2117	5	78805059	83572400
2118	5	78805059	83607661
2119	5	78805059	83745342
2120	5	78805059	83861275
2121	5	78805059	83861633
2122	5	78805059	83865653
2123	5	78805059	83865914
2124	5	78805059	83865920
2125	5	78805059	83868010
2126	5	78805059	84019752

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2127	5	78805059	84065912
2128	5	78805059	84086632
2129	5	78805059	84089603
2130	5	78805059	84104814
2131	5	78805059	84105175
2132	5	78805059	84251635
2133	5	78805059	84252180
2134	5	78805059	84253030
2135	5	78805059	84254208
2136	5	78805059	84314930
2137	5	78805059	84340523
2138	5	78805059	84516340
2139	5	78805059	84706916
2140	5	78805059	84799488
2141	5	78805059	84801081
2142	5	78805059	84824103
2143	5	78805059	84824203
2144	5	78805059	84824816
2145	5	78805059	84825422
2146	5	78805059	84825763
2147	5	78805059	84825942
2148	5	78805059	84843411
2149	5	78805059	84936441
2150	5	78805059	84936493
2151	5	78805059	84943705
2152	5	78805059	169454950
2153	5	78805059	181522829

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2154	5	78805059	204759879
2155	5	78805059	209874191
2156	5	78814424	78814710
2157	5	78814424	78814976
2158	5	78814424	78815306
2159	5	78814424	78821393
2160	5	78814424	78826528
2161	5	78814424	78826538
2162	5	78814424	78826612
2163	5	78814424	78918620
2164	5	78814424	78918850
2165	5	78814424	79056960
2166	5	78814424	79163631
2167	5	78814424	79176557
2168	5	78814424	79188028
2169	5	78814424	79201760
2170	5	78814424	79230005
2171	5	78814424	79230318
2172	5	78814424	79505592
2173	5	78814424	79510072
2174	5	78814424	79538012
2175	5	78814424	79538048
2176	5	78814424	79538367
2177	5	78814424	79669824
2178	5	78814424	79682242
2179	5	78814424	79699261
2180	5	78814424	79710673

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2181	5	78814424	79861902
2182	5	78814424	79867710
2183	5	78814424	79867868
2184	5	78814424	79867873
2185	5	78814424	79961961
2186	5	78814424	80086268
2187	5	78814424	80190673
2188	5	78814424	80190777
2189	5	78814424	80192546
2190	5	78814424	80195395
2191	5	78814424	80199923
2192	5	78814424	80241911
2193	5	78814424	80282785
2194	5	78814424	80345337
2195	5	78814424	80389787
2196	5	78814424	80411639
2197	5	78814424	80446855
2198	5	78814424	80492790
2199	5	78814424	80670554
2200	5	78814424	80674679
2201	5	78814424	80720509
2202	5	78814424	80800856
2203	5	78814424	80804587
2204	5	78814424	80807409
2205	5	78814424	80835734
2206	5	78814424	80971764
2207	5	78814424	80972258



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2208	5	78814424	80974450
2209	5	78814424	81047638
2210	5	78814424	81082921
2211	5	78814424	81157909
2212	5	78814424	81265937
2213	5	78814424	81265937
2214	5	78814424	81267485
2215	5	78814424	81267499
2216	5	78814424	81274512
2217	5	78814424	81763618
2218	5	78814424	81797217
2219	5	78814424	81800186
2220	5	78814424	81806213
2221	5	78814424	81854583
2222	5	78814424	81859374
2223	5	78814424	81861368
2224	5	78814424	81863686
2225	5	78814424	81916850
2226	5	78814424	81954891
2227	5	78814424	81985250
2228	5	78814424	82083752
2229	5	78814424	82101253
2230	5	78814424	82143124
2231	5	78814424	82236318
2232	5	78814424	82325587
2233	5	78814424	82427210
2234	5	78814424	82431853

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2235	5	78814424	82446714
2236	5	78814424	82446794
2237	5	78814424	82551111
2238	5	78814424	82552090
2239	5	78814424	82555641
2240	5	78814424	82555670
2241	5	78814424	82556511
2242	5	78814424	82559047
2243	5	78814424	82561535
2244	5	78814424	82610100
2245	5	78814424	82676822
2246	5	78814424	82676901
2247	5	78814424	82883691
2248	5	78814424	82954942
2249	5	78814424	82971688
2250	5	78814424	83023965
2251	5	78814424	83094205
2252	5	78814424	83146355
2253	5	78814424	83280630
2254	5	78814424	83281412
2255	5	78814424	83400242
2256	5	78814424	83405797
2257	5	78814424	83437132
2258	5	78814424	83522252
2259	5	78814424	83560095
2260	5	78814424	83560204
2261	5	78814424	83572400

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2262	5	78814424	83607661
2263	5	78814424	83745342
2264	5	78814424	83861275
2265	5	78814424	83861633
2266	5	78814424	83865653
2267	5	78814424	83865914
2268	5	78814424	83865920
2269	5	78814424	83868010
2270	5	78814424	84019752
2271	5	78814424	84065912
2272	5	78814424	84086632
2273	5	78814424	84089603
2274	5	78814424	84104814
2275	5	78814424	84105175
2276	5	78814424	84251635
2277	5	78814424	84252180
2278	5	78814424	84253030
2279	5	78814424	84254208
2280	5	78814424	84314930
2281	5	78814424	84340523
2282	5	78814424	84516340
2283	5	78814424	84706916
2284	5	78814424	84799488
2285	5	78814424	84801081
2286	5	78814424	84824103
2287	5	78814424	84824203
2288	5	78814424	84824816

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2289	5	78814424	84825422
2290	5	78814424	84825763
2291	5	78814424	84825942
2292	5	78814424	84843411
2293	5	78814424	84936441
2294	5	78814424	84936493
2295	5	78814424	84943705
2296	5	78814424	169454950
2297	5	78814424	181522829
2298	5	78814424	204759879
2299	5	78814424	209874191
2300	5	78819803	78821393
2301	5	78819803	78826528
2302	5	78819803	78826538
2303	5	78819803	78826612
2304	5	78819803	78918620
2305	5	78819803	78918850
2306	5	78819803	79056960
2307	5	78819803	79163631
2308	5	78819803	79176557
2309	5	78819803	79188028
2310	5	78819803	79201760
2311	5	78819803	79230005
2312	5	78819803	79230318
2313	5	78819803	79505592
2314	5	78819803	79510072
2315	5	78819803	79538012

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2316	5	78819803	79538048
2317	5	78819803	79538367
2318	5	78819803	79669824
2319	5	78819803	79682242
2320	5	78819803	79699261
2321	5	78819803	79710673
2322	5	78819803	79861902
2323	5	78819803	79867710
2324	5	78819803	79867868
2325	5	78819803	79867873
2326	5	78819803	79961961
2327	5	78819803	80086268
2328	5	78819803	80190673
2329	5	78819803	80190777
2330	5	78819803	80192546
2331	5	78819803	80195395
2332	5	78819803	80199923
2333	5	78819803	80241911
2334	5	78819803	80282785
2335	5	78819803	80345337
2336	5	78819803	80389787
2337	5	78819803	80411639
2338	5	78819803	80446855
2339	5	78819803	80492790
2340	5	78819803	80670554
2341	5	78819803	80674679
2342	5	78819803	80720509

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2343	5	78819803	80800856
2344	5	78819803	80804587
2345	5	78819803	80807409
2346	5	78819803	80835734
2347	5	78819803	80971764
2348	5	78819803	80972258
2349	5	78819803	80974450
2350	5	78819803	81047638
2351	5	78819803	81082921
2352	5	78819803	81157909
2353	5	78819803	81265937
2354	5	78819803	81265937
2355	5	78819803	81267485
2356	5	78819803	81267499
2357	5	78819803	81274512
2358	5	78819803	81763618
2359	5	78819803	81797217
2360	5	78819803	81800186
2361	5	78819803	81806213
2362	5	78819803	81854583
2363	5	78819803	81859374
2364	5	78819803	81861368
2365	5	78819803	81863686
2366	5	78819803	81916850
2367	5	78819803	81954891
2368	5	78819803	81985250
2369	5	78819803	82083752

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2370	5	78819803	82101253
2371	5	78819803	82143124
2372	5	78819803	82236318
2373	5	78819803	82325587
2374	5	78819803	82427210
2375	5	78819803	82431853
2376	5	78819803	82446714
2377	5	78819803	82446794
2378	5	78819803	82551111
2379	5	78819803	82552090
2380	5	78819803	82555641
2381	5	78819803	82555670
2382	5	78819803	82556511
2383	5	78819803	82559047
2384	5	78819803	82561535
2385	5	78819803	82610100
2386	5	78819803	82676822
2387	5	78819803	82676901
2388	5	78819803	82883691
2389	5	78819803	82954942
2390	5	78819803	82971688
2391	5	78819803	83023965
2392	5	78819803	83094205
2393	5	78819803	83146355
2394	5	78819803	83280630
2395	5	78819803	83281412
2396	5	78819803	83400242

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2397	5	78819803	83405797
2398	5	78819803	83437132
2399	5	78819803	83522252
2400	5	78819803	83560095
2401	5	78819803	83560204
2402	5	78819803	83572400
2403	5	78819803	83607661
2404	5	78819803	83745342
2405	5	78819803	83861275
2406	5	78819803	83861633
2407	5	78819803	83865653
2408	5	78819803	83865914
2409	5	78819803	83865920
2410	5	78819803	83868010
2411	5	78819803	84019752
2412	5	78819803	84065912
2413	5	78819803	84086632
2414	5	78819803	84089603
2415	5	78819803	84104814
2416	5	78819803	84105175
2417	5	78819803	84251635
2418	5	78819803	84252180
2419	5	78819803	84253030
2420	5	78819803	84254208
2421	5	78819803	84314930
2422	5	78819803	84340523
2423	5	78819803	84516340



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2424	5	78819803	84706916
2425	5	78819803	84799488
2426	5	78819803	84801081
2427	5	78819803	84824103
2428	5	78819803	84824203
2429	5	78819803	84824816
2430	5	78819803	84825422
2431	5	78819803	84825763
2432	5	78819803	84825942
2433	5	78819803	84843411
2434	5	78819803	84936441
2435	5	78819803	84936493
2436	5	78819803	84943705
2437	5	78819803	169454950
2438	5	78819803	181522829
2439	5	78819803	204759879
2440	5	78819803	209874191
2441	5	78820119	78821393
2442	5	78820119	78826528
2443	5	78820119	78826538
2444	5	78820119	78826612
2445	5	78820119	78918620
2446	5	78820119	78918850
2447	5	78820119	79056960
2448	5	78820119	79163631
2449	5	78820119	79176557
2450	5	78820119	79188028

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2451	5	78820119	79201760
2452	5	78820119	79230005
2453	5	78820119	79230318
2454	5	78820119	79505592
2455	5	78820119	79510072
2456	5	78820119	79538012
2457	5	78820119	79538048
2458	5	78820119	79538367
2459	5	78820119	79669824
2460	5	78820119	79682242
2461	5	78820119	79699261
2462	5	78820119	79710673
2463	5	78820119	79861902
2464	5	78820119	79867710
2465	5	78820119	79867868
2466	5	78820119	79867873
2467	5	78820119	79961961
2468	5	78820119	80086268
2469	5	78820119	80190673
2470	5	78820119	80190777
2471	5	78820119	80192546
2472	5	78820119	80195395
2473	5	78820119	80199923
2474	5	78820119	80241911
2475	5	78820119	80282785
2476	5	78820119	80345337
2477	5	78820119	80389787

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2478	5	78820119	80411639
2479	5	78820119	80446855
2480	5	78820119	80492790
2481	5	78820119	80670554
2482	5	78820119	80674679
2483	5	78820119	80720509
2484	5	78820119	80800856
2485	5	78820119	80804587
2486	5	78820119	80807409
2487	5	78820119	80835734
2488	5	78820119	80971764
2489	5	78820119	80972258
2490	5	78820119	80974450
2491	5	78820119	81047638
2492	5	78820119	81082921
2493	5	78820119	81157909
2494	5	78820119	81265937
2495	5	78820119	81265937
2496	5	78820119	81267485
2497	5	78820119	81267499
2498	5	78820119	81274512
2499	5	78820119	81763618
2500	5	78820119	81797217
2501	5	78820119	81800186
2502	5	78820119	81806213
2503	5	78820119	81854583
2504	5	78820119	81859374

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2505	5	78820119	81861368
2506	5	78820119	81863686
2507	5	78820119	81916850
2508	5	78820119	81954891
2509	5	78820119	81985250
2510	5	78820119	82083752
2511	5	78820119	82101253
2512	5	78820119	82143124
2513	5	78820119	82236318
2514	5	78820119	82325587
2515	5	78820119	82427210
2516	5	78820119	82431853
2517	5	78820119	82446714
2518	5	78820119	82446794
2519	5	78820119	82551111
2520	5	78820119	82552090
2521	5	78820119	82555641
2522	5	78820119	82555670
2523	5	78820119	82556511
2524	5	78820119	82559047
2525	5	78820119	82561535
2526	5	78820119	82610100
2527	5	78820119	82676822
2528	5	78820119	82676901
2529	5	78820119	82883691
2530	5	78820119	82954942
2531	5	78820119	82971688

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2532	5	78820119	83023965
2533	5	78820119	83094205
2534	5	78820119	83146355
2535	5	78820119	83280630
2536	5	78820119	83281412
2537	5	78820119	83400242
2538	5	78820119	83405797
2539	5	78820119	83437132
2540	5	78820119	83522252
2541	5	78820119	83560095
2542	5	78820119	83560204
2543	5	78820119	83572400
2544	5	78820119	83607661
2545	5	78820119	83745342
2546	5	78820119	83861275
2547	5	78820119	83861633
2548	5	78820119	83865653
2549	5	78820119	83865914
2550	5	78820119	83865920
2551	5	78820119	83868010
2552	5	78820119	84019752
2553	5	78820119	84065912
2554	5	78820119	84086632
2555	5	78820119	84089603
2556	5	78820119	84104814
2557	5	78820119	84105175
2558	5	78820119	84251635

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2559	5	78820119	84252180
2560	5	78820119	84253030
2561	5	78820119	84254208
2562	5	78820119	84314930
2563	5	78820119	84340523
2564	5	78820119	84516340
2565	5	78820119	84706916
2566	5	78820119	84799488
2567	5	78820119	84801081
2568	5	78820119	84824103
2569	5	78820119	84824203
2570	5	78820119	84824816
2571	5	78820119	84825422
2572	5	78820119	84825763
2573	5	78820119	84825942
2574	5	78820119	84843411
2575	5	78820119	84936441
2576	5	78820119	84936493
2577	5	78820119	84943705
2578	5	78820119	169454950
2579	5	78820119	181522829
2580	5	78820119	204759879
2581	5	78820119	209874191
2582	5	78904639	78918620
2583	5	78904639	78918850
2584	5	78904639	79056960
2585	5	78904639	79163631

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2586	5	78904639	79176557
2587	5	78904639	79188028
2588	5	78904639	79201760
2589	5	78904639	79230005
2590	5	78904639	79230318
2591	5	78904639	79505592
2592	5	78904639	79510072
2593	5	78904639	79538012
2594	5	78904639	79538048
2595	5	78904639	79538367
2596	5	78904639	79669824
2597	5	78904639	79682242
2598	5	78904639	79699261
2599	5	78904639	79710673
2600	5	78904639	79861902
2601	5	78904639	79867710
2602	5	78904639	79867868
2603	5	78904639	79867873
2604	5	78904639	79961961
2605	5	78904639	80086268
2606	5	78904639	80190673
2607	5	78904639	80190777
2608	5	78904639	80192546
2609	5	78904639	80195395
2610	5	78904639	80199923
2611	5	78904639	80241911
2612	5	78904639	80282785

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2613	5	78904639	80345337
2614	5	78904639	80389787
2615	5	78904639	80411639
2616	5	78904639	80446855
2617	5	78904639	80492790
2618	5	78904639	80670554
2619	5	78904639	80674679
2620	5	78904639	80720509
2621	5	78904639	80800856
2622	5	78904639	80804587
2623	5	78904639	80807409
2624	5	78904639	80835734
2625	5	78904639	80971764
2626	5	78904639	80972258
2627	5	78904639	80974450
2628	5	78904639	81047638
2629	5	78904639	81082921
2630	5	78904639	81157909
2631	5	78904639	81265937
2632	5	78904639	81265937
2633	5	78904639	81267485
2634	5	78904639	81267499
2635	5	78904639	81274512
2636	5	78904639	81763618
2637	5	78904639	81797217
2638	5	78904639	81800186
2639	5	78904639	81806213



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2640	5	78904639	81854583
2641	5	78904639	81859374
2642	5	78904639	81861368
2643	5	78904639	81863686
2644	5	78904639	81916850
2645	5	78904639	81954891
2646	5	78904639	81985250
2647	5	78904639	82083752
2648	5	78904639	82101253
2649	5	78904639	82143124
2650	5	78904639	82236318
2651	5	78904639	82325587
2652	5	78904639	82427210
2653	5	78904639	82431853
2654	5	78904639	82446714
2655	5	78904639	82446794
2656	5	78904639	82551111
2657	5	78904639	82552090
2658	5	78904639	82555641
2659	5	78904639	82555670
2660	5	78904639	82556511
2661	5	78904639	82559047
2662	5	78904639	82561535
2663	5	78904639	82610100
2664	5	78904639	82676822
2665	5	78904639	82676901
2666	5	78904639	82883691

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2667	5	78904639	82954942
2668	5	78904639	82971688
2669	5	78904639	83023965
2670	5	78904639	83094205
2671	5	78904639	83146355
2672	5	78904639	83280630
2673	5	78904639	83281412
2674	5	78904639	83400242
2675	5	78904639	83405797
2676	5	78904639	83437132
2677	5	78904639	83522252
2678	5	78904639	83560095
2679	5	78904639	83560204
2680	5	78904639	83572400
2681	5	78904639	83607661
2682	5	78904639	83745342
2683	5	78904639	83861275
2684	5	78904639	83861633
2685	5	78904639	83865653
2686	5	78904639	83865914
2687	5	78904639	83865920
2688	5	78904639	83868010
2689	5	78904639	84019752
2690	5	78904639	84065912
2691	5	78904639	84086632
2692	5	78904639	84089603
2693	5	78904639	84104814

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2694	5	78904639	84105175
2695	5	78904639	84251635
2696	5	78904639	84252180
2697	5	78904639	84253030
2698	5	78904639	84254208
2699	5	78904639	84314930
2700	5	78904639	84340523
2701	5	78904639	84516340
2702	5	78904639	84706916
2703	5	78904639	84799488
2704	5	78904639	84801081
2705	5	78904639	84824103
2706	5	78904639	84824203
2707	5	78904639	84824816
2708	5	78904639	84825422
2709	5	78904639	84825763
2710	5	78904639	84825942
2711	5	78904639	84843411
2712	5	78904639	84936441
2713	5	78904639	84936493
2714	5	78904639	84943705
2715	5	78904639	169454950
2716	5	78904639	181522829
2717	5	78904639	204759879
2718	5	78904639	209874191
2719	5	78918620	78918850
2720	5	78918620	79056960

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2721	5	78918620	79163631
2722	5	78918620	79176557
2723	5	78918620	79188028
2724	5	78918620	79201760
2725	5	78918620	79230005
2726	5	78918620	79230318
2727	5	78918620	79505592
2728	5	78918620	79510072
2729	5	78918620	79538012
2730	5	78918620	79538048
2731	5	78918620	79538367
2732	5	78918620	79669824
2733	5	78918620	79682242
2734	5	78918620	79699261
2735	5	78918620	79710673
2736	5	78918620	79861902
2737	5	78918620	79867710
2738	5	78918620	79867868
2739	5	78918620	79867873
2740	5	78918620	79961961
2741	5	78918620	80086268
2742	5	78918620	80190673
2743	5	78918620	80190777
2744	5	78918620	80192546
2745	5	78918620	80195395
2746	5	78918620	80199923
2747	5	78918620	80241911

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2748	5	78918620	80282785
2749	5	78918620	80345337
2750	5	78918620	80389787
2751	5	78918620	80411639
2752	5	78918620	80446855
2753	5	78918620	80492790
2754	5	78918620	80670554
2755	5	78918620	80674679
2756	5	78918620	80720509
2757	5	78918620	80800856
2758	5	78918620	80804587
2759	5	78918620	80807409
2760	5	78918620	80835734
2761	5	78918620	80971764
2762	5	78918620	80972258
2763	5	78918620	80974450
2764	5	78918620	81047638
2765	5	78918620	81082921
2766	5	78918620	81157909
2767	5	78918620	81265937
2768	5	78918620	81265937
2769	5	78918620	81267485
2770	5	78918620	81267499
2771	5	78918620	81274512
2772	5	78918620	81763618
2773	5	78918620	81797217
2774	5	78918620	81800186

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2775	5	78918620	81806213
2776	5	78918620	81854583
2777	5	78918620	81859374
2778	5	78918620	81861368
2779	5	78918620	81863686
2780	5	78918620	81916850
2781	5	78918620	81954891
2782	5	78918620	81985250
2783	5	78918620	82083752
2784	5	78918620	82101253
2785	5	78918620	82143124
2786	5	78918620	82236318
2787	5	78918620	82325587
2788	5	78918620	82427210
2789	5	78918620	82431853
2790	5	78918620	82446714
2791	5	78918620	82446794
2792	5	78918620	82551111
2793	5	78918620	82552090
2794	5	78918620	82555641
2795	5	78918620	82555670
2796	5	78918620	82556511
2797	5	78918620	82559047
2798	5	78918620	82561535
2799	5	78918620	82610100
2800	5	78918620	82676822
2801	5	78918620	82676901

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2802	5	78918620	82883691
2803	5	78918620	82954942
2804	5	78918620	82971688
2805	5	78918620	83023965
2806	5	78918620	83094205
2807	5	78918620	83146355
2808	5	78918620	83280630
2809	5	78918620	83281412
2810	5	78918620	83400242
2811	5	78918620	83405797
2812	5	78918620	83437132
2813	5	78918620	83522252
2814	5	78918620	83560095
2815	5	78918620	83560204
2816	5	78918620	83572400
2817	5	78918620	83607661
2818	5	78918620	83745342
2819	5	78918620	83861275
2820	5	78918620	83861633
2821	5	78918620	83865653
2822	5	78918620	83865914
2823	5	78918620	83865920
2824	5	78918620	83868010
2825	5	78918620	84019752
2826	5	78918620	84065912
2827	5	78918620	84086632
2828	5	78918620	84089603

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2829	5	78918620	84104814
2830	5	78918620	84105175
2831	5	78918620	84251635
2832	5	78918620	84252180
2833	5	78918620	84253030
2834	5	78918620	84254208
2835	5	78918620	84314930
2836	5	78918620	84340523
2837	5	78918620	84516340
2838	5	78918620	84706916
2839	5	78918620	84799488
2840	5	78918620	84801081
2841	5	78918620	84824103
2842	5	78918620	84824203
2843	5	78918620	84824816
2844	5	78918620	84825422
2845	5	78918620	84825763
2846	5	78918620	84825942
2847	5	78918620	84843411
2848	5	78918620	84936441
2849	5	78918620	84936493
2850	5	78918620	84943705
2851	5	78918620	169454950
2852	5	78918620	181522829
2853	5	78918620	204759879
2854	5	78918620	209874191
2855	5	79055654	78918620



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2856	5	79055654	79056960
2857	5	79055654	79163631
2858	5	79055654	79176557
2859	5	79055654	79188028
2860	5	79055654	79201760
2861	5	79055654	79230005
2862	5	79055654	79230318
2863	5	79055654	79505592
2864	5	79055654	79510072
2865	5	79055654	79538012
2866	5	79055654	79538048
2867	5	79055654	79538367
2868	5	79055654	79669824
2869	5	79055654	79682242
2870	5	79055654	79699261
2871	5	79055654	79710673
2872	5	79055654	79861902
2873	5	79055654	79867710
2874	5	79055654	79867868
2875	5	79055654	79867873
2876	5	79055654	79961961
2877	5	79055654	80086268
2878	5	79055654	80190673
2879	5	79055654	80190777
2880	5	79055654	80192546
2881	5	79055654	80195395
2882	5	79055654	80199923

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2883	5	79055654	80241911
2884	5	79055654	80282785
2885	5	79055654	80345337
2886	5	79055654	80389787
2887	5	79055654	80411639
2888	5	79055654	80446855
2889	5	79055654	80492790
2890	5	79055654	80670554
2891	5	79055654	80674679
2892	5	79055654	80720509
2893	5	79055654	80800856
2894	5	79055654	80804587
2895	5	79055654	80807409
2896	5	79055654	80835734
2897	5	79055654	80971764
2898	5	79055654	80972258
2899	5	79055654	80974450
2900	5	79055654	81047638
2901	5	79055654	81082921
2902	5	79055654	81157909
2903	5	79055654	81265937
2904	5	79055654	81265937
2905	5	79055654	81267485
2906	5	79055654	81267499
2907	5	79055654	81274512
2908	5	79055654	81763618
2909	5	79055654	81797217

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2910	5	79055654	81800186
2911	5	79055654	81806213
2912	5	79055654	81854583
2913	5	79055654	81859374
2914	5	79055654	81861368
2915	5	79055654	81863686
2916	5	79055654	81916850
2917	5	79055654	81954891
2918	5	79055654	81985250
2919	5	79055654	82083752
2920	5	79055654	82101253
2921	5	79055654	82143124
2922	5	79055654	82236318
2923	5	79055654	82325587
2924	5	79055654	82427210
2925	5	79055654	82431853
2926	5	79055654	82446714
2927	5	79055654	82446794
2928	5	79055654	82551111
2929	5	79055654	82552090
2930	5	79055654	82555641
2931	5	79055654	82555670
2932	5	79055654	82556511
2933	5	79055654	82559047
2934	5	79055654	82561535
2935	5	79055654	82610100
2936	5	79055654	82676822

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2937	5	79055654	82676901
2938	5	79055654	82883691
2939	5	79055654	82954942
2940	5	79055654	82971688
2941	5	79055654	83023965
2942	5	79055654	83094205
2943	5	79055654	83146355
2944	5	79055654	83280630
2945	5	79055654	83281412
2946	5	79055654	83400242
2947	5	79055654	83405797
2948	5	79055654	83437132
2949	5	79055654	83522252
2950	5	79055654	83560095
2951	5	79055654	83560204
2952	5	79055654	83572400
2953	5	79055654	83607661
2954	5	79055654	83745342
2955	5	79055654	83861275
2956	5	79055654	83861633
2957	5	79055654	83865653
2958	5	79055654	83865914
2959	5	79055654	83865920
2960	5	79055654	83868010
2961	5	79055654	84019752
2962	5	79055654	84065912
2963	5	79055654	84086632

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2964	5	79055654	84089603
2965	5	79055654	84104814
2966	5	79055654	84105175
2967	5	79055654	84251635
2968	5	79055654	84252180
2969	5	79055654	84253030
2970	5	79055654	84254208
2971	5	79055654	84314930
2972	5	79055654	84340523
2973	5	79055654	84516340
2974	5	79055654	84706916
2975	5	79055654	84799488
2976	5	79055654	84801081
2977	5	79055654	84824103
2978	5	79055654	84824203
2979	5	79055654	84824816
2980	5	79055654	84825422
2981	5	79055654	84825763
2982	5	79055654	84825942
2983	5	79055654	84843411
2984	5	79055654	84936441
2985	5	79055654	84936493
2986	5	79055654	84943705
2987	5	79055654	169454950
2988	5	79055654	181522829
2989	5	79055654	204759879
2990	5	79055654	209874191

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
2991	5	79162381	79163631
2992	5	79162381	79176557
2993	5	79162381	79188028
2994	5	79162381	79201760
2995	5	79162381	79230005
2996	5	79162381	79230318
2997	5	79162381	79505592
2998	5	79162381	79510072
2999	5	79162381	79538012
3000	5	79162381	79538048
3001	5	79162381	79538367
3002	5	79162381	79669824
3003	5	79162381	79682242
3004	5	79162381	79699261
3005	5	79162381	79710673
3006	5	79162381	79861902
3007	5	79162381	79867710
3008	5	79162381	79867868
3009	5	79162381	79867873
3010	5	79162381	79961961
3011	5	79162381	80086268
3012	5	79162381	80190673
3013	5	79162381	80190777
3014	5	79162381	80192546
3015	5	79162381	80195395
3016	5	79162381	80199923
3017	5	79162381	80241911

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3018	5	79162381	80282785
3019	5	79162381	80345337
3020	5	79162381	80389787
3021	5	79162381	80411639
3022	5	79162381	80446855
3023	5	79162381	80492790
3024	5	79162381	80670554
3025	5	79162381	80674679
3026	5	79162381	80720509
3027	5	79162381	80800856
3028	5	79162381	80804587
3029	5	79162381	80807409
3030	5	79162381	80835734
3031	5	79162381	80971764
3032	5	79162381	80972258
3033	5	79162381	80974450
3034	5	79162381	81047638
3035	5	79162381	81082921
3036	5	79162381	81157909
3037	5	79162381	81265937
3038	5	79162381	81265937
3039	5	79162381	81267485
3040	5	79162381	81267499
3041	5	79162381	81274512
3042	5	79162381	81763618
3043	5	79162381	81797217
3044	5	79162381	81800186

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3045	5	79162381	81806213
3046	5	79162381	81854583
3047	5	79162381	81859374
3048	5	79162381	81861368
3049	5	79162381	81863686
3050	5	79162381	81916850
3051	5	79162381	81954891
3052	5	79162381	81985250
3053	5	79162381	82083752
3054	5	79162381	82101253
3055	5	79162381	82143124
3056	5	79162381	82236318
3057	5	79162381	82325587
3058	5	79162381	82427210
3059	5	79162381	82431853
3060	5	79162381	82446714
3061	5	79162381	82446794
3062	5	79162381	82551111
3063	5	79162381	82552090
3064	5	79162381	82555641
3065	5	79162381	82555670
3066	5	79162381	82556511
3067	5	79162381	82559047
3068	5	79162381	82561535
3069	5	79162381	82610100
3070	5	79162381	82676822
3071	5	79162381	82676901



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3072	5	79162381	82883691
3073	5	79162381	82954942
3074	5	79162381	82971688
3075	5	79162381	83023965
3076	5	79162381	83094205
3077	5	79162381	83146355
3078	5	79162381	83280630
3079	5	79162381	83281412
3080	5	79162381	83400242
3081	5	79162381	83405797
3082	5	79162381	83437132
3083	5	79162381	83522252
3084	5	79162381	83560095
3085	5	79162381	83560204
3086	5	79162381	83572400
3087	5	79162381	83607661
3088	5	79162381	83745342
3089	5	79162381	83861275
3090	5	79162381	83861633
3091	5	79162381	83865653
3092	5	79162381	83865914
3093	5	79162381	83865920
3094	5	79162381	83868010
3095	5	79162381	84019752
3096	5	79162381	84065912
3097	5	79162381	84086632
3098	5	79162381	84089603

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3099	5	79162381	84104814
3100	5	79162381	84105175
3101	5	79162381	84251635
3102	5	79162381	84252180
3103	5	79162381	84253030
3104	5	79162381	84254208
3105	5	79162381	84314930
3106	5	79162381	84340523
3107	5	79162381	84516340
3108	5	79162381	84706916
3109	5	79162381	84799488
3110	5	79162381	84801081
3111	5	79162381	84824103
3112	5	79162381	84824203
3113	5	79162381	84824816
3114	5	79162381	84825422
3115	5	79162381	84825763
3116	5	79162381	84825942
3117	5	79162381	84843411
3118	5	79162381	84936441
3119	5	79162381	84936493
3120	5	79162381	84943705
3121	5	79162381	169454950
3122	5	79162381	181522829
3123	5	79162381	204759879
3124	5	79162381	209874191
3125	5	79175814	79176557

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3126	5	79175814	79188028
3127	5	79175814	79201760
3128	5	79175814	79230005
3129	5	79175814	79230318
3130	5	79175814	79505592
3131	5	79175814	79510072
3132	5	79175814	79538012
3133	5	79175814	79538048
3134	5	79175814	79538367
3135	5	79175814	79669824
3136	5	79175814	79682242
3137	5	79175814	79699261
3138	5	79175814	79710673
3139	5	79175814	79861902
3140	5	79175814	79867710
3141	5	79175814	79867868
3142	5	79175814	79867873
3143	5	79175814	79961961
3144	5	79175814	80086268
3145	5	79175814	80190673
3146	5	79175814	80190777
3147	5	79175814	80192546
3148	5	79175814	80195395
3149	5	79175814	80199923
3150	5	79175814	80241911
3151	5	79175814	80282785
3152	5	79175814	80345337

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3153	5	79175814	80389787
3154	5	79175814	80411639
3155	5	79175814	80446855
3156	5	79175814	80492790
3157	5	79175814	80670554
3158	5	79175814	80674679
3159	5	79175814	80720509
3160	5	79175814	80800856
3161	5	79175814	80804587
3162	5	79175814	80807409
3163	5	79175814	80835734
3164	5	79175814	80971764
3165	5	79175814	80972258
3166	5	79175814	80974450
3167	5	79175814	81047638
3168	5	79175814	81082921
3169	5	79175814	81157909
3170	5	79175814	81265937
3171	5	79175814	81265937
3172	5	79175814	81267485
3173	5	79175814	81267499
3174	5	79175814	81274512
3175	5	79175814	81763618
3176	5	79175814	81797217
3177	5	79175814	81800186
3178	5	79175814	81806213
3179	5	79175814	81854583

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3180	5	79175814	81859374
3181	5	79175814	81861368
3182	5	79175814	81863686
3183	5	79175814	81916850
3184	5	79175814	81954891
3185	5	79175814	81985250
3186	5	79175814	82083752
3187	5	79175814	82101253
3188	5	79175814	82143124
3189	5	79175814	82236318
3190	5	79175814	82325587
3191	5	79175814	82427210
3192	5	79175814	82431853
3193	5	79175814	82446714
3194	5	79175814	82446794
3195	5	79175814	82551111
3196	5	79175814	82552090
3197	5	79175814	82555641
3198	5	79175814	82555670
3199	5	79175814	82556511
3200	5	79175814	82559047
3201	5	79175814	82561535
3202	5	79175814	82610100
3203	5	79175814	82676822
3204	5	79175814	82676901
3205	5	79175814	82883691
3206	5	79175814	82954942

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3207	5	79175814	82971688
3208	5	79175814	83023965
3209	5	79175814	83094205
3210	5	79175814	83146355
3211	5	79175814	83280630
3212	5	79175814	83281412
3213	5	79175814	83400242
3214	5	79175814	83405797
3215	5	79175814	83437132
3216	5	79175814	83522252
3217	5	79175814	83560095
3218	5	79175814	83560204
3219	5	79175814	83572400
3220	5	79175814	83607661
3221	5	79175814	83745342
3222	5	79175814	83861275
3223	5	79175814	83861633
3224	5	79175814	83865653
3225	5	79175814	83865914
3226	5	79175814	83865920
3227	5	79175814	83868010
3228	5	79175814	84019752
3229	5	79175814	84065912
3230	5	79175814	84086632
3231	5	79175814	84089603
3232	5	79175814	84104814
3233	5	79175814	84105175

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3234	5	79175814	84251635
3235	5	79175814	84252180
3236	5	79175814	84253030
3237	5	79175814	84254208
3238	5	79175814	84314930
3239	5	79175814	84340523
3240	5	79175814	84516340
3241	5	79175814	84706916
3242	5	79175814	84799488
3243	5	79175814	84801081
3244	5	79175814	84824103
3245	5	79175814	84824203
3246	5	79175814	84824816
3247	5	79175814	84825422
3248	5	79175814	84825763
3249	5	79175814	84825942
3250	5	79175814	84843411
3251	5	79175814	84936441
3252	5	79175814	84936493
3253	5	79175814	84943705
3254	5	79175814	169454950
3255	5	79175814	181522829
3256	5	79175814	204759879
3257	5	79175814	209874191
3258	5	79183135	79188028
3259	5	79183135	79201760
3260	5	79183135	79230005

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3261	5	79183135	79230318
3262	5	79183135	79505592
3263	5	79183135	79510072
3264	5	79183135	79538012
3265	5	79183135	79538048
3266	5	79183135	79538367
3267	5	79183135	79669824
3268	5	79183135	79682242
3269	5	79183135	79699261
3270	5	79183135	79710673
3271	5	79183135	79861902
3272	5	79183135	79867710
3273	5	79183135	79867868
3274	5	79183135	79867873
3275	5	79183135	79961961
3276	5	79183135	80086268
3277	5	79183135	80190673
3278	5	79183135	80190777
3279	5	79183135	80192546
3280	5	79183135	80195395
3281	5	79183135	80199923
3282	5	79183135	80241911
3283	5	79183135	80282785
3284	5	79183135	80345337
3285	5	79183135	80389787
3286	5	79183135	80411639
3287	5	79183135	80446855



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3288	5	79183135	80492790
3289	5	79183135	80670554
3290	5	79183135	80674679
3291	5	79183135	80720509
3292	5	79183135	80800856
3293	5	79183135	80804587
3294	5	79183135	80807409
3295	5	79183135	80835734
3296	5	79183135	80971764
3297	5	79183135	80972258
3298	5	79183135	80974450
3299	5	79183135	81047638
3300	5	79183135	81082921
3301	5	79183135	81157909
3302	5	79183135	81265937
3303	5	79183135	81265937
3304	5	79183135	81267485
3305	5	79183135	81267499
3306	5	79183135	81274512
3307	5	79183135	81763618
3308	5	79183135	81797217
3309	5	79183135	81800186
3310	5	79183135	81806213
3311	5	79183135	81854583
3312	5	79183135	81859374
3313	5	79183135	81861368
3314	5	79183135	81863686

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3315	5	79183135	81916850
3316	5	79183135	81954891
3317	5	79183135	81985250
3318	5	79183135	82083752
3319	5	79183135	82101253
3320	5	79183135	82143124
3321	5	79183135	82236318
3322	5	79183135	82325587
3323	5	79183135	82427210
3324	5	79183135	82431853
3325	5	79183135	82446714
3326	5	79183135	82446794
3327	5	79183135	82551111
3328	5	79183135	82552090
3329	5	79183135	82555641
3330	5	79183135	82555670
3331	5	79183135	82556511
3332	5	79183135	82559047
3333	5	79183135	82561535
3334	5	79183135	82610100
3335	5	79183135	82676822
3336	5	79183135	82676901
3337	5	79183135	82883691
3338	5	79183135	82954942
3339	5	79183135	82971688
3340	5	79183135	83023965
3341	5	79183135	83094205

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3342	5	79183135	83146355
3343	5	79183135	83280630
3344	5	79183135	83281412
3345	5	79183135	83400242
3346	5	79183135	83405797
3347	5	79183135	83437132
3348	5	79183135	83522252
3349	5	79183135	83560095
3350	5	79183135	83560204
3351	5	79183135	83572400
3352	5	79183135	83607661
3353	5	79183135	83745342
3354	5	79183135	83861275
3355	5	79183135	83861633
3356	5	79183135	83865653
3357	5	79183135	83865914
3358	5	79183135	83865920
3359	5	79183135	83868010
3360	5	79183135	84019752
3361	5	79183135	84065912
3362	5	79183135	84086632
3363	5	79183135	84089603
3364	5	79183135	84104814
3365	5	79183135	84105175
3366	5	79183135	84251635
3367	5	79183135	84252180
3368	5	79183135	84253030

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3369	5	79183135	84254208
3370	5	79183135	84314930
3371	5	79183135	84340523
3372	5	79183135	84516340
3373	5	79183135	84706916
3374	5	79183135	84799488
3375	5	79183135	84801081
3376	5	79183135	84824103
3377	5	79183135	84824203
3378	5	79183135	84824816
3379	5	79183135	84825422
3380	5	79183135	84825763
3381	5	79183135	84825942
3382	5	79183135	84843411
3383	5	79183135	84936441
3384	5	79183135	84936493
3385	5	79183135	84943705
3386	5	79183135	169454950
3387	5	79183135	181522829
3388	5	79183135	204759879
3389	5	79183135	209874191
3390	5	79200056	79201760
3391	5	79200056	79230005
3392	5	79200056	79230318
3393	5	79200056	79505592
3394	5	79200056	79510072
3395	5	79200056	79538012

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3396	5	79200056	79538048
3397	5	79200056	79538367
3398	5	79200056	79669824
3399	5	79200056	79682242
3400	5	79200056	79699261
3401	5	79200056	79710673
3402	5	79200056	79861902
3403	5	79200056	79867710
3404	5	79200056	79867868
3405	5	79200056	79867873
3406	5	79200056	79961961
3407	5	79200056	80086268
3408	5	79200056	80190673
3409	5	79200056	80190777
3410	5	79200056	80192546
3411	5	79200056	80195395
3412	5	79200056	80199923
3413	5	79200056	80241911
3414	5	79200056	80282785
3415	5	79200056	80345337
3416	5	79200056	80389787
3417	5	79200056	80411639
3418	5	79200056	80446855
3419	5	79200056	80492790
3420	5	79200056	80670554
3421	5	79200056	80674679
3422	5	79200056	80720509

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3423	5	79200056	80800856
3424	5	79200056	80804587
3425	5	79200056	80807409
3426	5	79200056	80835734
3427	5	79200056	80971764
3428	5	79200056	80972258
3429	5	79200056	80974450
3430	5	79200056	81047638
3431	5	79200056	81082921
3432	5	79200056	81157909
3433	5	79200056	81265937
3434	5	79200056	81265937
3435	5	79200056	81267485
3436	5	79200056	81267499
3437	5	79200056	81274512
3438	5	79200056	81763618
3439	5	79200056	81797217
3440	5	79200056	81800186
3441	5	79200056	81806213
3442	5	79200056	81854583
3443	5	79200056	81859374
3444	5	79200056	81861368
3445	5	79200056	81863686
3446	5	79200056	81916850
3447	5	79200056	81954891
3448	5	79200056	81985250
3449	5	79200056	82083752

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3450	5	79200056	82101253
3451	5	79200056	82143124
3452	5	79200056	82236318
3453	5	79200056	82325587
3454	5	79200056	82427210
3455	5	79200056	82431853
3456	5	79200056	82446714
3457	5	79200056	82446794
3458	5	79200056	82551111
3459	5	79200056	82552090
3460	5	79200056	82555641
3461	5	79200056	82555670
3462	5	79200056	82556511
3463	5	79200056	82559047
3464	5	79200056	82561535
3465	5	79200056	82610100
3466	5	79200056	82676822
3467	5	79200056	82676901
3468	5	79200056	82883691
3469	5	79200056	82954942
3470	5	79200056	82971688
3471	5	79200056	83023965
3472	5	79200056	83094205
3473	5	79200056	83146355
3474	5	79200056	83280630
3475	5	79200056	83281412
3476	5	79200056	83400242

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3477	5	79200056	83405797
3478	5	79200056	83437132
3479	5	79200056	83522252
3480	5	79200056	83560095
3481	5	79200056	83560204
3482	5	79200056	83572400
3483	5	79200056	83607661
3484	5	79200056	83745342
3485	5	79200056	83861275
3486	5	79200056	83861633
3487	5	79200056	83865653
3488	5	79200056	83865914
3489	5	79200056	83865920
3490	5	79200056	83868010
3491	5	79200056	84019752
3492	5	79200056	84065912
3493	5	79200056	84086632
3494	5	79200056	84089603
3495	5	79200056	84104814
3496	5	79200056	84105175
3497	5	79200056	84251635
3498	5	79200056	84252180
3499	5	79200056	84253030
3500	5	79200056	84254208
3501	5	79200056	84314930
3502	5	79200056	84340523
3503	5	79200056	84516340



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3504	5	79200056	84706916
3505	5	79200056	84799488
3506	5	79200056	84801081
3507	5	79200056	84824103
3508	5	79200056	84824203
3509	5	79200056	84824816
3510	5	79200056	84825422
3511	5	79200056	84825763
3512	5	79200056	84825942
3513	5	79200056	84843411
3514	5	79200056	84936441
3515	5	79200056	84936493
3516	5	79200056	84943705
3517	5	79200056	169454950
3518	5	79200056	181522829
3519	5	79200056	204759879
3520	5	79200056	209874191
3521	5	79229010	79230005
3522	5	79229010	79230318
3523	5	79229010	79505592
3524	5	79229010	79510072
3525	5	79229010	79538012
3526	5	79229010	79538048
3527	5	79229010	79538367
3528	5	79229010	79669824
3529	5	79229010	79682242
3530	5	79229010	79699261

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3531	5	79229010	79710673
3532	5	79229010	79861902
3533	5	79229010	79867710
3534	5	79229010	79867868
3535	5	79229010	79867873
3536	5	79229010	79961961
3537	5	79229010	80086268
3538	5	79229010	80190673
3539	5	79229010	80190777
3540	5	79229010	80192546
3541	5	79229010	80195395
3542	5	79229010	80199923
3543	5	79229010	80241911
3544	5	79229010	80282785
3545	5	79229010	80345337
3546	5	79229010	80389787
3547	5	79229010	80411639
3548	5	79229010	80446855
3549	5	79229010	80492790
3550	5	79229010	80670554
3551	5	79229010	80674679
3552	5	79229010	80720509
3553	5	79229010	80800856
3554	5	79229010	80804587
3555	5	79229010	80807409
3556	5	79229010	80835734
3557	5	79229010	80971764

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3558	5	79229010	80972258
3559	5	79229010	80974450
3560	5	79229010	81047638
3561	5	79229010	81082921
3562	5	79229010	81157909
3563	5	79229010	81265937
3564	5	79229010	81265937
3565	5	79229010	81267485
3566	5	79229010	81267499
3567	5	79229010	81274512
3568	5	79229010	81763618
3569	5	79229010	81797217
3570	5	79229010	81800186
3571	5	79229010	81806213
3572	5	79229010	81854583
3573	5	79229010	81859374
3574	5	79229010	81861368
3575	5	79229010	81863686
3576	5	79229010	81916850
3577	5	79229010	81954891
3578	5	79229010	81985250
3579	5	79229010	82083752
3580	5	79229010	82101253
3581	5	79229010	82143124
3582	5	79229010	82236318
3583	5	79229010	82325587
3584	5	79229010	82427210

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3585	5	79229010	82431853
3586	5	79229010	82446714
3587	5	79229010	82446794
3588	5	79229010	82551111
3589	5	79229010	82552090
3590	5	79229010	82555641
3591	5	79229010	82555670
3592	5	79229010	82556511
3593	5	79229010	82559047
3594	5	79229010	82561535
3595	5	79229010	82610100
3596	5	79229010	82676822
3597	5	79229010	82676901
3598	5	79229010	82883691
3599	5	79229010	82954942
3600	5	79229010	82971688
3601	5	79229010	83023965
3602	5	79229010	83094205
3603	5	79229010	83146355
3604	5	79229010	83280630
3605	5	79229010	83281412
3606	5	79229010	83400242
3607	5	79229010	83405797
3608	5	79229010	83437132
3609	5	79229010	83522252
3610	5	79229010	83560095
3611	5	79229010	83560204

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3612	5	79229010	83572400
3613	5	79229010	83607661
3614	5	79229010	83745342
3615	5	79229010	83861275
3616	5	79229010	83861633
3617	5	79229010	83865653
3618	5	79229010	83865914
3619	5	79229010	83865920
3620	5	79229010	83868010
3621	5	79229010	84019752
3622	5	79229010	84065912
3623	5	79229010	84086632
3624	5	79229010	84089603
3625	5	79229010	84104814
3626	5	79229010	84105175
3627	5	79229010	84251635
3628	5	79229010	84252180
3629	5	79229010	84253030
3630	5	79229010	84254208
3631	5	79229010	84314930
3632	5	79229010	84340523
3633	5	79229010	84516340
3634	5	79229010	84706916
3635	5	79229010	84799488
3636	5	79229010	84801081
3637	5	79229010	84824103
3638	5	79229010	84824203

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3639	5	79229010	84824816
3640	5	79229010	84825422
3641	5	79229010	84825763
3642	5	79229010	84825942
3643	5	79229010	84843411
3644	5	79229010	84936441
3645	5	79229010	84936493
3646	5	79229010	84943705
3647	5	79229010	169454950
3648	5	79229010	181522829
3649	5	79229010	204759879
3650	5	79229010	209874191
3651	5	79229019	79230005
3652	5	79229019	79230318
3653	5	79229019	79505592
3654	5	79229019	79510072
3655	5	79229019	79538012
3656	5	79229019	79538048
3657	5	79229019	79538367
3658	5	79229019	79669824
3659	5	79229019	79682242
3660	5	79229019	79699261
3661	5	79229019	79710673
3662	5	79229019	79861902
3663	5	79229019	79867710
3664	5	79229019	79867868
3665	5	79229019	79867873

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3666	5	79229019	79961961
3667	5	79229019	80086268
3668	5	79229019	80190673
3669	5	79229019	80190777
3670	5	79229019	80192546
3671	5	79229019	80195395
3672	5	79229019	80199923
3673	5	79229019	80241911
3674	5	79229019	80282785
3675	5	79229019	80345337
3676	5	79229019	80389787
3677	5	79229019	80411639
3678	5	79229019	80446855
3679	5	79229019	80492790
3680	5	79229019	80670554
3681	5	79229019	80674679
3682	5	79229019	80720509
3683	5	79229019	80800856
3684	5	79229019	80804587
3685	5	79229019	80807409
3686	5	79229019	80835734
3687	5	79229019	80971764
3688	5	79229019	80972258
3689	5	79229019	80974450
3690	5	79229019	81047638
3691	5	79229019	81082921
3692	5	79229019	81157909

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3693	5	79229019	81265937
3694	5	79229019	81265937
3695	5	79229019	81267485
3696	5	79229019	81267499
3697	5	79229019	81274512
3698	5	79229019	81763618
3699	5	79229019	81797217
3700	5	79229019	81800186
3701	5	79229019	81806213
3702	5	79229019	81854583
3703	5	79229019	81859374
3704	5	79229019	81861368
3705	5	79229019	81863686
3706	5	79229019	81916850
3707	5	79229019	81954891
3708	5	79229019	81985250
3709	5	79229019	82083752
3710	5	79229019	82101253
3711	5	79229019	82143124
3712	5	79229019	82236318
3713	5	79229019	82325587
3714	5	79229019	82427210
3715	5	79229019	82431853
3716	5	79229019	82446714
3717	5	79229019	82446794
3718	5	79229019	82551111
3719	5	79229019	82552090



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3720	5	79229019	82555641
3721	5	79229019	82555670
3722	5	79229019	82556511
3723	5	79229019	82559047
3724	5	79229019	82561535
3725	5	79229019	82610100
3726	5	79229019	82676822
3727	5	79229019	82676901
3728	5	79229019	82883691
3729	5	79229019	82954942
3730	5	79229019	82971688
3731	5	79229019	83023965
3732	5	79229019	83094205
3733	5	79229019	83146355
3734	5	79229019	83280630
3735	5	79229019	83281412
3736	5	79229019	83400242
3737	5	79229019	83405797
3738	5	79229019	83437132
3739	5	79229019	83522252
3740	5	79229019	83560095
3741	5	79229019	83560204
3742	5	79229019	83572400
3743	5	79229019	83607661
3744	5	79229019	83745342
3745	5	79229019	83861275
3746	5	79229019	83861633

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3747	5	79229019	83865653
3748	5	79229019	83865914
3749	5	79229019	83865920
3750	5	79229019	83868010
3751	5	79229019	84019752
3752	5	79229019	84065912
3753	5	79229019	84086632
3754	5	79229019	84089603
3755	5	79229019	84104814
3756	5	79229019	84105175
3757	5	79229019	84251635
3758	5	79229019	84252180
3759	5	79229019	84253030
3760	5	79229019	84254208
3761	5	79229019	84314930
3762	5	79229019	84340523
3763	5	79229019	84516340
3764	5	79229019	84706916
3765	5	79229019	84799488
3766	5	79229019	84801081
3767	5	79229019	84824103
3768	5	79229019	84824203
3769	5	79229019	84824816
3770	5	79229019	84825422
3771	5	79229019	84825763
3772	5	79229019	84825942
3773	5	79229019	84843411

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3774	5	79229019	84936441
3775	5	79229019	84936493
3776	5	79229019	84943705
3777	5	79229019	169454950
3778	5	79229019	181522829
3779	5	79229019	204759879
3780	5	79229019	209874191
3781	5	79503885	79505592
3782	5	79503885	79510072
3783	5	79503885	79538012
3784	5	79503885	79538048
3785	5	79503885	79538367
3786	5	79503885	79669824
3787	5	79503885	79682242
3788	5	79503885	79699261
3789	5	79503885	79710673
3790	5	79503885	79861902
3791	5	79503885	79867710
3792	5	79503885	79867868
3793	5	79503885	79867873
3794	5	79503885	79961961
3795	5	79503885	80086268
3796	5	79503885	80190673
3797	5	79503885	80190777
3798	5	79503885	80192546
3799	5	79503885	80195395
3800	5	79503885	80199923

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3801	5	79503885	80241911
3802	5	79503885	80282785
3803	5	79503885	80345337
3804	5	79503885	80389787
3805	5	79503885	80411639
3806	5	79503885	80446855
3807	5	79503885	80492790
3808	5	79503885	80670554
3809	5	79503885	80674679
3810	5	79503885	80720509
3811	5	79503885	80800856
3812	5	79503885	80804587
3813	5	79503885	80807409
3814	5	79503885	80835734
3815	5	79503885	80971764
3816	5	79503885	80972258
3817	5	79503885	80974450
3818	5	79503885	81047638
3819	5	79503885	81082921
3820	5	79503885	81157909
3821	5	79503885	81265937
3822	5	79503885	81265937
3823	5	79503885	81267485
3824	5	79503885	81267499
3825	5	79503885	81274512
3826	5	79503885	81763618
3827	5	79503885	81797217

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3828	5	79503885	81800186
3829	5	79503885	81806213
3830	5	79503885	81854583
3831	5	79503885	81859374
3832	5	79503885	81861368
3833	5	79503885	81863686
3834	5	79503885	81916850
3835	5	79503885	81954891
3836	5	79503885	81985250
3837	5	79503885	82083752
3838	5	79503885	82101253
3839	5	79503885	82143124
3840	5	79503885	82236318
3841	5	79503885	82325587
3842	5	79503885	82427210
3843	5	79503885	82431853
3844	5	79503885	82446714
3845	5	79503885	82446794
3846	5	79503885	82551111
3847	5	79503885	82552090
3848	5	79503885	82555641
3849	5	79503885	82555670
3850	5	79503885	82556511
3851	5	79503885	82559047
3852	5	79503885	82561535
3853	5	79503885	82610100
3854	5	79503885	82676822

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3855	5	79503885	82676901
3856	5	79503885	82883691
3857	5	79503885	82954942
3858	5	79503885	82971688
3859	5	79503885	83023965
3860	5	79503885	83094205
3861	5	79503885	83146355
3862	5	79503885	83280630
3863	5	79503885	83281412
3864	5	79503885	83400242
3865	5	79503885	83405797
3866	5	79503885	83437132
3867	5	79503885	83522252
3868	5	79503885	83560095
3869	5	79503885	83560204
3870	5	79503885	83572400
3871	5	79503885	83607661
3872	5	79503885	83745342
3873	5	79503885	83861275
3874	5	79503885	83861633
3875	5	79503885	83865653
3876	5	79503885	83865914
3877	5	79503885	83865920
3878	5	79503885	83868010
3879	5	79503885	84019752
3880	5	79503885	84065912
3881	5	79503885	84086632

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3882	5	79503885	84089603
3883	5	79503885	84104814
3884	5	79503885	84105175
3885	5	79503885	84251635
3886	5	79503885	84252180
3887	5	79503885	84253030
3888	5	79503885	84254208
3889	5	79503885	84314930
3890	5	79503885	84340523
3891	5	79503885	84516340
3892	5	79503885	84706916
3893	5	79503885	84799488
3894	5	79503885	84801081
3895	5	79503885	84824103
3896	5	79503885	84824203
3897	5	79503885	84824816
3898	5	79503885	84825422
3899	5	79503885	84825763
3900	5	79503885	84825942
3901	5	79503885	84843411
3902	5	79503885	84936441
3903	5	79503885	84936493
3904	5	79503885	84943705
3905	5	79503885	169454950
3906	5	79503885	181522829
3907	5	79503885	204759879
3908	5	79503885	209874191

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3909	5	79505757	79505592
3910	5	79505757	79510072
3911	5	79505757	79538012
3912	5	79505757	79538048
3913	5	79505757	79538367
3914	5	79505757	79669824
3915	5	79505757	79682242
3916	5	79505757	79699261
3917	5	79505757	79710673
3918	5	79505757	79861902
3919	5	79505757	79867710
3920	5	79505757	79867868
3921	5	79505757	79867873
3922	5	79505757	79961961
3923	5	79505757	80086268
3924	5	79505757	80190673
3925	5	79505757	80190777
3926	5	79505757	80192546
3927	5	79505757	80195395
3928	5	79505757	80199923
3929	5	79505757	80241911
3930	5	79505757	80282785
3931	5	79505757	80345337
3932	5	79505757	80389787
3933	5	79505757	80411639
3934	5	79505757	80446855
3935	5	79505757	80492790



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3936	5	79505757	80670554
3937	5	79505757	80674679
3938	5	79505757	80720509
3939	5	79505757	80800856
3940	5	79505757	80804587
3941	5	79505757	80807409
3942	5	79505757	80835734
3943	5	79505757	80971764
3944	5	79505757	80972258
3945	5	79505757	80974450
3946	5	79505757	81047638
3947	5	79505757	81082921
3948	5	79505757	81157909
3949	5	79505757	81265937
3950	5	79505757	81265937
3951	5	79505757	81267485
3952	5	79505757	81267499
3953	5	79505757	81274512
3954	5	79505757	81763618
3955	5	79505757	81797217
3956	5	79505757	81800186
3957	5	79505757	81806213
3958	5	79505757	81854583
3959	5	79505757	81859374
3960	5	79505757	81861368
3961	5	79505757	81863686
3962	5	79505757	81916850

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3963	5	79505757	81954891
3964	5	79505757	81985250
3965	5	79505757	82083752
3966	5	79505757	82101253
3967	5	79505757	82143124
3968	5	79505757	82236318
3969	5	79505757	82325587
3970	5	79505757	82427210
3971	5	79505757	82431853
3972	5	79505757	82446714
3973	5	79505757	82446794
3974	5	79505757	82551111
3975	5	79505757	82552090
3976	5	79505757	82555641
3977	5	79505757	82555670
3978	5	79505757	82556511
3979	5	79505757	82559047
3980	5	79505757	82561535
3981	5	79505757	82610100
3982	5	79505757	82676822
3983	5	79505757	82676901
3984	5	79505757	82883691
3985	5	79505757	82954942
3986	5	79505757	82971688
3987	5	79505757	83023965
3988	5	79505757	83094205
3989	5	79505757	83146355

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
3990	5	79505757	83280630
3991	5	79505757	83281412
3992	5	79505757	83400242
3993	5	79505757	83405797
3994	5	79505757	83437132
3995	5	79505757	83522252
3996	5	79505757	83560095
3997	5	79505757	83560204
3998	5	79505757	83572400
3999	5	79505757	83607661
4000	5	79505757	83745342
4001	5	79505757	83861275
4002	5	79505757	83861633
4003	5	79505757	83865653
4004	5	79505757	83865914
4005	5	79505757	83865920
4006	5	79505757	83868010
4007	5	79505757	84019752
4008	5	79505757	84065912
4009	5	79505757	84086632
4010	5	79505757	84089603
4011	5	79505757	84104814
4012	5	79505757	84105175
4013	5	79505757	84251635
4014	5	79505757	84252180
4015	5	79505757	84253030
4016	5	79505757	84254208

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4017	5	79505757	84314930
4018	5	79505757	84340523
4019	5	79505757	84516340
4020	5	79505757	84706916
4021	5	79505757	84799488
4022	5	79505757	84801081
4023	5	79505757	84824103
4024	5	79505757	84824203
4025	5	79505757	84824816
4026	5	79505757	84825422
4027	5	79505757	84825763
4028	5	79505757	84825942
4029	5	79505757	84843411
4030	5	79505757	84936441
4031	5	79505757	84936493
4032	5	79505757	84943705
4033	5	79505757	169454950
4034	5	79505757	181522829
4035	5	79505757	204759879
4036	5	79505757	209874191
4037	5	79531009	79538012
4038	5	79531009	79538048
4039	5	79531009	79538367
4040	5	79531009	79669824
4041	5	79531009	79682242
4042	5	79531009	79699261
4043	5	79531009	79710673

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4044	5	79531009	79861902
4045	5	79531009	79867710
4046	5	79531009	79867868
4047	5	79531009	79867873
4048	5	79531009	79961961
4049	5	79531009	80086268
4050	5	79531009	80190673
4051	5	79531009	80190777
4052	5	79531009	80192546
4053	5	79531009	80195395
4054	5	79531009	80199923
4055	5	79531009	80241911
4056	5	79531009	80282785
4057	5	79531009	80345337
4058	5	79531009	80389787
4059	5	79531009	80411639
4060	5	79531009	80446855
4061	5	79531009	80492790
4062	5	79531009	80670554
4063	5	79531009	80674679
4064	5	79531009	80720509
4065	5	79531009	80800856
4066	5	79531009	80804587
4067	5	79531009	80807409
4068	5	79531009	80835734
4069	5	79531009	80971764
4070	5	79531009	80972258

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4071	5	79531009	80974450
4072	5	79531009	81047638
4073	5	79531009	81082921
4074	5	79531009	81157909
4075	5	79531009	81265937
4076	5	79531009	81265937
4077	5	79531009	81267485
4078	5	79531009	81267499
4079	5	79531009	81274512
4080	5	79531009	81763618
4081	5	79531009	81797217
4082	5	79531009	81800186
4083	5	79531009	81806213
4084	5	79531009	81854583
4085	5	79531009	81859374
4086	5	79531009	81861368
4087	5	79531009	81863686
4088	5	79531009	81916850
4089	5	79531009	81954891
4090	5	79531009	81985250
4091	5	79531009	82083752
4092	5	79531009	82101253
4093	5	79531009	82143124
4094	5	79531009	82236318
4095	5	79531009	82325587
4096	5	79531009	82427210
4097	5	79531009	82431853

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4098	5	79531009	82446714
4099	5	79531009	82446794
4100	5	79531009	82551111
4101	5	79531009	82552090
4102	5	79531009	82555641
4103	5	79531009	82555670
4104	5	79531009	82556511
4105	5	79531009	82559047
4106	5	79531009	82561535
4107	5	79531009	82610100
4108	5	79531009	82676822
4109	5	79531009	82676901
4110	5	79531009	82883691
4111	5	79531009	82954942
4112	5	79531009	82971688
4113	5	79531009	83023965
4114	5	79531009	83094205
4115	5	79531009	83146355
4116	5	79531009	83280630
4117	5	79531009	83281412
4118	5	79531009	83400242
4119	5	79531009	83405797
4120	5	79531009	83437132
4121	5	79531009	83522252
4122	5	79531009	83560095
4123	5	79531009	83560204
4124	5	79531009	83572400

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4125	5	79531009	83607661
4126	5	79531009	83745342
4127	5	79531009	83861275
4128	5	79531009	83861633
4129	5	79531009	83865653
4130	5	79531009	83865914
4131	5	79531009	83865920
4132	5	79531009	83868010
4133	5	79531009	84019752
4134	5	79531009	84065912
4135	5	79531009	84086632
4136	5	79531009	84089603
4137	5	79531009	84104814
4138	5	79531009	84105175
4139	5	79531009	84251635
4140	5	79531009	84252180
4141	5	79531009	84253030
4142	5	79531009	84254208
4143	5	79531009	84314930
4144	5	79531009	84340523
4145	5	79531009	84516340
4146	5	79531009	84706916
4147	5	79531009	84799488
4148	5	79531009	84801081
4149	5	79531009	84824103
4150	5	79531009	84824203
4151	5	79531009	84824816



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4152	5	79531009	84825422
4153	5	79531009	84825763
4154	5	79531009	84825942
4155	5	79531009	84843411
4156	5	79531009	84936441
4157	5	79531009	84936493
4158	5	79531009	84943705
4159	5	79531009	169454950
4160	5	79531009	181522829
4161	5	79531009	204759879
4162	5	79531009	209874191
4163	5	79531040	79538012
4164	5	79531040	79538048
4165	5	79531040	79538367
4166	5	79531040	79669824
4167	5	79531040	79682242
4168	5	79531040	79699261
4169	5	79531040	79710673
4170	5	79531040	79861902
4171	5	79531040	79867710
4172	5	79531040	79867868
4173	5	79531040	79867873
4174	5	79531040	79961961
4175	5	79531040	80086268
4176	5	79531040	80190673
4177	5	79531040	80190777
4178	5	79531040	80192546

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4179	5	79531040	80195395
4180	5	79531040	80199923
4181	5	79531040	80241911
4182	5	79531040	80282785
4183	5	79531040	80345337
4184	5	79531040	80389787
4185	5	79531040	80411639
4186	5	79531040	80446855
4187	5	79531040	80492790
4188	5	79531040	80670554
4189	5	79531040	80674679
4190	5	79531040	80720509
4191	5	79531040	80800856
4192	5	79531040	80804587
4193	5	79531040	80807409
4194	5	79531040	80835734
4195	5	79531040	80971764
4196	5	79531040	80972258
4197	5	79531040	80974450
4198	5	79531040	81047638
4199	5	79531040	81082921
4200	5	79531040	81157909
4201	5	79531040	81265937
4202	5	79531040	81265937
4203	5	79531040	81267485
4204	5	79531040	81267499
4205	5	79531040	81274512

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4206	5	79531040	81763618
4207	5	79531040	81797217
4208	5	79531040	81800186
4209	5	79531040	81806213
4210	5	79531040	81854583
4211	5	79531040	81859374
4212	5	79531040	81861368
4213	5	79531040	81863686
4214	5	79531040	81916850
4215	5	79531040	81954891
4216	5	79531040	81985250
4217	5	79531040	82083752
4218	5	79531040	82101253
4219	5	79531040	82143124
4220	5	79531040	82236318
4221	5	79531040	82325587
4222	5	79531040	82427210
4223	5	79531040	82431853
4224	5	79531040	82446714
4225	5	79531040	82446794
4226	5	79531040	82551111
4227	5	79531040	82552090
4228	5	79531040	82555641
4229	5	79531040	82555670
4230	5	79531040	82556511
4231	5	79531040	82559047
4232	5	79531040	82561535

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4233	5	79531040	82610100
4234	5	79531040	82676822
4235	5	79531040	82676901
4236	5	79531040	82883691
4237	5	79531040	82954942
4238	5	79531040	82971688
4239	5	79531040	83023965
4240	5	79531040	83094205
4241	5	79531040	83146355
4242	5	79531040	83280630
4243	5	79531040	83281412
4244	5	79531040	83400242
4245	5	79531040	83405797
4246	5	79531040	83437132
4247	5	79531040	83522252
4248	5	79531040	83560095
4249	5	79531040	83560204
4250	5	79531040	83572400
4251	5	79531040	83607661
4252	5	79531040	83745342
4253	5	79531040	83861275
4254	5	79531040	83861633
4255	5	79531040	83865653
4256	5	79531040	83865914
4257	5	79531040	83865920
4258	5	79531040	83868010
4259	5	79531040	84019752

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4260	5	79531040	84065912
4261	5	79531040	84086632
4262	5	79531040	84089603
4263	5	79531040	84104814
4264	5	79531040	84105175
4265	5	79531040	84251635
4266	5	79531040	84252180
4267	5	79531040	84253030
4268	5	79531040	84254208
4269	5	79531040	84314930
4270	5	79531040	84340523
4271	5	79531040	84516340
4272	5	79531040	84706916
4273	5	79531040	84799488
4274	5	79531040	84801081
4275	5	79531040	84824103
4276	5	79531040	84824203
4277	5	79531040	84824816
4278	5	79531040	84825422
4279	5	79531040	84825763
4280	5	79531040	84825942
4281	5	79531040	84843411
4282	5	79531040	84936441
4283	5	79531040	84936493
4284	5	79531040	84943705
4285	5	79531040	169454950
4286	5	79531040	181522829

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4287	5	79531040	204759879
4288	5	79531040	209874191
4289	5	79537564	79538012
4290	5	79537564	79538048
4291	5	79537564	79538367
4292	5	79537564	79669824
4293	5	79537564	79682242
4294	5	79537564	79699261
4295	5	79537564	79710673
4296	5	79537564	79861902
4297	5	79537564	79867710
4298	5	79537564	79867868
4299	5	79537564	79867873
4300	5	79537564	79961961
4301	5	79537564	80086268
4302	5	79537564	80190673
4303	5	79537564	80190777
4304	5	79537564	80192546
4305	5	79537564	80195395
4306	5	79537564	80199923
4307	5	79537564	80241911
4308	5	79537564	80282785
4309	5	79537564	80345337
4310	5	79537564	80389787
4311	5	79537564	80411639
4312	5	79537564	80446855
4313	5	79537564	80492790

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4314	5	79537564	80670554
4315	5	79537564	80674679
4316	5	79537564	80720509
4317	5	79537564	80800856
4318	5	79537564	80804587
4319	5	79537564	80807409
4320	5	79537564	80835734
4321	5	79537564	80971764
4322	5	79537564	80972258
4323	5	79537564	80974450
4324	5	79537564	81047638
4325	5	79537564	81082921
4326	5	79537564	81157909
4327	5	79537564	81265937
4328	5	79537564	81265937
4329	5	79537564	81267485
4330	5	79537564	81267499
4331	5	79537564	81274512
4332	5	79537564	81763618
4333	5	79537564	81797217
4334	5	79537564	81800186
4335	5	79537564	81806213
4336	5	79537564	81854583
4337	5	79537564	81859374
4338	5	79537564	81861368
4339	5	79537564	81863686
4340	5	79537564	81916850

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4341	5	79537564	81954891
4342	5	79537564	81985250
4343	5	79537564	82083752
4344	5	79537564	82101253
4345	5	79537564	82143124
4346	5	79537564	82236318
4347	5	79537564	82325587
4348	5	79537564	82427210
4349	5	79537564	82431853
4350	5	79537564	82446714
4351	5	79537564	82446794
4352	5	79537564	82551111
4353	5	79537564	82552090
4354	5	79537564	82555641
4355	5	79537564	82555670
4356	5	79537564	82556511
4357	5	79537564	82559047
4358	5	79537564	82561535
4359	5	79537564	82610100
4360	5	79537564	82676822
4361	5	79537564	82676901
4362	5	79537564	82883691
4363	5	79537564	82954942
4364	5	79537564	82971688
4365	5	79537564	83023965
4366	5	79537564	83094205
4367	5	79537564	83146355



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4368	5	79537564	83280630
4369	5	79537564	83281412
4370	5	79537564	83400242
4371	5	79537564	83405797
4372	5	79537564	83437132
4373	5	79537564	83522252
4374	5	79537564	83560095
4375	5	79537564	83560204
4376	5	79537564	83572400
4377	5	79537564	83607661
4378	5	79537564	83745342
4379	5	79537564	83861275
4380	5	79537564	83861633
4381	5	79537564	83865653
4382	5	79537564	83865914
4383	5	79537564	83865920
4384	5	79537564	83868010
4385	5	79537564	84019752
4386	5	79537564	84065912
4387	5	79537564	84086632
4388	5	79537564	84089603
4389	5	79537564	84104814
4390	5	79537564	84105175
4391	5	79537564	84251635
4392	5	79537564	84252180
4393	5	79537564	84253030
4394	5	79537564	84254208

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4395	5	79537564	84314930
4396	5	79537564	84340523
4397	5	79537564	84516340
4398	5	79537564	84706916
4399	5	79537564	84799488
4400	5	79537564	84801081
4401	5	79537564	84824103
4402	5	79537564	84824203
4403	5	79537564	84824816
4404	5	79537564	84825422
4405	5	79537564	84825763
4406	5	79537564	84825942
4407	5	79537564	84843411
4408	5	79537564	84936441
4409	5	79537564	84936493
4410	5	79537564	84943705
4411	5	79537564	169454950
4412	5	79537564	181522829
4413	5	79537564	204759879
4414	5	79537564	209874191
4415	5	79538367	79669824
4416	5	79538367	79682242
4417	5	79538367	79699261
4418	5	79538367	79710673
4419	5	79538367	79861902
4420	5	79538367	79867710
4421	5	79538367	79867868

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4422	5	79538367	79867873
4423	5	79538367	79961961
4424	5	79538367	80086268
4425	5	79538367	80190673
4426	5	79538367	80190777
4427	5	79538367	80192546
4428	5	79538367	80195395
4429	5	79538367	80199923
4430	5	79538367	80241911
4431	5	79538367	80282785
4432	5	79538367	80345337
4433	5	79538367	80389787
4434	5	79538367	80411639
4435	5	79538367	80446855
4436	5	79538367	80492790
4437	5	79538367	80670554
4438	5	79538367	80674679
4439	5	79538367	80720509
4440	5	79538367	80800856
4441	5	79538367	80804587
4442	5	79538367	80807409
4443	5	79538367	80835734
4444	5	79538367	80971764
4445	5	79538367	80972258
4446	5	79538367	80974450
4447	5	79538367	81047638
4448	5	79538367	81082921

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4449	5	79538367	81157909
4450	5	79538367	81265937
4451	5	79538367	81265937
4452	5	79538367	81267485
4453	5	79538367	81267499
4454	5	79538367	81274512
4455	5	79538367	81763618
4456	5	79538367	81797217
4457	5	79538367	81800186
4458	5	79538367	81806213
4459	5	79538367	81854583
4460	5	79538367	81859374
4461	5	79538367	81861368
4462	5	79538367	81863686
4463	5	79538367	81916850
4464	5	79538367	81954891
4465	5	79538367	81985250
4466	5	79538367	82083752
4467	5	79538367	82101253
4468	5	79538367	82143124
4469	5	79538367	82236318
4470	5	79538367	82325587
4471	5	79538367	82427210
4472	5	79538367	82431853
4473	5	79538367	82446714
4474	5	79538367	82446794
4475	5	79538367	82551111

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4476	5	79538367	82552090
4477	5	79538367	82555641
4478	5	79538367	82555670
4479	5	79538367	82556511
4480	5	79538367	82559047
4481	5	79538367	82561535
4482	5	79538367	82610100
4483	5	79538367	82676822
4484	5	79538367	82676901
4485	5	79538367	82883691
4486	5	79538367	82954942
4487	5	79538367	82971688
4488	5	79538367	83023965
4489	5	79538367	83094205
4490	5	79538367	83146355
4491	5	79538367	83280630
4492	5	79538367	83281412
4493	5	79538367	83400242
4494	5	79538367	83405797
4495	5	79538367	83437132
4496	5	79538367	83522252
4497	5	79538367	83560095
4498	5	79538367	83560204
4499	5	79538367	83572400
4500	5	79538367	83607661
4501	5	79538367	83745342
4502	5	79538367	83861275

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4503	5	79538367	83861633
4504	5	79538367	83865653
4505	5	79538367	83865914
4506	5	79538367	83865920
4507	5	79538367	83868010
4508	5	79538367	84019752
4509	5	79538367	84065912
4510	5	79538367	84086632
4511	5	79538367	84089603
4512	5	79538367	84104814
4513	5	79538367	84105175
4514	5	79538367	84251635
4515	5	79538367	84252180
4516	5	79538367	84253030
4517	5	79538367	84254208
4518	5	79538367	84314930
4519	5	79538367	84340523
4520	5	79538367	84516340
4521	5	79538367	84706916
4522	5	79538367	84799488
4523	5	79538367	84801081
4524	5	79538367	84824103
4525	5	79538367	84824203
4526	5	79538367	84824816
4527	5	79538367	84825422
4528	5	79538367	84825763
4529	5	79538367	84825942

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4530	5	79538367	84843411
4531	5	79538367	84936441
4532	5	79538367	84936493
4533	5	79538367	84943705
4534	5	79538367	169454950
4535	5	79538367	181522829
4536	5	79538367	204759879
4537	5	79538367	209874191
4538	5	79666742	79538367
4539	5	79666742	79669824
4540	5	79666742	79682242
4541	5	79666742	79699261
4542	5	79666742	79710673
4543	5	79666742	79861902
4544	5	79666742	79867710
4545	5	79666742	79867868
4546	5	79666742	79867873
4547	5	79666742	79961961
4548	5	79666742	80086268
4549	5	79666742	80190673
4550	5	79666742	80190777
4551	5	79666742	80192546
4552	5	79666742	80195395
4553	5	79666742	80199923
4554	5	79666742	80241911
4555	5	79666742	80282785
4556	5	79666742	80345337

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4557	5	79666742	80389787
4558	5	79666742	80411639
4559	5	79666742	80446855
4560	5	79666742	80492790
4561	5	79666742	80670554
4562	5	79666742	80674679
4563	5	79666742	80720509
4564	5	79666742	80800856
4565	5	79666742	80804587
4566	5	79666742	80807409
4567	5	79666742	80835734
4568	5	79666742	80971764
4569	5	79666742	80972258
4570	5	79666742	80974450
4571	5	79666742	81047638
4572	5	79666742	81082921
4573	5	79666742	81157909
4574	5	79666742	81265937
4575	5	79666742	81265937
4576	5	79666742	81267485
4577	5	79666742	81267499
4578	5	79666742	81274512
4579	5	79666742	81763618
4580	5	79666742	81797217
4581	5	79666742	81800186
4582	5	79666742	81806213
4583	5	79666742	81854583



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4584	5	79666742	81859374
4585	5	79666742	81861368
4586	5	79666742	81863686
4587	5	79666742	81916850
4588	5	79666742	81954891
4589	5	79666742	81985250
4590	5	79666742	82083752
4591	5	79666742	82101253
4592	5	79666742	82143124
4593	5	79666742	82236318
4594	5	79666742	82325587
4595	5	79666742	82427210
4596	5	79666742	82431853
4597	5	79666742	82446714
4598	5	79666742	82446794
4599	5	79666742	82551111
4600	5	79666742	82552090
4601	5	79666742	82555641
4602	5	79666742	82555670
4603	5	79666742	82556511
4604	5	79666742	82559047
4605	5	79666742	82561535
4606	5	79666742	82610100
4607	5	79666742	82676822
4608	5	79666742	82676901
4609	5	79666742	82883691
4610	5	79666742	82954942

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4611	5	79666742	82971688
4612	5	79666742	83023965
4613	5	79666742	83094205
4614	5	79666742	83146355
4615	5	79666742	83280630
4616	5	79666742	83281412
4617	5	79666742	83400242
4618	5	79666742	83405797
4619	5	79666742	83437132
4620	5	79666742	83522252
4621	5	79666742	83560095
4622	5	79666742	83560204
4623	5	79666742	83572400
4624	5	79666742	83607661
4625	5	79666742	83745342
4626	5	79666742	83861275
4627	5	79666742	83861633
4628	5	79666742	83865653
4629	5	79666742	83865914
4630	5	79666742	83865920
4631	5	79666742	83868010
4632	5	79666742	84019752
4633	5	79666742	84065912
4634	5	79666742	84086632
4635	5	79666742	84089603
4636	5	79666742	84104814
4637	5	79666742	84105175

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4638	5	79666742	84251635
4639	5	79666742	84252180
4640	5	79666742	84253030
4641	5	79666742	84254208
4642	5	79666742	84314930
4643	5	79666742	84340523
4644	5	79666742	84516340
4645	5	79666742	84706916
4646	5	79666742	84799488
4647	5	79666742	84801081
4648	5	79666742	84824103
4649	5	79666742	84824203
4650	5	79666742	84824816
4651	5	79666742	84825422
4652	5	79666742	84825763
4653	5	79666742	84825942
4654	5	79666742	84843411
4655	5	79666742	84936441
4656	5	79666742	84936493
4657	5	79666742	84943705
4658	5	79666742	169454950
4659	5	79666742	181522829
4660	5	79666742	204759879
4661	5	79666742	209874191
4662	5	79679654	79682242
4663	5	79679654	79699261
4664	5	79679654	79710673

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4665	5	79679654	79861902
4666	5	79679654	79867710
4667	5	79679654	79867868
4668	5	79679654	79867873
4669	5	79679654	79961961
4670	5	79679654	80086268
4671	5	79679654	80190673
4672	5	79679654	80190777
4673	5	79679654	80192546
4674	5	79679654	80195395
4675	5	79679654	80199923
4676	5	79679654	80241911
4677	5	79679654	80282785
4678	5	79679654	80345337
4679	5	79679654	80389787
4680	5	79679654	80411639
4681	5	79679654	80446855
4682	5	79679654	80492790
4683	5	79679654	80670554
4684	5	79679654	80674679
4685	5	79679654	80720509
4686	5	79679654	80800856
4687	5	79679654	80804587
4688	5	79679654	80807409
4689	5	79679654	80835734
4690	5	79679654	80971764
4691	5	79679654	80972258

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4692	5	79679654	80974450
4693	5	79679654	81047638
4694	5	79679654	81082921
4695	5	79679654	81157909
4696	5	79679654	81265937
4697	5	79679654	81265937
4698	5	79679654	81267485
4699	5	79679654	81267499
4700	5	79679654	81274512
4701	5	79679654	81763618
4702	5	79679654	81797217
4703	5	79679654	81800186
4704	5	79679654	81806213
4705	5	79679654	81854583
4706	5	79679654	81859374
4707	5	79679654	81861368
4708	5	79679654	81863686
4709	5	79679654	81916850
4710	5	79679654	81954891
4711	5	79679654	81985250
4712	5	79679654	82083752
4713	5	79679654	82101253
4714	5	79679654	82143124
4715	5	79679654	82236318
4716	5	79679654	82325587
4717	5	79679654	82427210
4718	5	79679654	82431853

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4719	5	79679654	82446714
4720	5	79679654	82446794
4721	5	79679654	82551111
4722	5	79679654	82552090
4723	5	79679654	82555641
4724	5	79679654	82555670
4725	5	79679654	82556511
4726	5	79679654	82559047
4727	5	79679654	82561535
4728	5	79679654	82610100
4729	5	79679654	82676822
4730	5	79679654	82676901
4731	5	79679654	82883691
4732	5	79679654	82954942
4733	5	79679654	82971688
4734	5	79679654	83023965
4735	5	79679654	83094205
4736	5	79679654	83146355
4737	5	79679654	83280630
4738	5	79679654	83281412
4739	5	79679654	83400242
4740	5	79679654	83405797
4741	5	79679654	83437132
4742	5	79679654	83522252
4743	5	79679654	83560095
4744	5	79679654	83560204
4745	5	79679654	83572400

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4746	5	79679654	83607661
4747	5	79679654	83745342
4748	5	79679654	83861275
4749	5	79679654	83861633
4750	5	79679654	83865653
4751	5	79679654	83865914
4752	5	79679654	83865920
4753	5	79679654	83868010
4754	5	79679654	84019752
4755	5	79679654	84065912
4756	5	79679654	84086632
4757	5	79679654	84089603
4758	5	79679654	84104814
4759	5	79679654	84105175
4760	5	79679654	84251635
4761	5	79679654	84252180
4762	5	79679654	84253030
4763	5	79679654	84254208
4764	5	79679654	84314930
4765	5	79679654	84340523
4766	5	79679654	84516340
4767	5	79679654	84706916
4768	5	79679654	84799488
4769	5	79679654	84801081
4770	5	79679654	84824103
4771	5	79679654	84824203
4772	5	79679654	84824816

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4773	5	79679654	84825422
4774	5	79679654	84825763
4775	5	79679654	84825942
4776	5	79679654	84843411
4777	5	79679654	84936441
4778	5	79679654	84936493
4779	5	79679654	84943705
4780	5	79679654	169454950
4781	5	79679654	181522829
4782	5	79679654	204759879
4783	5	79679654	209874191
4784	5	79697555	79699261
4785	5	79697555	79710673
4786	5	79697555	79861902
4787	5	79697555	79867710
4788	5	79697555	79867868
4789	5	79697555	79867873
4790	5	79697555	79961961
4791	5	79697555	80086268
4792	5	79697555	80190673
4793	5	79697555	80190777
4794	5	79697555	80192546
4795	5	79697555	80195395
4796	5	79697555	80199923
4797	5	79697555	80241911
4798	5	79697555	80282785
4799	5	79697555	80345337



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4800	5	79697555	80389787
4801	5	79697555	80411639
4802	5	79697555	80446855
4803	5	79697555	80492790
4804	5	79697555	80670554
4805	5	79697555	80674679
4806	5	79697555	80720509
4807	5	79697555	80800856
4808	5	79697555	80804587
4809	5	79697555	80807409
4810	5	79697555	80835734
4811	5	79697555	80971764
4812	5	79697555	80972258
4813	5	79697555	80974450
4814	5	79697555	81047638
4815	5	79697555	81082921
4816	5	79697555	81157909
4817	5	79697555	81265937
4818	5	79697555	81265937
4819	5	79697555	81267485
4820	5	79697555	81267499
4821	5	79697555	81274512
4822	5	79697555	81763618
4823	5	79697555	81797217
4824	5	79697555	81800186
4825	5	79697555	81806213
4826	5	79697555	81854583

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4827	5	79697555	81859374
4828	5	79697555	81861368
4829	5	79697555	81863686
4830	5	79697555	81916850
4831	5	79697555	81954891
4832	5	79697555	81985250
4833	5	79697555	82083752
4834	5	79697555	82101253
4835	5	79697555	82143124
4836	5	79697555	82236318
4837	5	79697555	82325587
4838	5	79697555	82427210
4839	5	79697555	82431853
4840	5	79697555	82446714
4841	5	79697555	82446794
4842	5	79697555	82551111
4843	5	79697555	82552090
4844	5	79697555	82555641
4845	5	79697555	82555670
4846	5	79697555	82556511
4847	5	79697555	82559047
4848	5	79697555	82561535
4849	5	79697555	82610100
4850	5	79697555	82676822
4851	5	79697555	82676901
4852	5	79697555	82883691
4853	5	79697555	82954942

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4854	5	79697555	82971688
4855	5	79697555	83023965
4856	5	79697555	83094205
4857	5	79697555	83146355
4858	5	79697555	83280630
4859	5	79697555	83281412
4860	5	79697555	83400242
4861	5	79697555	83405797
4862	5	79697555	83437132
4863	5	79697555	83522252
4864	5	79697555	83560095
4865	5	79697555	83560204
4866	5	79697555	83572400
4867	5	79697555	83607661
4868	5	79697555	83745342
4869	5	79697555	83861275
4870	5	79697555	83861633
4871	5	79697555	83865653
4872	5	79697555	83865914
4873	5	79697555	83865920
4874	5	79697555	83868010
4875	5	79697555	84019752
4876	5	79697555	84065912
4877	5	79697555	84086632
4878	5	79697555	84089603
4879	5	79697555	84104814
4880	5	79697555	84105175

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4881	5	79697555	84251635
4882	5	79697555	84252180
4883	5	79697555	84253030
4884	5	79697555	84254208
4885	5	79697555	84314930
4886	5	79697555	84340523
4887	5	79697555	84516340
4888	5	79697555	84706916
4889	5	79697555	84799488
4890	5	79697555	84801081
4891	5	79697555	84824103
4892	5	79697555	84824203
4893	5	79697555	84824816
4894	5	79697555	84825422
4895	5	79697555	84825763
4896	5	79697555	84825942
4897	5	79697555	84843411
4898	5	79697555	84936441
4899	5	79697555	84936493
4900	5	79697555	84943705
4901	5	79697555	169454950
4902	5	79697555	181522829
4903	5	79697555	204759879
4904	5	79697555	209874191
4905	5	79857859	79861902
4906	5	79857859	79867710
4907	5	79857859	79867868

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4908	5	79857859	79867873
4909	5	79857859	79961961
4910	5	79857859	80086268
4911	5	79857859	80190673
4912	5	79857859	80190777
4913	5	79857859	80192546
4914	5	79857859	80195395
4915	5	79857859	80199923
4916	5	79857859	80241911
4917	5	79857859	80282785
4918	5	79857859	80345337
4919	5	79857859	80389787
4920	5	79857859	80411639
4921	5	79857859	80446855
4922	5	79857859	80492790
4923	5	79857859	80670554
4924	5	79857859	80674679
4925	5	79857859	80720509
4926	5	79857859	80800856
4927	5	79857859	80804587
4928	5	79857859	80807409
4929	5	79857859	80835734
4930	5	79857859	80971764
4931	5	79857859	80972258
4932	5	79857859	80974450
4933	5	79857859	81047638
4934	5	79857859	81082921

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4935	5	79857859	81157909
4936	5	79857859	81265937
4937	5	79857859	81265937
4938	5	79857859	81267485
4939	5	79857859	81267499
4940	5	79857859	81274512
4941	5	79857859	81763618
4942	5	79857859	81797217
4943	5	79857859	81800186
4944	5	79857859	81806213
4945	5	79857859	81854583
4946	5	79857859	81859374
4947	5	79857859	81861368
4948	5	79857859	81863686
4949	5	79857859	81916850
4950	5	79857859	81954891
4951	5	79857859	81985250
4952	5	79857859	82083752
4953	5	79857859	82101253
4954	5	79857859	82143124
4955	5	79857859	82236318
4956	5	79857859	82325587
4957	5	79857859	82427210
4958	5	79857859	82431853
4959	5	79857859	82446714
4960	5	79857859	82446794
4961	5	79857859	82551111

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4962	5	79857859	82552090
4963	5	79857859	82555641
4964	5	79857859	82555670
4965	5	79857859	82556511
4966	5	79857859	82559047
4967	5	79857859	82561535
4968	5	79857859	82610100
4969	5	79857859	82676822
4970	5	79857859	82676901
4971	5	79857859	82883691
4972	5	79857859	82954942
4973	5	79857859	82971688
4974	5	79857859	83023965
4975	5	79857859	83094205
4976	5	79857859	83146355
4977	5	79857859	83280630
4978	5	79857859	83281412
4979	5	79857859	83400242
4980	5	79857859	83405797
4981	5	79857859	83437132
4982	5	79857859	83522252
4983	5	79857859	83560095
4984	5	79857859	83560204
4985	5	79857859	83572400
4986	5	79857859	83607661
4987	5	79857859	83745342
4988	5	79857859	83861275

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
4989	5	79857859	83861633
4990	5	79857859	83865653
4991	5	79857859	83865914
4992	5	79857859	83865920
4993	5	79857859	83868010
4994	5	79857859	84019752
4995	5	79857859	84065912
4996	5	79857859	84086632
4997	5	79857859	84089603
4998	5	79857859	84104814
4999	5	79857859	84105175
5000	5	79857859	84251635
5001	5	79857859	84252180
5002	5	79857859	84253030
5003	5	79857859	84254208
5004	5	79857859	84314930
5005	5	79857859	84340523
5006	5	79857859	84516340
5007	5	79857859	84706916
5008	5	79857859	84799488
5009	5	79857859	84801081
5010	5	79857859	84824103
5011	5	79857859	84824203
5012	5	79857859	84824816
5013	5	79857859	84825422
5014	5	79857859	84825763
5015	5	79857859	84825942



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5016	5	79857859	84843411
5017	5	79857859	84936441
5018	5	79857859	84936493
5019	5	79857859	84943705
5020	5	79857859	169454950
5021	5	79857859	181522829
5022	5	79857859	204759879
5023	5	79857859	209874191
5024	5	79862405	79867710
5025	5	79862405	79867868
5026	5	79862405	79867873
5027	5	79862405	79961961
5028	5	79862405	80086268
5029	5	79862405	80190673
5030	5	79862405	80190777
5031	5	79862405	80192546
5032	5	79862405	80195395
5033	5	79862405	80199923
5034	5	79862405	80241911
5035	5	79862405	80282785
5036	5	79862405	80345337
5037	5	79862405	80389787
5038	5	79862405	80411639
5039	5	79862405	80446855
5040	5	79862405	80492790
5041	5	79862405	80670554
5042	5	79862405	80674679

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5043	5	79862405	80720509
5044	5	79862405	80800856
5045	5	79862405	80804587
5046	5	79862405	80807409
5047	5	79862405	80835734
5048	5	79862405	80971764
5049	5	79862405	80972258
5050	5	79862405	80974450
5051	5	79862405	81047638
5052	5	79862405	81082921
5053	5	79862405	81157909
5054	5	79862405	81265937
5055	5	79862405	81265937
5056	5	79862405	81267485
5057	5	79862405	81267499
5058	5	79862405	81274512
5059	5	79862405	81763618
5060	5	79862405	81797217
5061	5	79862405	81800186
5062	5	79862405	81806213
5063	5	79862405	81854583
5064	5	79862405	81859374
5065	5	79862405	81861368
5066	5	79862405	81863686
5067	5	79862405	81916850
5068	5	79862405	81954891
5069	5	79862405	81985250

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5070	5	79862405	82083752
5071	5	79862405	82101253
5072	5	79862405	82143124
5073	5	79862405	82236318
5074	5	79862405	82325587
5075	5	79862405	82427210
5076	5	79862405	82431853
5077	5	79862405	82446714
5078	5	79862405	82446794
5079	5	79862405	82551111
5080	5	79862405	82552090
5081	5	79862405	82555641
5082	5	79862405	82555670
5083	5	79862405	82556511
5084	5	79862405	82559047
5085	5	79862405	82561535
5086	5	79862405	82610100
5087	5	79862405	82676822
5088	5	79862405	82676901
5089	5	79862405	82883691
5090	5	79862405	82954942
5091	5	79862405	82971688
5092	5	79862405	83023965
5093	5	79862405	83094205
5094	5	79862405	83146355
5095	5	79862405	83280630
5096	5	79862405	83281412

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5097	5	79862405	83400242
5098	5	79862405	83405797
5099	5	79862405	83437132
5100	5	79862405	83522252
5101	5	79862405	83560095
5102	5	79862405	83560204
5103	5	79862405	83572400
5104	5	79862405	83607661
5105	5	79862405	83745342
5106	5	79862405	83861275
5107	5	79862405	83861633
5108	5	79862405	83865653
5109	5	79862405	83865914
5110	5	79862405	83865920
5111	5	79862405	83868010
5112	5	79862405	84019752
5113	5	79862405	84065912
5114	5	79862405	84086632
5115	5	79862405	84089603
5116	5	79862405	84104814
5117	5	79862405	84105175
5118	5	79862405	84251635
5119	5	79862405	84252180
5120	5	79862405	84253030
5121	5	79862405	84254208
5122	5	79862405	84314930
5123	5	79862405	84340523

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5124	5	79862405	84516340
5125	5	79862405	84706916
5126	5	79862405	84799488
5127	5	79862405	84801081
5128	5	79862405	84824103
5129	5	79862405	84824203
5130	5	79862405	84824816
5131	5	79862405	84825422
5132	5	79862405	84825763
5133	5	79862405	84825942
5134	5	79862405	84843411
5135	5	79862405	84936441
5136	5	79862405	84936493
5137	5	79862405	84943705
5138	5	79862405	169454950
5139	5	79862405	181522829
5140	5	79862405	204759879
5141	5	79862405	209874191
5142	5	79960831	79961961
5143	5	79960831	80086268
5144	5	79960831	80190673
5145	5	79960831	80190777
5146	5	79960831	80192546
5147	5	79960831	80195395
5148	5	79960831	80199923
5149	5	79960831	80241911
5150	5	79960831	80282785

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5151	5	79960831	80345337
5152	5	79960831	80389787
5153	5	79960831	80411639
5154	5	79960831	80446855
5155	5	79960831	80492790
5156	5	79960831	80670554
5157	5	79960831	80674679
5158	5	79960831	80720509
5159	5	79960831	80800856
5160	5	79960831	80804587
5161	5	79960831	80807409
5162	5	79960831	80835734
5163	5	79960831	80971764
5164	5	79960831	80972258
5165	5	79960831	80974450
5166	5	79960831	81047638
5167	5	79960831	81082921
5168	5	79960831	81157909
5169	5	79960831	81265937
5170	5	79960831	81265937
5171	5	79960831	81267485
5172	5	79960831	81267499
5173	5	79960831	81274512
5174	5	79960831	81763618
5175	5	79960831	81797217
5176	5	79960831	81800186
5177	5	79960831	81806213

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5178	5	79960831	81854583
5179	5	79960831	81859374
5180	5	79960831	81861368
5181	5	79960831	81863686
5182	5	79960831	81916850
5183	5	79960831	81954891
5184	5	79960831	81985250
5185	5	79960831	82083752
5186	5	79960831	82101253
5187	5	79960831	82143124
5188	5	79960831	82236318
5189	5	79960831	82325587
5190	5	79960831	82427210
5191	5	79960831	82431853
5192	5	79960831	82446714
5193	5	79960831	82446794
5194	5	79960831	82551111
5195	5	79960831	82552090
5196	5	79960831	82555641
5197	5	79960831	82555670
5198	5	79960831	82556511
5199	5	79960831	82559047
5200	5	79960831	82561535
5201	5	79960831	82610100
5202	5	79960831	82676822
5203	5	79960831	82676901
5204	5	79960831	82883691

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5205	5	79960831	82954942
5206	5	79960831	82971688
5207	5	79960831	83023965
5208	5	79960831	83094205
5209	5	79960831	83146355
5210	5	79960831	83280630
5211	5	79960831	83281412
5212	5	79960831	83400242
5213	5	79960831	83405797
5214	5	79960831	83437132
5215	5	79960831	83522252
5216	5	79960831	83560095
5217	5	79960831	83560204
5218	5	79960831	83572400
5219	5	79960831	83607661
5220	5	79960831	83745342
5221	5	79960831	83861275
5222	5	79960831	83861633
5223	5	79960831	83865653
5224	5	79960831	83865914
5225	5	79960831	83865920
5226	5	79960831	83868010
5227	5	79960831	84019752
5228	5	79960831	84065912
5229	5	79960831	84086632
5230	5	79960831	84089603
5231	5	79960831	84104814



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5232	5	79960831	84105175
5233	5	79960831	84251635
5234	5	79960831	84252180
5235	5	79960831	84253030
5236	5	79960831	84254208
5237	5	79960831	84314930
5238	5	79960831	84340523
5239	5	79960831	84516340
5240	5	79960831	84706916
5241	5	79960831	84799488
5242	5	79960831	84801081
5243	5	79960831	84824103
5244	5	79960831	84824203
5245	5	79960831	84824816
5246	5	79960831	84825422
5247	5	79960831	84825763
5248	5	79960831	84825942
5249	5	79960831	84843411
5250	5	79960831	84936441
5251	5	79960831	84936493
5252	5	79960831	84943705
5253	5	79960831	169454950
5254	5	79960831	181522829
5255	5	79960831	204759879
5256	5	79960831	209874191
5257	5	80084956	80086268
5258	5	80084956	80190673

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5259	5	80084956	80190777
5260	5	80084956	80192546
5261	5	80084956	80195395
5262	5	80084956	80199923
5263	5	80084956	80241911
5264	5	80084956	80282785
5265	5	80084956	80345337
5266	5	80084956	80389787
5267	5	80084956	80411639
5268	5	80084956	80446855
5269	5	80084956	80492790
5270	5	80084956	80670554
5271	5	80084956	80674679
5272	5	80084956	80720509
5273	5	80084956	80800856
5274	5	80084956	80804587
5275	5	80084956	80807409
5276	5	80084956	80835734
5277	5	80084956	80971764
5278	5	80084956	80972258
5279	5	80084956	80974450
5280	5	80084956	81047638
5281	5	80084956	81082921
5282	5	80084956	81157909
5283	5	80084956	81265937
5284	5	80084956	81265937
5285	5	80084956	81267485

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5286	5	80084956	81267499
5287	5	80084956	81274512
5288	5	80084956	81763618
5289	5	80084956	81797217
5290	5	80084956	81800186
5291	5	80084956	81806213
5292	5	80084956	81854583
5293	5	80084956	81859374
5294	5	80084956	81861368
5295	5	80084956	81863686
5296	5	80084956	81916850
5297	5	80084956	81954891
5298	5	80084956	81985250
5299	5	80084956	82083752
5300	5	80084956	82101253
5301	5	80084956	82143124
5302	5	80084956	82236318
5303	5	80084956	82325587
5304	5	80084956	82427210
5305	5	80084956	82431853
5306	5	80084956	82446714
5307	5	80084956	82446794
5308	5	80084956	82551111
5309	5	80084956	82552090
5310	5	80084956	82555641
5311	5	80084956	82555670
5312	5	80084956	82556511

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5313	5	80084956	82559047
5314	5	80084956	82561535
5315	5	80084956	82610100
5316	5	80084956	82676822
5317	5	80084956	82676901
5318	5	80084956	82883691
5319	5	80084956	82954942
5320	5	80084956	82971688
5321	5	80084956	83023965
5322	5	80084956	83094205
5323	5	80084956	83146355
5324	5	80084956	83280630
5325	5	80084956	83281412
5326	5	80084956	83400242
5327	5	80084956	83405797
5328	5	80084956	83437132
5329	5	80084956	83522252
5330	5	80084956	83560095
5331	5	80084956	83560204
5332	5	80084956	83572400
5333	5	80084956	83607661
5334	5	80084956	83745342
5335	5	80084956	83861275
5336	5	80084956	83861633
5337	5	80084956	83865653
5338	5	80084956	83865914
5339	5	80084956	83865920

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5340	5	80084956	83868010
5341	5	80084956	84019752
5342	5	80084956	84065912
5343	5	80084956	84086632
5344	5	80084956	84089603
5345	5	80084956	84104814
5346	5	80084956	84105175
5347	5	80084956	84251635
5348	5	80084956	84252180
5349	5	80084956	84253030
5350	5	80084956	84254208
5351	5	80084956	84314930
5352	5	80084956	84340523
5353	5	80084956	84516340
5354	5	80084956	84706916
5355	5	80084956	84799488
5356	5	80084956	84801081
5357	5	80084956	84824103
5358	5	80084956	84824203
5359	5	80084956	84824816
5360	5	80084956	84825422
5361	5	80084956	84825763
5362	5	80084956	84825942
5363	5	80084956	84843411
5364	5	80084956	84936441
5365	5	80084956	84936493
5366	5	80084956	84943705

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5367	5	80084956	169454950
5368	5	80084956	181522829
5369	5	80084956	204759879
5370	5	80084956	209874191
5371	5	80187987	80190673
5372	5	80187987	80190777
5373	5	80187987	80192546
5374	5	80187987	80195395
5375	5	80187987	80199923
5376	5	80187987	80241911
5377	5	80187987	80282785
5378	5	80187987	80345337
5379	5	80187987	80389787
5380	5	80187987	80411639
5381	5	80187987	80446855
5382	5	80187987	80492790
5383	5	80187987	80670554
5384	5	80187987	80674679
5385	5	80187987	80720509
5386	5	80187987	80800856
5387	5	80187987	80804587
5388	5	80187987	80807409
5389	5	80187987	80835734
5390	5	80187987	80971764
5391	5	80187987	80972258
5392	5	80187987	80974450
5393	5	80187987	81047638

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5394	5	80187987	81082921
5395	5	80187987	81157909
5396	5	80187987	81265937
5397	5	80187987	81265937
5398	5	80187987	81267485
5399	5	80187987	81267499
5400	5	80187987	81274512
5401	5	80187987	81763618
5402	5	80187987	81797217
5403	5	80187987	81800186
5404	5	80187987	81806213
5405	5	80187987	81854583
5406	5	80187987	81859374
5407	5	80187987	81861368
5408	5	80187987	81863686
5409	5	80187987	81916850
5410	5	80187987	81954891
5411	5	80187987	81985250
5412	5	80187987	82083752
5413	5	80187987	82101253
5414	5	80187987	82143124
5415	5	80187987	82236318
5416	5	80187987	82325587
5417	5	80187987	82427210
5418	5	80187987	82431853
5419	5	80187987	82446714
5420	5	80187987	82446794

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5421	5	80187987	82551111
5422	5	80187987	82552090
5423	5	80187987	82555641
5424	5	80187987	82555670
5425	5	80187987	82556511
5426	5	80187987	82559047
5427	5	80187987	82561535
5428	5	80187987	82610100
5429	5	80187987	82676822
5430	5	80187987	82676901
5431	5	80187987	82883691
5432	5	80187987	82954942
5433	5	80187987	82971688
5434	5	80187987	83023965
5435	5	80187987	83094205
5436	5	80187987	83146355
5437	5	80187987	83280630
5438	5	80187987	83281412
5439	5	80187987	83400242
5440	5	80187987	83405797
5441	5	80187987	83437132
5442	5	80187987	83522252
5443	5	80187987	83560095
5444	5	80187987	83560204
5445	5	80187987	83572400
5446	5	80187987	83607661
5447	5	80187987	83745342



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5448	5	80187987	83861275
5449	5	80187987	83861633
5450	5	80187987	83865653
5451	5	80187987	83865914
5452	5	80187987	83865920
5453	5	80187987	83868010
5454	5	80187987	84019752
5455	5	80187987	84065912
5456	5	80187987	84086632
5457	5	80187987	84089603
5458	5	80187987	84104814
5459	5	80187987	84105175
5460	5	80187987	84251635
5461	5	80187987	84252180
5462	5	80187987	84253030
5463	5	80187987	84254208
5464	5	80187987	84314930
5465	5	80187987	84340523
5466	5	80187987	84516340
5467	5	80187987	84706916
5468	5	80187987	84799488
5469	5	80187987	84801081
5470	5	80187987	84824103
5471	5	80187987	84824203
5472	5	80187987	84824816
5473	5	80187987	84825422
5474	5	80187987	84825763

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5475	5	80187987	84825942
5476	5	80187987	84843411
5477	5	80187987	84936441
5478	5	80187987	84936493
5479	5	80187987	84943705
5480	5	80187987	169454950
5481	5	80187987	181522829
5482	5	80187987	204759879
5483	5	80187987	209874191
5484	5	80188978	80190673
5485	5	80188978	80190777
5486	5	80188978	80192546
5487	5	80188978	80195395
5488	5	80188978	80199923
5489	5	80188978	80241911
5490	5	80188978	80282785
5491	5	80188978	80345337
5492	5	80188978	80389787
5493	5	80188978	80411639
5494	5	80188978	80446855
5495	5	80188978	80492790
5496	5	80188978	80670554
5497	5	80188978	80674679
5498	5	80188978	80720509
5499	5	80188978	80800856
5500	5	80188978	80804587
5501	5	80188978	80807409

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5502	5	80188978	80835734
5503	5	80188978	80971764
5504	5	80188978	80972258
5505	5	80188978	80974450
5506	5	80188978	81047638
5507	5	80188978	81082921
5508	5	80188978	81157909
5509	5	80188978	81265937
5510	5	80188978	81265937
5511	5	80188978	81267485
5512	5	80188978	81267499
5513	5	80188978	81274512
5514	5	80188978	81763618
5515	5	80188978	81797217
5516	5	80188978	81800186
5517	5	80188978	81806213
5518	5	80188978	81854583
5519	5	80188978	81859374
5520	5	80188978	81861368
5521	5	80188978	81863686
5522	5	80188978	81916850
5523	5	80188978	81954891
5524	5	80188978	81985250
5525	5	80188978	82083752
5526	5	80188978	82101253
5527	5	80188978	82143124
5528	5	80188978	82236318

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5529	5	80188978	82325587
5530	5	80188978	82427210
5531	5	80188978	82431853
5532	5	80188978	82446714
5533	5	80188978	82446794
5534	5	80188978	82551111
5535	5	80188978	82552090
5536	5	80188978	82555641
5537	5	80188978	82555670
5538	5	80188978	82556511
5539	5	80188978	82559047
5540	5	80188978	82561535
5541	5	80188978	82610100
5542	5	80188978	82676822
5543	5	80188978	82676901
5544	5	80188978	82883691
5545	5	80188978	82954942
5546	5	80188978	82971688
5547	5	80188978	83023965
5548	5	80188978	83094205
5549	5	80188978	83146355
5550	5	80188978	83280630
5551	5	80188978	83281412
5552	5	80188978	83400242
5553	5	80188978	83405797
5554	5	80188978	83437132
5555	5	80188978	83522252

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5556	5	80188978	83560095
5557	5	80188978	83560204
5558	5	80188978	83572400
5559	5	80188978	83607661
5560	5	80188978	83745342
5561	5	80188978	83861275
5562	5	80188978	83861633
5563	5	80188978	83865653
5564	5	80188978	83865914
5565	5	80188978	83865920
5566	5	80188978	83868010
5567	5	80188978	84019752
5568	5	80188978	84065912
5569	5	80188978	84086632
5570	5	80188978	84089603
5571	5	80188978	84104814
5572	5	80188978	84105175
5573	5	80188978	84251635
5574	5	80188978	84252180
5575	5	80188978	84253030
5576	5	80188978	84254208
5577	5	80188978	84314930
5578	5	80188978	84340523
5579	5	80188978	84516340
5580	5	80188978	84706916
5581	5	80188978	84799488
5582	5	80188978	84801081

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5583	5	80188978	84824103
5584	5	80188978	84824203
5585	5	80188978	84824816
5586	5	80188978	84825422
5587	5	80188978	84825763
5588	5	80188978	84825942
5589	5	80188978	84843411
5590	5	80188978	84936441
5591	5	80188978	84936493
5592	5	80188978	84943705
5593	5	80188978	169454950
5594	5	80188978	181522829
5595	5	80188978	204759879
5596	5	80188978	209874191
5597	5	80191781	80192546
5598	5	80191781	80195395
5599	5	80191781	80199923
5600	5	80191781	80241911
5601	5	80191781	80282785
5602	5	80191781	80345337
5603	5	80191781	80389787
5604	5	80191781	80411639
5605	5	80191781	80446855
5606	5	80191781	80492790
5607	5	80191781	80670554
5608	5	80191781	80674679
5609	5	80191781	80720509

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5610	5	80191781	80800856
5611	5	80191781	80804587
5612	5	80191781	80807409
5613	5	80191781	80835734
5614	5	80191781	80971764
5615	5	80191781	80972258
5616	5	80191781	80974450
5617	5	80191781	81047638
5618	5	80191781	81082921
5619	5	80191781	81157909
5620	5	80191781	81265937
5621	5	80191781	81265937
5622	5	80191781	81267485
5623	5	80191781	81267499
5624	5	80191781	81274512
5625	5	80191781	81763618
5626	5	80191781	81797217
5627	5	80191781	81800186
5628	5	80191781	81806213
5629	5	80191781	81854583
5630	5	80191781	81859374
5631	5	80191781	81861368
5632	5	80191781	81863686
5633	5	80191781	81916850
5634	5	80191781	81954891
5635	5	80191781	81985250
5636	5	80191781	82083752

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5637	5	80191781	82101253
5638	5	80191781	82143124
5639	5	80191781	82236318
5640	5	80191781	82325587
5641	5	80191781	82427210
5642	5	80191781	82431853
5643	5	80191781	82446714
5644	5	80191781	82446794
5645	5	80191781	82551111
5646	5	80191781	82552090
5647	5	80191781	82555641
5648	5	80191781	82555670
5649	5	80191781	82556511
5650	5	80191781	82559047
5651	5	80191781	82561535
5652	5	80191781	82610100
5653	5	80191781	82676822
5654	5	80191781	82676901
5655	5	80191781	82883691
5656	5	80191781	82954942
5657	5	80191781	82971688
5658	5	80191781	83023965
5659	5	80191781	83094205
5660	5	80191781	83146355
5661	5	80191781	83280630
5662	5	80191781	83281412
5663	5	80191781	83400242



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5664	5	80191781	83405797
5665	5	80191781	83437132
5666	5	80191781	83522252
5667	5	80191781	83560095
5668	5	80191781	83560204
5669	5	80191781	83572400
5670	5	80191781	83607661
5671	5	80191781	83745342
5672	5	80191781	83861275
5673	5	80191781	83861633
5674	5	80191781	83865653
5675	5	80191781	83865914
5676	5	80191781	83865920
5677	5	80191781	83868010
5678	5	80191781	84019752
5679	5	80191781	84065912
5680	5	80191781	84086632
5681	5	80191781	84089603
5682	5	80191781	84104814
5683	5	80191781	84105175
5684	5	80191781	84251635
5685	5	80191781	84252180
5686	5	80191781	84253030
5687	5	80191781	84254208
5688	5	80191781	84314930
5689	5	80191781	84340523
5690	5	80191781	84516340

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5691	5	80191781	84706916
5692	5	80191781	84799488
5693	5	80191781	84801081
5694	5	80191781	84824103
5695	5	80191781	84824203
5696	5	80191781	84824816
5697	5	80191781	84825422
5698	5	80191781	84825763
5699	5	80191781	84825942
5700	5	80191781	84843411
5701	5	80191781	84936441
5702	5	80191781	84936493
5703	5	80191781	84943705
5704	5	80191781	169454950
5705	5	80191781	181522829
5706	5	80191781	204759879
5707	5	80191781	209874191
5708	5	80195077	80195395
5709	5	80195077	80199923
5710	5	80195077	80241911
5711	5	80195077	80282785
5712	5	80195077	80345337
5713	5	80195077	80389787
5714	5	80195077	80411639
5715	5	80195077	80446855
5716	5	80195077	80492790
5717	5	80195077	80670554

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5718	5	80195077	80674679
5719	5	80195077	80720509
5720	5	80195077	80800856
5721	5	80195077	80804587
5722	5	80195077	80807409
5723	5	80195077	80835734
5724	5	80195077	80971764
5725	5	80195077	80972258
5726	5	80195077	80974450
5727	5	80195077	81047638
5728	5	80195077	81082921
5729	5	80195077	81157909
5730	5	80195077	81265937
5731	5	80195077	81265937
5732	5	80195077	81267485
5733	5	80195077	81267499
5734	5	80195077	81274512
5735	5	80195077	81763618
5736	5	80195077	81797217
5737	5	80195077	81800186
5738	5	80195077	81806213
5739	5	80195077	81854583
5740	5	80195077	81859374
5741	5	80195077	81861368
5742	5	80195077	81863686
5743	5	80195077	81916850
5744	5	80195077	81954891

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5745	5	80195077	81985250
5746	5	80195077	82083752
5747	5	80195077	82101253
5748	5	80195077	82143124
5749	5	80195077	82236318
5750	5	80195077	82325587
5751	5	80195077	82427210
5752	5	80195077	82431853
5753	5	80195077	82446714
5754	5	80195077	82446794
5755	5	80195077	82551111
5756	5	80195077	82552090
5757	5	80195077	82555641
5758	5	80195077	82555670
5759	5	80195077	82556511
5760	5	80195077	82559047
5761	5	80195077	82561535
5762	5	80195077	82610100
5763	5	80195077	82676822
5764	5	80195077	82676901
5765	5	80195077	82883691
5766	5	80195077	82954942
5767	5	80195077	82971688
5768	5	80195077	83023965
5769	5	80195077	83094205
5770	5	80195077	83146355
5771	5	80195077	83280630

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5772	5	80195077	83281412
5773	5	80195077	83400242
5774	5	80195077	83405797
5775	5	80195077	83437132
5776	5	80195077	83522252
5777	5	80195077	83560095
5778	5	80195077	83560204
5779	5	80195077	83572400
5780	5	80195077	83607661
5781	5	80195077	83745342
5782	5	80195077	83861275
5783	5	80195077	83861633
5784	5	80195077	83865653
5785	5	80195077	83865914
5786	5	80195077	83865920
5787	5	80195077	83868010
5788	5	80195077	84019752
5789	5	80195077	84065912
5790	5	80195077	84086632
5791	5	80195077	84089603
5792	5	80195077	84104814
5793	5	80195077	84105175
5794	5	80195077	84251635
5795	5	80195077	84252180
5796	5	80195077	84253030
5797	5	80195077	84254208
5798	5	80195077	84314930

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5799	5	80195077	84340523
5800	5	80195077	84516340
5801	5	80195077	84706916
5802	5	80195077	84799488
5803	5	80195077	84801081
5804	5	80195077	84824103
5805	5	80195077	84824203
5806	5	80195077	84824816
5807	5	80195077	84825422
5808	5	80195077	84825763
5809	5	80195077	84825942
5810	5	80195077	84843411
5811	5	80195077	84936441
5812	5	80195077	84936493
5813	5	80195077	84943705
5814	5	80195077	169454950
5815	5	80195077	181522829
5816	5	80195077	204759879
5817	5	80195077	209874191
5818	5	80195395	80199923
5819	5	80195395	80241911
5820	5	80195395	80282785
5821	5	80195395	80345337
5822	5	80195395	80389787
5823	5	80195395	80411639
5824	5	80195395	80446855
5825	5	80195395	80492790

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5826	5	80195395	80670554
5827	5	80195395	80674679
5828	5	80195395	80720509
5829	5	80195395	80800856
5830	5	80195395	80804587
5831	5	80195395	80807409
5832	5	80195395	80835734
5833	5	80195395	80971764
5834	5	80195395	80972258
5835	5	80195395	80974450
5836	5	80195395	81047638
5837	5	80195395	81082921
5838	5	80195395	81157909
5839	5	80195395	81265937
5840	5	80195395	81265937
5841	5	80195395	81267485
5842	5	80195395	81267499
5843	5	80195395	81274512
5844	5	80195395	81763618
5845	5	80195395	81797217
5846	5	80195395	81800186
5847	5	80195395	81806213
5848	5	80195395	81854583
5849	5	80195395	81859374
5850	5	80195395	81861368
5851	5	80195395	81863686
5852	5	80195395	81916850

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5853	5	80195395	81954891
5854	5	80195395	81985250
5855	5	80195395	82083752
5856	5	80195395	82101253
5857	5	80195395	82143124
5858	5	80195395	82236318
5859	5	80195395	82325587
5860	5	80195395	82427210
5861	5	80195395	82431853
5862	5	80195395	82446714
5863	5	80195395	82446794
5864	5	80195395	82551111
5865	5	80195395	82552090
5866	5	80195395	82555641
5867	5	80195395	82555670
5868	5	80195395	82556511
5869	5	80195395	82559047
5870	5	80195395	82561535
5871	5	80195395	82610100
5872	5	80195395	82676822
5873	5	80195395	82676901
5874	5	80195395	82883691
5875	5	80195395	82954942
5876	5	80195395	82971688
5877	5	80195395	83023965
5878	5	80195395	83094205
5879	5	80195395	83146355



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5880	5	80195395	83280630
5881	5	80195395	83281412
5882	5	80195395	83400242
5883	5	80195395	83405797
5884	5	80195395	83437132
5885	5	80195395	83522252
5886	5	80195395	83560095
5887	5	80195395	83560204
5888	5	80195395	83572400
5889	5	80195395	83607661
5890	5	80195395	83745342
5891	5	80195395	83861275
5892	5	80195395	83861633
5893	5	80195395	83865653
5894	5	80195395	83865914
5895	5	80195395	83865920
5896	5	80195395	83868010
5897	5	80195395	84019752
5898	5	80195395	84065912
5899	5	80195395	84086632
5900	5	80195395	84089603
5901	5	80195395	84104814
5902	5	80195395	84105175
5903	5	80195395	84251635
5904	5	80195395	84252180
5905	5	80195395	84253030
5906	5	80195395	84254208

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5907	5	80195395	84314930
5908	5	80195395	84340523
5909	5	80195395	84516340
5910	5	80195395	84706916
5911	5	80195395	84799488
5912	5	80195395	84801081
5913	5	80195395	84824103
5914	5	80195395	84824203
5915	5	80195395	84824816
5916	5	80195395	84825422
5917	5	80195395	84825763
5918	5	80195395	84825942
5919	5	80195395	84843411
5920	5	80195395	84936441
5921	5	80195395	84936493
5922	5	80195395	84943705
5923	5	80195395	169454950
5924	5	80195395	181522829
5925	5	80195395	204759879
5926	5	80195395	209874191
5927	5	80195714	80199923
5928	5	80195714	80241911
5929	5	80195714	80282785
5930	5	80195714	80345337
5931	5	80195714	80389787
5932	5	80195714	80411639
5933	5	80195714	80446855

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5934	5	80195714	80492790
5935	5	80195714	80670554
5936	5	80195714	80674679
5937	5	80195714	80720509
5938	5	80195714	80800856
5939	5	80195714	80804587
5940	5	80195714	80807409
5941	5	80195714	80835734
5942	5	80195714	80971764
5943	5	80195714	80972258
5944	5	80195714	80974450
5945	5	80195714	81047638
5946	5	80195714	81082921
5947	5	80195714	81157909
5948	5	80195714	81265937
5949	5	80195714	81265937
5950	5	80195714	81267485
5951	5	80195714	81267499
5952	5	80195714	81274512
5953	5	80195714	81763618
5954	5	80195714	81797217
5955	5	80195714	81800186
5956	5	80195714	81806213
5957	5	80195714	81854583
5958	5	80195714	81859374
5959	5	80195714	81861368
5960	5	80195714	81863686

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5961	5	80195714	81916850
5962	5	80195714	81954891
5963	5	80195714	81985250
5964	5	80195714	82083752
5965	5	80195714	82101253
5966	5	80195714	82143124
5967	5	80195714	82236318
5968	5	80195714	82325587
5969	5	80195714	82427210
5970	5	80195714	82431853
5971	5	80195714	82446714
5972	5	80195714	82446794
5973	5	80195714	82551111
5974	5	80195714	82552090
5975	5	80195714	82555641
5976	5	80195714	82555670
5977	5	80195714	82556511
5978	5	80195714	82559047
5979	5	80195714	82561535
5980	5	80195714	82610100
5981	5	80195714	82676822
5982	5	80195714	82676901
5983	5	80195714	82883691
5984	5	80195714	82954942
5985	5	80195714	82971688
5986	5	80195714	83023965
5987	5	80195714	83094205

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
5988	5	80195714	83146355
5989	5	80195714	83280630
5990	5	80195714	83281412
5991	5	80195714	83400242
5992	5	80195714	83405797
5993	5	80195714	83437132
5994	5	80195714	83522252
5995	5	80195714	83560095
5996	5	80195714	83560204
5997	5	80195714	83572400
5998	5	80195714	83607661
5999	5	80195714	83745342
6000	5	80195714	83861275
6001	5	80195714	83861633
6002	5	80195714	83865653
6003	5	80195714	83865914
6004	5	80195714	83865920
6005	5	80195714	83868010
6006	5	80195714	84019752
6007	5	80195714	84065912
6008	5	80195714	84086632
6009	5	80195714	84089603
6010	5	80195714	84104814
6011	5	80195714	84105175
6012	5	80195714	84251635
6013	5	80195714	84252180
6014	5	80195714	84253030

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6015	5	80195714	84254208
6016	5	80195714	84314930
6017	5	80195714	84340523
6018	5	80195714	84516340
6019	5	80195714	84706916
6020	5	80195714	84799488
6021	5	80195714	84801081
6022	5	80195714	84824103
6023	5	80195714	84824203
6024	5	80195714	84824816
6025	5	80195714	84825422
6026	5	80195714	84825763
6027	5	80195714	84825942
6028	5	80195714	84843411
6029	5	80195714	84936441
6030	5	80195714	84936493
6031	5	80195714	84943705
6032	5	80195714	169454950
6033	5	80195714	181522829
6034	5	80195714	204759879
6035	5	80195714	209874191
6036	5	80236478	80241911
6037	5	80236478	80282785
6038	5	80236478	80345337
6039	5	80236478	80389787
6040	5	80236478	80411639
6041	5	80236478	80446855

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6042	5	80236478	80492790
6043	5	80236478	80670554
6044	5	80236478	80674679
6045	5	80236478	80720509
6046	5	80236478	80800856
6047	5	80236478	80804587
6048	5	80236478	80807409
6049	5	80236478	80835734
6050	5	80236478	80971764
6051	5	80236478	80972258
6052	5	80236478	80974450
6053	5	80236478	81047638
6054	5	80236478	81082921
6055	5	80236478	81157909
6056	5	80236478	81265937
6057	5	80236478	81265937
6058	5	80236478	81267485
6059	5	80236478	81267499
6060	5	80236478	81274512
6061	5	80236478	81763618
6062	5	80236478	81797217
6063	5	80236478	81800186
6064	5	80236478	81806213
6065	5	80236478	81854583
6066	5	80236478	81859374
6067	5	80236478	81861368
6068	5	80236478	81863686

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6069	5	80236478	81916850
6070	5	80236478	81954891
6071	5	80236478	81985250
6072	5	80236478	82083752
6073	5	80236478	82101253
6074	5	80236478	82143124
6075	5	80236478	82236318
6076	5	80236478	82325587
6077	5	80236478	82427210
6078	5	80236478	82431853
6079	5	80236478	82446714
6080	5	80236478	82446794
6081	5	80236478	82551111
6082	5	80236478	82552090
6083	5	80236478	82555641
6084	5	80236478	82555670
6085	5	80236478	82556511
6086	5	80236478	82559047
6087	5	80236478	82561535
6088	5	80236478	82610100
6089	5	80236478	82676822
6090	5	80236478	82676901
6091	5	80236478	82883691
6092	5	80236478	82954942
6093	5	80236478	82971688
6094	5	80236478	83023965
6095	5	80236478	83094205



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6096	5	80236478	83146355
6097	5	80236478	83280630
6098	5	80236478	83281412
6099	5	80236478	83400242
6100	5	80236478	83405797
6101	5	80236478	83437132
6102	5	80236478	83522252
6103	5	80236478	83560095
6104	5	80236478	83560204
6105	5	80236478	83572400
6106	5	80236478	83607661
6107	5	80236478	83745342
6108	5	80236478	83861275
6109	5	80236478	83861633
6110	5	80236478	83865653
6111	5	80236478	83865914
6112	5	80236478	83865920
6113	5	80236478	83868010
6114	5	80236478	84019752
6115	5	80236478	84065912
6116	5	80236478	84086632
6117	5	80236478	84089603
6118	5	80236478	84104814
6119	5	80236478	84105175
6120	5	80236478	84251635
6121	5	80236478	84252180
6122	5	80236478	84253030

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6123	5	80236478	84254208
6124	5	80236478	84314930
6125	5	80236478	84340523
6126	5	80236478	84516340
6127	5	80236478	84706916
6128	5	80236478	84799488
6129	5	80236478	84801081
6130	5	80236478	84824103
6131	5	80236478	84824203
6132	5	80236478	84824816
6133	5	80236478	84825422
6134	5	80236478	84825763
6135	5	80236478	84825942
6136	5	80236478	84843411
6137	5	80236478	84936441
6138	5	80236478	84936493
6139	5	80236478	84943705
6140	5	80236478	169454950
6141	5	80236478	181522829
6142	5	80236478	204759879
6143	5	80236478	209874191
6144	5	80238986	80241911
6145	5	80238986	80282785
6146	5	80238986	80345337
6147	5	80238986	80389787
6148	5	80238986	80411639
6149	5	80238986	80446855

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6150	5	80238986	80492790
6151	5	80238986	80670554
6152	5	80238986	80674679
6153	5	80238986	80720509
6154	5	80238986	80800856
6155	5	80238986	80804587
6156	5	80238986	80807409
6157	5	80238986	80835734
6158	5	80238986	80971764
6159	5	80238986	80972258
6160	5	80238986	80974450
6161	5	80238986	81047638
6162	5	80238986	81082921
6163	5	80238986	81157909
6164	5	80238986	81265937
6165	5	80238986	81265937
6166	5	80238986	81267485
6167	5	80238986	81267499
6168	5	80238986	81274512
6169	5	80238986	81763618
6170	5	80238986	81797217
6171	5	80238986	81800186
6172	5	80238986	81806213
6173	5	80238986	81854583
6174	5	80238986	81859374
6175	5	80238986	81861368
6176	5	80238986	81863686

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6177	5	80238986	81916850
6178	5	80238986	81954891
6179	5	80238986	81985250
6180	5	80238986	82083752
6181	5	80238986	82101253
6182	5	80238986	82143124
6183	5	80238986	82236318
6184	5	80238986	82325587
6185	5	80238986	82427210
6186	5	80238986	82431853
6187	5	80238986	82446714
6188	5	80238986	82446794
6189	5	80238986	82551111
6190	5	80238986	82552090
6191	5	80238986	82555641
6192	5	80238986	82555670
6193	5	80238986	82556511
6194	5	80238986	82559047
6195	5	80238986	82561535
6196	5	80238986	82610100
6197	5	80238986	82676822
6198	5	80238986	82676901
6199	5	80238986	82883691
6200	5	80238986	82954942
6201	5	80238986	82971688
6202	5	80238986	83023965
6203	5	80238986	83094205

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6204	5	80238986	83146355
6205	5	80238986	83280630
6206	5	80238986	83281412
6207	5	80238986	83400242
6208	5	80238986	83405797
6209	5	80238986	83437132
6210	5	80238986	83522252
6211	5	80238986	83560095
6212	5	80238986	83560204
6213	5	80238986	83572400
6214	5	80238986	83607661
6215	5	80238986	83745342
6216	5	80238986	83861275
6217	5	80238986	83861633
6218	5	80238986	83865653
6219	5	80238986	83865914
6220	5	80238986	83865920
6221	5	80238986	83868010
6222	5	80238986	84019752
6223	5	80238986	84065912
6224	5	80238986	84086632
6225	5	80238986	84089603
6226	5	80238986	84104814
6227	5	80238986	84105175
6228	5	80238986	84251635
6229	5	80238986	84252180
6230	5	80238986	84253030

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6231	5	80238986	84254208
6232	5	80238986	84314930
6233	5	80238986	84340523
6234	5	80238986	84516340
6235	5	80238986	84706916
6236	5	80238986	84799488
6237	5	80238986	84801081
6238	5	80238986	84824103
6239	5	80238986	84824203
6240	5	80238986	84824816
6241	5	80238986	84825422
6242	5	80238986	84825763
6243	5	80238986	84825942
6244	5	80238986	84843411
6245	5	80238986	84936441
6246	5	80238986	84936493
6247	5	80238986	84943705
6248	5	80238986	169454950
6249	5	80238986	181522829
6250	5	80238986	204759879
6251	5	80238986	209874191
6252	5	80239243	80241911
6253	5	80239243	80282785
6254	5	80239243	80345337
6255	5	80239243	80389787
6256	5	80239243	80411639
6257	5	80239243	80446855

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6258	5	80239243	80492790
6259	5	80239243	80670554
6260	5	80239243	80674679
6261	5	80239243	80720509
6262	5	80239243	80800856
6263	5	80239243	80804587
6264	5	80239243	80807409
6265	5	80239243	80835734
6266	5	80239243	80971764
6267	5	80239243	80972258
6268	5	80239243	80974450
6269	5	80239243	81047638
6270	5	80239243	81082921
6271	5	80239243	81157909
6272	5	80239243	81265937
6273	5	80239243	81265937
6274	5	80239243	81267485
6275	5	80239243	81267499
6276	5	80239243	81274512
6277	5	80239243	81763618
6278	5	80239243	81797217
6279	5	80239243	81800186
6280	5	80239243	81806213
6281	5	80239243	81854583
6282	5	80239243	81859374
6283	5	80239243	81861368
6284	5	80239243	81863686

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6285	5	80239243	81916850
6286	5	80239243	81954891
6287	5	80239243	81985250
6288	5	80239243	82083752
6289	5	80239243	82101253
6290	5	80239243	82143124
6291	5	80239243	82236318
6292	5	80239243	82325587
6293	5	80239243	82427210
6294	5	80239243	82431853
6295	5	80239243	82446714
6296	5	80239243	82446794
6297	5	80239243	82551111
6298	5	80239243	82552090
6299	5	80239243	82555641
6300	5	80239243	82555670
6301	5	80239243	82556511
6302	5	80239243	82559047
6303	5	80239243	82561535
6304	5	80239243	82610100
6305	5	80239243	82676822
6306	5	80239243	82676901
6307	5	80239243	82883691
6308	5	80239243	82954942
6309	5	80239243	82971688
6310	5	80239243	83023965
6311	5	80239243	83094205



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6312	5	80239243	83146355
6313	5	80239243	83280630
6314	5	80239243	83281412
6315	5	80239243	83400242
6316	5	80239243	83405797
6317	5	80239243	83437132
6318	5	80239243	83522252
6319	5	80239243	83560095
6320	5	80239243	83560204
6321	5	80239243	83572400
6322	5	80239243	83607661
6323	5	80239243	83745342
6324	5	80239243	83861275
6325	5	80239243	83861633
6326	5	80239243	83865653
6327	5	80239243	83865914
6328	5	80239243	83865920
6329	5	80239243	83868010
6330	5	80239243	84019752
6331	5	80239243	84065912
6332	5	80239243	84086632
6333	5	80239243	84089603
6334	5	80239243	84104814
6335	5	80239243	84105175
6336	5	80239243	84251635
6337	5	80239243	84252180
6338	5	80239243	84253030

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6339	5	80239243	84254208
6340	5	80239243	84314930
6341	5	80239243	84340523
6342	5	80239243	84516340
6343	5	80239243	84706916
6344	5	80239243	84799488
6345	5	80239243	84801081
6346	5	80239243	84824103
6347	5	80239243	84824203
6348	5	80239243	84824816
6349	5	80239243	84825422
6350	5	80239243	84825763
6351	5	80239243	84825942
6352	5	80239243	84843411
6353	5	80239243	84936441
6354	5	80239243	84936493
6355	5	80239243	84943705
6356	5	80239243	169454950
6357	5	80239243	181522829
6358	5	80239243	204759879
6359	5	80239243	209874191
6360	5	80273499	80282785
6361	5	80273499	80345337
6362	5	80273499	80389787
6363	5	80273499	80411639
6364	5	80273499	80446855
6365	5	80273499	80492790

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6366	5	80273499	80670554
6367	5	80273499	80674679
6368	5	80273499	80720509
6369	5	80273499	80800856
6370	5	80273499	80804587
6371	5	80273499	80807409
6372	5	80273499	80835734
6373	5	80273499	80971764
6374	5	80273499	80972258
6375	5	80273499	80974450
6376	5	80273499	81047638
6377	5	80273499	81082921
6378	5	80273499	81157909
6379	5	80273499	81265937
6380	5	80273499	81265937
6381	5	80273499	81267485
6382	5	80273499	81267499
6383	5	80273499	81274512
6384	5	80273499	81763618
6385	5	80273499	81797217
6386	5	80273499	81800186
6387	5	80273499	81806213
6388	5	80273499	81854583
6389	5	80273499	81859374
6390	5	80273499	81861368
6391	5	80273499	81863686
6392	5	80273499	81916850

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6393	5	80273499	81954891
6394	5	80273499	81985250
6395	5	80273499	82083752
6396	5	80273499	82101253
6397	5	80273499	82143124
6398	5	80273499	82236318
6399	5	80273499	82325587
6400	5	80273499	82427210
6401	5	80273499	82431853
6402	5	80273499	82446714
6403	5	80273499	82446794
6404	5	80273499	82551111
6405	5	80273499	82552090
6406	5	80273499	82555641
6407	5	80273499	82555670
6408	5	80273499	82556511
6409	5	80273499	82559047
6410	5	80273499	82561535
6411	5	80273499	82610100
6412	5	80273499	82676822
6413	5	80273499	82676901
6414	5	80273499	82883691
6415	5	80273499	82954942
6416	5	80273499	82971688
6417	5	80273499	83023965
6418	5	80273499	83094205
6419	5	80273499	83146355

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6420	5	80273499	83280630
6421	5	80273499	83281412
6422	5	80273499	83400242
6423	5	80273499	83405797
6424	5	80273499	83437132
6425	5	80273499	83522252
6426	5	80273499	83560095
6427	5	80273499	83560204
6428	5	80273499	83572400
6429	5	80273499	83607661
6430	5	80273499	83745342
6431	5	80273499	83861275
6432	5	80273499	83861633
6433	5	80273499	83865653
6434	5	80273499	83865914
6435	5	80273499	83865920
6436	5	80273499	83868010
6437	5	80273499	84019752
6438	5	80273499	84065912
6439	5	80273499	84086632
6440	5	80273499	84089603
6441	5	80273499	84104814
6442	5	80273499	84105175
6443	5	80273499	84251635
6444	5	80273499	84252180
6445	5	80273499	84253030
6446	5	80273499	84254208

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6447	5	80273499	84314930
6448	5	80273499	84340523
6449	5	80273499	84516340
6450	5	80273499	84706916
6451	5	80273499	84799488
6452	5	80273499	84801081
6453	5	80273499	84824103
6454	5	80273499	84824203
6455	5	80273499	84824816
6456	5	80273499	84825422
6457	5	80273499	84825763
6458	5	80273499	84825942
6459	5	80273499	84843411
6460	5	80273499	84936441
6461	5	80273499	84936493
6462	5	80273499	84943705
6463	5	80273499	169454950
6464	5	80273499	181522829
6465	5	80273499	204759879
6466	5	80273499	209874191
6467	5	80344025	80345337
6468	5	80344025	80389787
6469	5	80344025	80411639
6470	5	80344025	80446855
6471	5	80344025	80492790
6472	5	80344025	80670554
6473	5	80344025	80674679

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6474	5	80344025	80720509
6475	5	80344025	80800856
6476	5	80344025	80804587
6477	5	80344025	80807409
6478	5	80344025	80835734
6479	5	80344025	80971764
6480	5	80344025	80972258
6481	5	80344025	80974450
6482	5	80344025	81047638
6483	5	80344025	81082921
6484	5	80344025	81157909
6485	5	80344025	81265937
6486	5	80344025	81265937
6487	5	80344025	81267485
6488	5	80344025	81267499
6489	5	80344025	81274512
6490	5	80344025	81763618
6491	5	80344025	81797217
6492	5	80344025	81800186
6493	5	80344025	81806213
6494	5	80344025	81854583
6495	5	80344025	81859374
6496	5	80344025	81861368
6497	5	80344025	81863686
6498	5	80344025	81916850
6499	5	80344025	81954891
6500	5	80344025	81985250

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6501	5	80344025	82083752
6502	5	80344025	82101253
6503	5	80344025	82143124
6504	5	80344025	82236318
6505	5	80344025	82325587
6506	5	80344025	82427210
6507	5	80344025	82431853
6508	5	80344025	82446714
6509	5	80344025	82446794
6510	5	80344025	82551111
6511	5	80344025	82552090
6512	5	80344025	82555641
6513	5	80344025	82555670
6514	5	80344025	82556511
6515	5	80344025	82559047
6516	5	80344025	82561535
6517	5	80344025	82610100
6518	5	80344025	82676822
6519	5	80344025	82676901
6520	5	80344025	82883691
6521	5	80344025	82954942
6522	5	80344025	82971688
6523	5	80344025	83023965
6524	5	80344025	83094205
6525	5	80344025	83146355
6526	5	80344025	83280630
6527	5	80344025	83281412



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6528	5	80344025	83400242
6529	5	80344025	83405797
6530	5	80344025	83437132
6531	5	80344025	83522252
6532	5	80344025	83560095
6533	5	80344025	83560204
6534	5	80344025	83572400
6535	5	80344025	83607661
6536	5	80344025	83745342
6537	5	80344025	83861275
6538	5	80344025	83861633
6539	5	80344025	83865653
6540	5	80344025	83865914
6541	5	80344025	83865920
6542	5	80344025	83868010
6543	5	80344025	84019752
6544	5	80344025	84065912
6545	5	80344025	84086632
6546	5	80344025	84089603
6547	5	80344025	84104814
6548	5	80344025	84105175
6549	5	80344025	84251635
6550	5	80344025	84252180
6551	5	80344025	84253030
6552	5	80344025	84254208
6553	5	80344025	84314930
6554	5	80344025	84340523

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6555	5	80344025	84516340
6556	5	80344025	84706916
6557	5	80344025	84799488
6558	5	80344025	84801081
6559	5	80344025	84824103
6560	5	80344025	84824203
6561	5	80344025	84824816
6562	5	80344025	84825422
6563	5	80344025	84825763
6564	5	80344025	84825942
6565	5	80344025	84843411
6566	5	80344025	84936441
6567	5	80344025	84936493
6568	5	80344025	84943705
6569	5	80344025	169454950
6570	5	80344025	181522829
6571	5	80344025	204759879
6572	5	80344025	209874191
6573	5	80387639	80389787
6574	5	80387639	80411639
6575	5	80387639	80446855
6576	5	80387639	80492790
6577	5	80387639	80670554
6578	5	80387639	80674679
6579	5	80387639	80720509
6580	5	80387639	80800856
6581	5	80387639	80804587

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6582	5	80387639	80807409
6583	5	80387639	80835734
6584	5	80387639	80971764
6585	5	80387639	80972258
6586	5	80387639	80974450
6587	5	80387639	81047638
6588	5	80387639	81082921
6589	5	80387639	81157909
6590	5	80387639	81265937
6591	5	80387639	81265937
6592	5	80387639	81267485
6593	5	80387639	81267499
6594	5	80387639	81274512
6595	5	80387639	81763618
6596	5	80387639	81797217
6597	5	80387639	81800186
6598	5	80387639	81806213
6599	5	80387639	81854583
6600	5	80387639	81859374
6601	5	80387639	81861368
6602	5	80387639	81863686
6603	5	80387639	81916850
6604	5	80387639	81954891
6605	5	80387639	81985250
6606	5	80387639	82083752
6607	5	80387639	82101253
6608	5	80387639	82143124

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6609	5	80387639	82236318
6610	5	80387639	82325587
6611	5	80387639	82427210
6612	5	80387639	82431853
6613	5	80387639	82446714
6614	5	80387639	82446794
6615	5	80387639	82551111
6616	5	80387639	82552090
6617	5	80387639	82555641
6618	5	80387639	82555670
6619	5	80387639	82556511
6620	5	80387639	82559047
6621	5	80387639	82561535
6622	5	80387639	82610100
6623	5	80387639	82676822
6624	5	80387639	82676901
6625	5	80387639	82883691
6626	5	80387639	82954942
6627	5	80387639	82971688
6628	5	80387639	83023965
6629	5	80387639	83094205
6630	5	80387639	83146355
6631	5	80387639	83280630
6632	5	80387639	83281412
6633	5	80387639	83400242
6634	5	80387639	83405797
6635	5	80387639	83437132

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6636	5	80387639	83522252
6637	5	80387639	83560095
6638	5	80387639	83560204
6639	5	80387639	83572400
6640	5	80387639	83607661
6641	5	80387639	83745342
6642	5	80387639	83861275
6643	5	80387639	83861633
6644	5	80387639	83865653
6645	5	80387639	83865914
6646	5	80387639	83865920
6647	5	80387639	83868010
6648	5	80387639	84019752
6649	5	80387639	84065912
6650	5	80387639	84086632
6651	5	80387639	84089603
6652	5	80387639	84104814
6653	5	80387639	84105175
6654	5	80387639	84251635
6655	5	80387639	84252180
6656	5	80387639	84253030
6657	5	80387639	84254208
6658	5	80387639	84314930
6659	5	80387639	84340523
6660	5	80387639	84516340
6661	5	80387639	84706916
6662	5	80387639	84799488

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6663	5	80387639	84801081
6664	5	80387639	84824103
6665	5	80387639	84824203
6666	5	80387639	84824816
6667	5	80387639	84825422
6668	5	80387639	84825763
6669	5	80387639	84825942
6670	5	80387639	84843411
6671	5	80387639	84936441
6672	5	80387639	84936493
6673	5	80387639	84943705
6674	5	80387639	169454950
6675	5	80387639	181522829
6676	5	80387639	204759879
6677	5	80387639	209874191
6678	5	80388596	80389787
6679	5	80388596	80411639
6680	5	80388596	80446855
6681	5	80388596	80492790
6682	5	80388596	80670554
6683	5	80388596	80674679
6684	5	80388596	80720509
6685	5	80388596	80800856
6686	5	80388596	80804587
6687	5	80388596	80807409
6688	5	80388596	80835734
6689	5	80388596	80971764

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6690	5	80388596	80972258
6691	5	80388596	80974450
6692	5	80388596	81047638
6693	5	80388596	81082921
6694	5	80388596	81157909
6695	5	80388596	81265937
6696	5	80388596	81265937
6697	5	80388596	81267485
6698	5	80388596	81267499
6699	5	80388596	81274512
6700	5	80388596	81763618
6701	5	80388596	81797217
6702	5	80388596	81800186
6703	5	80388596	81806213
6704	5	80388596	81854583
6705	5	80388596	81859374
6706	5	80388596	81861368
6707	5	80388596	81863686
6708	5	80388596	81916850
6709	5	80388596	81954891
6710	5	80388596	81985250
6711	5	80388596	82083752
6712	5	80388596	82101253
6713	5	80388596	82143124
6714	5	80388596	82236318
6715	5	80388596	82325587
6716	5	80388596	82427210

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6717	5	80388596	82431853
6718	5	80388596	82446714
6719	5	80388596	82446794
6720	5	80388596	82551111
6721	5	80388596	82552090
6722	5	80388596	82555641
6723	5	80388596	82555670
6724	5	80388596	82556511
6725	5	80388596	82559047
6726	5	80388596	82561535
6727	5	80388596	82610100
6728	5	80388596	82676822
6729	5	80388596	82676901
6730	5	80388596	82883691
6731	5	80388596	82954942
6732	5	80388596	82971688
6733	5	80388596	83023965
6734	5	80388596	83094205
6735	5	80388596	83146355
6736	5	80388596	83280630
6737	5	80388596	83281412
6738	5	80388596	83400242
6739	5	80388596	83405797
6740	5	80388596	83437132
6741	5	80388596	83522252
6742	5	80388596	83560095
6743	5	80388596	83560204



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6744	5	80388596	83572400
6745	5	80388596	83607661
6746	5	80388596	83745342
6747	5	80388596	83861275
6748	5	80388596	83861633
6749	5	80388596	83865653
6750	5	80388596	83865914
6751	5	80388596	83865920
6752	5	80388596	83868010
6753	5	80388596	84019752
6754	5	80388596	84065912
6755	5	80388596	84086632
6756	5	80388596	84089603
6757	5	80388596	84104814
6758	5	80388596	84105175
6759	5	80388596	84251635
6760	5	80388596	84252180
6761	5	80388596	84253030
6762	5	80388596	84254208
6763	5	80388596	84314930
6764	5	80388596	84340523
6765	5	80388596	84516340
6766	5	80388596	84706916
6767	5	80388596	84799488
6768	5	80388596	84801081
6769	5	80388596	84824103
6770	5	80388596	84824203

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6771	5	80388596	84824816
6772	5	80388596	84825422
6773	5	80388596	84825763
6774	5	80388596	84825942
6775	5	80388596	84843411
6776	5	80388596	84936441
6777	5	80388596	84936493
6778	5	80388596	84943705
6779	5	80388596	169454950
6780	5	80388596	181522829
6781	5	80388596	204759879
6782	5	80388596	209874191
6783	5	80411337	80411639
6784	5	80411337	80446855
6785	5	80411337	80492790
6786	5	80411337	80670554
6787	5	80411337	80674679
6788	5	80411337	80720509
6789	5	80411337	80800856
6790	5	80411337	80804587
6791	5	80411337	80807409
6792	5	80411337	80835734
6793	5	80411337	80971764
6794	5	80411337	80972258
6795	5	80411337	80974450
6796	5	80411337	81047638
6797	5	80411337	81082921

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6798	5	80411337	81157909
6799	5	80411337	81265937
6800	5	80411337	81265937
6801	5	80411337	81267485
6802	5	80411337	81267499
6803	5	80411337	81274512
6804	5	80411337	81763618
6805	5	80411337	81797217
6806	5	80411337	81800186
6807	5	80411337	81806213
6808	5	80411337	81854583
6809	5	80411337	81859374
6810	5	80411337	81861368
6811	5	80411337	81863686
6812	5	80411337	81916850
6813	5	80411337	81954891
6814	5	80411337	81985250
6815	5	80411337	82083752
6816	5	80411337	82101253
6817	5	80411337	82143124
6818	5	80411337	82236318
6819	5	80411337	82325587
6820	5	80411337	82427210
6821	5	80411337	82431853
6822	5	80411337	82446714
6823	5	80411337	82446794
6824	5	80411337	82551111

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6825	5	80411337	82552090
6826	5	80411337	82555641
6827	5	80411337	82555670
6828	5	80411337	82556511
6829	5	80411337	82559047
6830	5	80411337	82561535
6831	5	80411337	82610100
6832	5	80411337	82676822
6833	5	80411337	82676901
6834	5	80411337	82883691
6835	5	80411337	82954942
6836	5	80411337	82971688
6837	5	80411337	83023965
6838	5	80411337	83094205
6839	5	80411337	83146355
6840	5	80411337	83280630
6841	5	80411337	83281412
6842	5	80411337	83400242
6843	5	80411337	83405797
6844	5	80411337	83437132
6845	5	80411337	83522252
6846	5	80411337	83560095
6847	5	80411337	83560204
6848	5	80411337	83572400
6849	5	80411337	83607661
6850	5	80411337	83745342
6851	5	80411337	83861275

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6852	5	80411337	83861633
6853	5	80411337	83865653
6854	5	80411337	83865914
6855	5	80411337	83865920
6856	5	80411337	83868010
6857	5	80411337	84019752
6858	5	80411337	84065912
6859	5	80411337	84086632
6860	5	80411337	84089603
6861	5	80411337	84104814
6862	5	80411337	84105175
6863	5	80411337	84251635
6864	5	80411337	84252180
6865	5	80411337	84253030
6866	5	80411337	84254208
6867	5	80411337	84314930
6868	5	80411337	84340523
6869	5	80411337	84516340
6870	5	80411337	84706916
6871	5	80411337	84799488
6872	5	80411337	84801081
6873	5	80411337	84824103
6874	5	80411337	84824203
6875	5	80411337	84824816
6876	5	80411337	84825422
6877	5	80411337	84825763
6878	5	80411337	84825942

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6879	5	80411337	84843411
6880	5	80411337	84936441
6881	5	80411337	84936493
6882	5	80411337	84943705
6883	5	80411337	169454950
6884	5	80411337	181522829
6885	5	80411337	204759879
6886	5	80411337	209874191
6887	5	80446281	80446855
6888	5	80446281	80492790
6889	5	80446281	80670554
6890	5	80446281	80674679
6891	5	80446281	80720509
6892	5	80446281	80800856
6893	5	80446281	80804587
6894	5	80446281	80807409
6895	5	80446281	80835734
6896	5	80446281	80971764
6897	5	80446281	80972258
6898	5	80446281	80974450
6899	5	80446281	81047638
6900	5	80446281	81082921
6901	5	80446281	81157909
6902	5	80446281	81265937
6903	5	80446281	81265937
6904	5	80446281	81267485
6905	5	80446281	81267499

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6906	5	80446281	81274512
6907	5	80446281	81763618
6908	5	80446281	81797217
6909	5	80446281	81800186
6910	5	80446281	81806213
6911	5	80446281	81854583
6912	5	80446281	81859374
6913	5	80446281	81861368
6914	5	80446281	81863686
6915	5	80446281	81916850
6916	5	80446281	81954891
6917	5	80446281	81985250
6918	5	80446281	82083752
6919	5	80446281	82101253
6920	5	80446281	82143124
6921	5	80446281	82236318
6922	5	80446281	82325587
6923	5	80446281	82427210
6924	5	80446281	82431853
6925	5	80446281	82446714
6926	5	80446281	82446794
6927	5	80446281	82551111
6928	5	80446281	82552090
6929	5	80446281	82555641
6930	5	80446281	82555670
6931	5	80446281	82556511
6932	5	80446281	82559047

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6933	5	80446281	82561535
6934	5	80446281	82610100
6935	5	80446281	82676822
6936	5	80446281	82676901
6937	5	80446281	82883691
6938	5	80446281	82954942
6939	5	80446281	82971688
6940	5	80446281	83023965
6941	5	80446281	83094205
6942	5	80446281	83146355
6943	5	80446281	83280630
6944	5	80446281	83281412
6945	5	80446281	83400242
6946	5	80446281	83405797
6947	5	80446281	83437132
6948	5	80446281	83522252
6949	5	80446281	83560095
6950	5	80446281	83560204
6951	5	80446281	83572400
6952	5	80446281	83607661
6953	5	80446281	83745342
6954	5	80446281	83861275
6955	5	80446281	83861633
6956	5	80446281	83865653
6957	5	80446281	83865914
6958	5	80446281	83865920
6959	5	80446281	83868010



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6960	5	80446281	84019752
6961	5	80446281	84065912
6962	5	80446281	84086632
6963	5	80446281	84089603
6964	5	80446281	84104814
6965	5	80446281	84105175
6966	5	80446281	84251635
6967	5	80446281	84252180
6968	5	80446281	84253030
6969	5	80446281	84254208
6970	5	80446281	84314930
6971	5	80446281	84340523
6972	5	80446281	84516340
6973	5	80446281	84706916
6974	5	80446281	84799488
6975	5	80446281	84801081
6976	5	80446281	84824103
6977	5	80446281	84824203
6978	5	80446281	84824816
6979	5	80446281	84825422
6980	5	80446281	84825763
6981	5	80446281	84825942
6982	5	80446281	84843411
6983	5	80446281	84936441
6984	5	80446281	84936493
6985	5	80446281	84943705
6986	5	80446281	169454950

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
6987	5	80446281	181522829
6988	5	80446281	204759879
6989	5	80446281	209874191
6990	5	80491807	80492790
6991	5	80491807	80670554
6992	5	80491807	80674679
6993	5	80491807	80720509
6994	5	80491807	80800856
6995	5	80491807	80804587
6996	5	80491807	80807409
6997	5	80491807	80835734
6998	5	80491807	80971764
6999	5	80491807	80972258
7000	5	80491807	80974450
7001	5	80491807	81047638
7002	5	80491807	81082921
7003	5	80491807	81157909
7004	5	80491807	81265937
7005	5	80491807	81265937
7006	5	80491807	81267485
7007	5	80491807	81267499
7008	5	80491807	81274512
7009	5	80491807	81763618
7010	5	80491807	81797217
7011	5	80491807	81800186
7012	5	80491807	81806213
7013	5	80491807	81854583

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7014	5	80491807	81859374
7015	5	80491807	81861368
7016	5	80491807	81863686
7017	5	80491807	81916850
7018	5	80491807	81954891
7019	5	80491807	81985250
7020	5	80491807	82083752
7021	5	80491807	82101253
7022	5	80491807	82143124
7023	5	80491807	82236318
7024	5	80491807	82325587
7025	5	80491807	82427210
7026	5	80491807	82431853
7027	5	80491807	82446714
7028	5	80491807	82446794
7029	5	80491807	82551111
7030	5	80491807	82552090
7031	5	80491807	82555641
7032	5	80491807	82555670
7033	5	80491807	82556511
7034	5	80491807	82559047
7035	5	80491807	82561535
7036	5	80491807	82610100
7037	5	80491807	82676822
7038	5	80491807	82676901
7039	5	80491807	82883691
7040	5	80491807	82954942

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7041	5	80491807	82971688
7042	5	80491807	83023965
7043	5	80491807	83094205
7044	5	80491807	83146355
7045	5	80491807	83280630
7046	5	80491807	83281412
7047	5	80491807	83400242
7048	5	80491807	83405797
7049	5	80491807	83437132
7050	5	80491807	83522252
7051	5	80491807	83560095
7052	5	80491807	83560204
7053	5	80491807	83572400
7054	5	80491807	83607661
7055	5	80491807	83745342
7056	5	80491807	83861275
7057	5	80491807	83861633
7058	5	80491807	83865653
7059	5	80491807	83865914
7060	5	80491807	83865920
7061	5	80491807	83868010
7062	5	80491807	84019752
7063	5	80491807	84065912
7064	5	80491807	84086632
7065	5	80491807	84089603
7066	5	80491807	84104814
7067	5	80491807	84105175

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7068	5	80491807	84251635
7069	5	80491807	84252180
7070	5	80491807	84253030
7071	5	80491807	84254208
7072	5	80491807	84314930
7073	5	80491807	84340523
7074	5	80491807	84516340
7075	5	80491807	84706916
7076	5	80491807	84799488
7077	5	80491807	84801081
7078	5	80491807	84824103
7079	5	80491807	84824203
7080	5	80491807	84824816
7081	5	80491807	84825422
7082	5	80491807	84825763
7083	5	80491807	84825942
7084	5	80491807	84843411
7085	5	80491807	84936441
7086	5	80491807	84936493
7087	5	80491807	84943705
7088	5	80491807	169454950
7089	5	80491807	181522829
7090	5	80491807	204759879
7091	5	80491807	209874191
7092	5	80669160	80670554
7093	5	80669160	80674679
7094	5	80669160	80720509

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7095	5	80669160	80800856
7096	5	80669160	80804587
7097	5	80669160	80807409
7098	5	80669160	80835734
7099	5	80669160	80971764
7100	5	80669160	80972258
7101	5	80669160	80974450
7102	5	80669160	81047638
7103	5	80669160	81082921
7104	5	80669160	81157909
7105	5	80669160	81265937
7106	5	80669160	81265937
7107	5	80669160	81267485
7108	5	80669160	81267499
7109	5	80669160	81274512
7110	5	80669160	81763618
7111	5	80669160	81797217
7112	5	80669160	81800186
7113	5	80669160	81806213
7114	5	80669160	81854583
7115	5	80669160	81859374
7116	5	80669160	81861368
7117	5	80669160	81863686
7118	5	80669160	81916850
7119	5	80669160	81954891
7120	5	80669160	81985250
7121	5	80669160	82083752

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7122	5	80669160	82101253
7123	5	80669160	82143124
7124	5	80669160	82236318
7125	5	80669160	82325587
7126	5	80669160	82427210
7127	5	80669160	82431853
7128	5	80669160	82446714
7129	5	80669160	82446794
7130	5	80669160	82551111
7131	5	80669160	82552090
7132	5	80669160	82555641
7133	5	80669160	82555670
7134	5	80669160	82556511
7135	5	80669160	82559047
7136	5	80669160	82561535
7137	5	80669160	82610100
7138	5	80669160	82676822
7139	5	80669160	82676901
7140	5	80669160	82883691
7141	5	80669160	82954942
7142	5	80669160	82971688
7143	5	80669160	83023965
7144	5	80669160	83094205
7145	5	80669160	83146355
7146	5	80669160	83280630
7147	5	80669160	83281412
7148	5	80669160	83400242

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7149	5	80669160	83405797
7150	5	80669160	83437132
7151	5	80669160	83522252
7152	5	80669160	83560095
7153	5	80669160	83560204
7154	5	80669160	83572400
7155	5	80669160	83607661
7156	5	80669160	83745342
7157	5	80669160	83861275
7158	5	80669160	83861633
7159	5	80669160	83865653
7160	5	80669160	83865914
7161	5	80669160	83865920
7162	5	80669160	83868010
7163	5	80669160	84019752
7164	5	80669160	84065912
7165	5	80669160	84086632
7166	5	80669160	84089603
7167	5	80669160	84104814
7168	5	80669160	84105175
7169	5	80669160	84251635
7170	5	80669160	84252180
7171	5	80669160	84253030
7172	5	80669160	84254208
7173	5	80669160	84314930
7174	5	80669160	84340523
7175	5	80669160	84516340



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7176	5	80669160	84706916
7177	5	80669160	84799488
7178	5	80669160	84801081
7179	5	80669160	84824103
7180	5	80669160	84824203
7181	5	80669160	84824816
7182	5	80669160	84825422
7183	5	80669160	84825763
7184	5	80669160	84825942
7185	5	80669160	84843411
7186	5	80669160	84936441
7187	5	80669160	84936493
7188	5	80669160	84943705
7189	5	80669160	169454950
7190	5	80669160	181522829
7191	5	80669160	204759879
7192	5	80669160	209874191
7193	5	80715081	80720509
7194	5	80715081	80800856
7195	5	80715081	80804587
7196	5	80715081	80807409
7197	5	80715081	80835734
7198	5	80715081	80971764
7199	5	80715081	80972258
7200	5	80715081	80974450
7201	5	80715081	81047638
7202	5	80715081	81082921

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7203	5	80715081	81157909
7204	5	80715081	81265937
7205	5	80715081	81265937
7206	5	80715081	81267485
7207	5	80715081	81267499
7208	5	80715081	81274512
7209	5	80715081	81763618
7210	5	80715081	81797217
7211	5	80715081	81800186
7212	5	80715081	81806213
7213	5	80715081	81854583
7214	5	80715081	81859374
7215	5	80715081	81861368
7216	5	80715081	81863686
7217	5	80715081	81916850
7218	5	80715081	81954891
7219	5	80715081	81985250
7220	5	80715081	82083752
7221	5	80715081	82101253
7222	5	80715081	82143124
7223	5	80715081	82236318
7224	5	80715081	82325587
7225	5	80715081	82427210
7226	5	80715081	82431853
7227	5	80715081	82446714
7228	5	80715081	82446794
7229	5	80715081	82551111

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7230	5	80715081	82552090
7231	5	80715081	82555641
7232	5	80715081	82555670
7233	5	80715081	82556511
7234	5	80715081	82559047
7235	5	80715081	82561535
7236	5	80715081	82610100
7237	5	80715081	82676822
7238	5	80715081	82676901
7239	5	80715081	82883691
7240	5	80715081	82954942
7241	5	80715081	82971688
7242	5	80715081	83023965
7243	5	80715081	83094205
7244	5	80715081	83146355
7245	5	80715081	83280630
7246	5	80715081	83281412
7247	5	80715081	83400242
7248	5	80715081	83405797
7249	5	80715081	83437132
7250	5	80715081	83522252
7251	5	80715081	83560095
7252	5	80715081	83560204
7253	5	80715081	83572400
7254	5	80715081	83607661
7255	5	80715081	83745342
7256	5	80715081	83861275

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7257	5	80715081	83861633
7258	5	80715081	83865653
7259	5	80715081	83865914
7260	5	80715081	83865920
7261	5	80715081	83868010
7262	5	80715081	84019752
7263	5	80715081	84065912
7264	5	80715081	84086632
7265	5	80715081	84089603
7266	5	80715081	84104814
7267	5	80715081	84105175
7268	5	80715081	84251635
7269	5	80715081	84252180
7270	5	80715081	84253030
7271	5	80715081	84254208
7272	5	80715081	84314930
7273	5	80715081	84340523
7274	5	80715081	84516340
7275	5	80715081	84706916
7276	5	80715081	84799488
7277	5	80715081	84801081
7278	5	80715081	84824103
7279	5	80715081	84824203
7280	5	80715081	84824816
7281	5	80715081	84825422
7282	5	80715081	84825763
7283	5	80715081	84825942

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7284	5	80715081	84843411
7285	5	80715081	84936441
7286	5	80715081	84936493
7287	5	80715081	84943705
7288	5	80715081	169454950
7289	5	80715081	181522829
7290	5	80715081	204759879
7291	5	80715081	209874191
7292	5	80795990	80800856
7293	5	80795990	80804587
7294	5	80795990	80807409
7295	5	80795990	80835734
7296	5	80795990	80971764
7297	5	80795990	80972258
7298	5	80795990	80974450
7299	5	80795990	81047638
7300	5	80795990	81082921
7301	5	80795990	81157909
7302	5	80795990	81265937
7303	5	80795990	81265937
7304	5	80795990	81267485
7305	5	80795990	81267499
7306	5	80795990	81274512
7307	5	80795990	81763618
7308	5	80795990	81797217
7309	5	80795990	81800186
7310	5	80795990	81806213

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7311	5	80795990	81854583
7312	5	80795990	81859374
7313	5	80795990	81861368
7314	5	80795990	81863686
7315	5	80795990	81916850
7316	5	80795990	81954891
7317	5	80795990	81985250
7318	5	80795990	82083752
7319	5	80795990	82101253
7320	5	80795990	82143124
7321	5	80795990	82236318
7322	5	80795990	82325587
7323	5	80795990	82427210
7324	5	80795990	82431853
7325	5	80795990	82446714
7326	5	80795990	82446794
7327	5	80795990	82551111
7328	5	80795990	82552090
7329	5	80795990	82555641
7330	5	80795990	82555670
7331	5	80795990	82556511
7332	5	80795990	82559047
7333	5	80795990	82561535
7334	5	80795990	82610100
7335	5	80795990	82676822
7336	5	80795990	82676901
7337	5	80795990	82883691

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7338	5	80795990	82954942
7339	5	80795990	82971688
7340	5	80795990	83023965
7341	5	80795990	83094205
7342	5	80795990	83146355
7343	5	80795990	83280630
7344	5	80795990	83281412
7345	5	80795990	83400242
7346	5	80795990	83405797
7347	5	80795990	83437132
7348	5	80795990	83522252
7349	5	80795990	83560095
7350	5	80795990	83560204
7351	5	80795990	83572400
7352	5	80795990	83607661
7353	5	80795990	83745342
7354	5	80795990	83861275
7355	5	80795990	83861633
7356	5	80795990	83865653
7357	5	80795990	83865914
7358	5	80795990	83865920
7359	5	80795990	83868010
7360	5	80795990	84019752
7361	5	80795990	84065912
7362	5	80795990	84086632
7363	5	80795990	84089603
7364	5	80795990	84104814

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7365	5	80795990	84105175
7366	5	80795990	84251635
7367	5	80795990	84252180
7368	5	80795990	84253030
7369	5	80795990	84254208
7370	5	80795990	84314930
7371	5	80795990	84340523
7372	5	80795990	84516340
7373	5	80795990	84706916
7374	5	80795990	84799488
7375	5	80795990	84801081
7376	5	80795990	84824103
7377	5	80795990	84824203
7378	5	80795990	84824816
7379	5	80795990	84825422
7380	5	80795990	84825763
7381	5	80795990	84825942
7382	5	80795990	84843411
7383	5	80795990	84936441
7384	5	80795990	84936493
7385	5	80795990	84943705
7386	5	80795990	169454950
7387	5	80795990	181522829
7388	5	80795990	204759879
7389	5	80795990	209874191
7390	5	80803727	80804587
7391	5	80803727	80807409



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7392	5	80803727	80835734
7393	5	80803727	80971764
7394	5	80803727	80972258
7395	5	80803727	80974450
7396	5	80803727	81047638
7397	5	80803727	81082921
7398	5	80803727	81157909
7399	5	80803727	81265937
7400	5	80803727	81265937
7401	5	80803727	81267485
7402	5	80803727	81267499
7403	5	80803727	81274512
7404	5	80803727	81763618
7405	5	80803727	81797217
7406	5	80803727	81800186
7407	5	80803727	81806213
7408	5	80803727	81854583
7409	5	80803727	81859374
7410	5	80803727	81861368
7411	5	80803727	81863686
7412	5	80803727	81916850
7413	5	80803727	81954891
7414	5	80803727	81985250
7415	5	80803727	82083752
7416	5	80803727	82101253
7417	5	80803727	82143124
7418	5	80803727	82236318

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7419	5	80803727	82325587
7420	5	80803727	82427210
7421	5	80803727	82431853
7422	5	80803727	82446714
7423	5	80803727	82446794
7424	5	80803727	82551111
7425	5	80803727	82552090
7426	5	80803727	82555641
7427	5	80803727	82555670
7428	5	80803727	82556511
7429	5	80803727	82559047
7430	5	80803727	82561535
7431	5	80803727	82610100
7432	5	80803727	82676822
7433	5	80803727	82676901
7434	5	80803727	82883691
7435	5	80803727	82954942
7436	5	80803727	82971688
7437	5	80803727	83023965
7438	5	80803727	83094205
7439	5	80803727	83146355
7440	5	80803727	83280630
7441	5	80803727	83281412
7442	5	80803727	83400242
7443	5	80803727	83405797
7444	5	80803727	83437132
7445	5	80803727	83522252

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7446	5	80803727	83560095
7447	5	80803727	83560204
7448	5	80803727	83572400
7449	5	80803727	83607661
7450	5	80803727	83745342
7451	5	80803727	83861275
7452	5	80803727	83861633
7453	5	80803727	83865653
7454	5	80803727	83865914
7455	5	80803727	83865920
7456	5	80803727	83868010
7457	5	80803727	84019752
7458	5	80803727	84065912
7459	5	80803727	84086632
7460	5	80803727	84089603
7461	5	80803727	84104814
7462	5	80803727	84105175
7463	5	80803727	84251635
7464	5	80803727	84252180
7465	5	80803727	84253030
7466	5	80803727	84254208
7467	5	80803727	84314930
7468	5	80803727	84340523
7469	5	80803727	84516340
7470	5	80803727	84706916
7471	5	80803727	84799488
7472	5	80803727	84801081

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7473	5	80803727	84824103
7474	5	80803727	84824203
7475	5	80803727	84824816
7476	5	80803727	84825422
7477	5	80803727	84825763
7478	5	80803727	84825942
7479	5	80803727	84843411
7480	5	80803727	84936441
7481	5	80803727	84936493
7482	5	80803727	84943705
7483	5	80803727	169454950
7484	5	80803727	181522829
7485	5	80803727	204759879
7486	5	80803727	209874191
7487	5	80804587	80835734
7488	5	80804587	80971764
7489	5	80804587	80972258
7490	5	80804587	80974450
7491	5	80804587	81047638
7492	5	80804587	81082921
7493	5	80804587	81157909
7494	5	80804587	81265937
7495	5	80804587	81265937
7496	5	80804587	81267485
7497	5	80804587	81267499
7498	5	80804587	81274512
7499	5	80804587	81763618

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7500	5	80804587	81797217
7501	5	80804587	81800186
7502	5	80804587	81806213
7503	5	80804587	81854583
7504	5	80804587	81859374
7505	5	80804587	81861368
7506	5	80804587	81863686
7507	5	80804587	81916850
7508	5	80804587	81954891
7509	5	80804587	81985250
7510	5	80804587	82083752
7511	5	80804587	82101253
7512	5	80804587	82143124
7513	5	80804587	82236318
7514	5	80804587	82325587
7515	5	80804587	82427210
7516	5	80804587	82431853
7517	5	80804587	82446714
7518	5	80804587	82446794
7519	5	80804587	82551111
7520	5	80804587	82552090
7521	5	80804587	82555641
7522	5	80804587	82555670
7523	5	80804587	82556511
7524	5	80804587	82559047
7525	5	80804587	82561535
7526	5	80804587	82610100

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7527	5	80804587	82676822
7528	5	80804587	82676901
7529	5	80804587	82883691
7530	5	80804587	82954942
7531	5	80804587	82971688
7532	5	80804587	83023965
7533	5	80804587	83094205
7534	5	80804587	83146355
7535	5	80804587	83280630
7536	5	80804587	83281412
7537	5	80804587	83400242
7538	5	80804587	83405797
7539	5	80804587	83437132
7540	5	80804587	83522252
7541	5	80804587	83560095
7542	5	80804587	83560204
7543	5	80804587	83572400
7544	5	80804587	83607661
7545	5	80804587	83745342
7546	5	80804587	83861275
7547	5	80804587	83861633
7548	5	80804587	83865653
7549	5	80804587	83865914
7550	5	80804587	83865920
7551	5	80804587	83868010
7552	5	80804587	84019752
7553	5	80804587	84065912

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7554	5	80804587	84086632
7555	5	80804587	84089603
7556	5	80804587	84104814
7557	5	80804587	84105175
7558	5	80804587	84251635
7559	5	80804587	84252180
7560	5	80804587	84253030
7561	5	80804587	84254208
7562	5	80804587	84314930
7563	5	80804587	84340523
7564	5	80804587	84516340
7565	5	80804587	84706916
7566	5	80804587	84799488
7567	5	80804587	84801081
7568	5	80804587	84824103
7569	5	80804587	84824203
7570	5	80804587	84824816
7571	5	80804587	84825422
7572	5	80804587	84825763
7573	5	80804587	84825942
7574	5	80804587	84843411
7575	5	80804587	84936441
7576	5	80804587	84936493
7577	5	80804587	84943705
7578	5	80804587	169454950
7579	5	80804587	181522829
7580	5	80804587	204759879

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7581	5	80804587	209874191
7582	5	80828457	80835734
7583	5	80828457	80971764
7584	5	80828457	80972258
7585	5	80828457	80974450
7586	5	80828457	81047638
7587	5	80828457	81082921
7588	5	80828457	81157909
7589	5	80828457	81265937
7590	5	80828457	81265937
7591	5	80828457	81267485
7592	5	80828457	81267499
7593	5	80828457	81274512
7594	5	80828457	81763618
7595	5	80828457	81797217
7596	5	80828457	81800186
7597	5	80828457	81806213
7598	5	80828457	81854583
7599	5	80828457	81859374
7600	5	80828457	81861368
7601	5	80828457	81863686
7602	5	80828457	81916850
7603	5	80828457	81954891
7604	5	80828457	81985250
7605	5	80828457	82083752
7606	5	80828457	82101253
7607	5	80828457	82143124



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7608	5	80828457	82236318
7609	5	80828457	82325587
7610	5	80828457	82427210
7611	5	80828457	82431853
7612	5	80828457	82446714
7613	5	80828457	82446794
7614	5	80828457	82551111
7615	5	80828457	82552090
7616	5	80828457	82555641
7617	5	80828457	82555670
7618	5	80828457	82556511
7619	5	80828457	82559047
7620	5	80828457	82561535
7621	5	80828457	82610100
7622	5	80828457	82676822
7623	5	80828457	82676901
7624	5	80828457	82883691
7625	5	80828457	82954942
7626	5	80828457	82971688
7627	5	80828457	83023965
7628	5	80828457	83094205
7629	5	80828457	83146355
7630	5	80828457	83280630
7631	5	80828457	83281412
7632	5	80828457	83400242
7633	5	80828457	83405797
7634	5	80828457	83437132

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7635	5	80828457	83522252
7636	5	80828457	83560095
7637	5	80828457	83560204
7638	5	80828457	83572400
7639	5	80828457	83607661
7640	5	80828457	83745342
7641	5	80828457	83861275
7642	5	80828457	83861633
7643	5	80828457	83865653
7644	5	80828457	83865914
7645	5	80828457	83865920
7646	5	80828457	83868010
7647	5	80828457	84019752
7648	5	80828457	84065912
7649	5	80828457	84086632
7650	5	80828457	84089603
7651	5	80828457	84104814
7652	5	80828457	84105175
7653	5	80828457	84251635
7654	5	80828457	84252180
7655	5	80828457	84253030
7656	5	80828457	84254208
7657	5	80828457	84314930
7658	5	80828457	84340523
7659	5	80828457	84516340
7660	5	80828457	84706916
7661	5	80828457	84799488

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7662	5	80828457	84801081
7663	5	80828457	84824103
7664	5	80828457	84824203
7665	5	80828457	84824816
7666	5	80828457	84825422
7667	5	80828457	84825763
7668	5	80828457	84825942
7669	5	80828457	84843411
7670	5	80828457	84936441
7671	5	80828457	84936493
7672	5	80828457	84943705
7673	5	80828457	169454950
7674	5	80828457	181522829
7675	5	80828457	204759879
7676	5	80828457	209874191
7677	5	80828945	80835734
7678	5	80828945	80971764
7679	5	80828945	80972258
7680	5	80828945	80974450
7681	5	80828945	81047638
7682	5	80828945	81082921
7683	5	80828945	81157909
7684	5	80828945	81265937
7685	5	80828945	81265937
7686	5	80828945	81267485
7687	5	80828945	81267499
7688	5	80828945	81274512

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7689	5	80828945	81763618
7690	5	80828945	81797217
7691	5	80828945	81800186
7692	5	80828945	81806213
7693	5	80828945	81854583
7694	5	80828945	81859374
7695	5	80828945	81861368
7696	5	80828945	81863686
7697	5	80828945	81916850
7698	5	80828945	81954891
7699	5	80828945	81985250
7700	5	80828945	82083752
7701	5	80828945	82101253
7702	5	80828945	82143124
7703	5	80828945	82236318
7704	5	80828945	82325587
7705	5	80828945	82427210
7706	5	80828945	82431853
7707	5	80828945	82446714
7708	5	80828945	82446794
7709	5	80828945	82551111
7710	5	80828945	82552090
7711	5	80828945	82555641
7712	5	80828945	82555670
7713	5	80828945	82556511
7714	5	80828945	82559047
7715	5	80828945	82561535

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7716	5	80828945	82610100
7717	5	80828945	82676822
7718	5	80828945	82676901
7719	5	80828945	82883691
7720	5	80828945	82954942
7721	5	80828945	82971688
7722	5	80828945	83023965
7723	5	80828945	83094205
7724	5	80828945	83146355
7725	5	80828945	83280630
7726	5	80828945	83281412
7727	5	80828945	83400242
7728	5	80828945	83405797
7729	5	80828945	83437132
7730	5	80828945	83522252
7731	5	80828945	83560095
7732	5	80828945	83560204
7733	5	80828945	83572400
7734	5	80828945	83607661
7735	5	80828945	83745342
7736	5	80828945	83861275
7737	5	80828945	83861633
7738	5	80828945	83865653
7739	5	80828945	83865914
7740	5	80828945	83865920
7741	5	80828945	83868010
7742	5	80828945	84019752

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7743	5	80828945	84065912
7744	5	80828945	84086632
7745	5	80828945	84089603
7746	5	80828945	84104814
7747	5	80828945	84105175
7748	5	80828945	84251635
7749	5	80828945	84252180
7750	5	80828945	84253030
7751	5	80828945	84254208
7752	5	80828945	84314930
7753	5	80828945	84340523
7754	5	80828945	84516340
7755	5	80828945	84706916
7756	5	80828945	84799488
7757	5	80828945	84801081
7758	5	80828945	84824103
7759	5	80828945	84824203
7760	5	80828945	84824816
7761	5	80828945	84825422
7762	5	80828945	84825763
7763	5	80828945	84825942
7764	5	80828945	84843411
7765	5	80828945	84936441
7766	5	80828945	84936493
7767	5	80828945	84943705
7768	5	80828945	169454950
7769	5	80828945	181522829

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7770	5	80828945	204759879
7771	5	80828945	209874191
7772	5	80969412	80971764
7773	5	80969412	80972258
7774	5	80969412	80974450
7775	5	80969412	81047638
7776	5	80969412	81082921
7777	5	80969412	81157909
7778	5	80969412	81265937
7779	5	80969412	81265937
7780	5	80969412	81267485
7781	5	80969412	81267499
7782	5	80969412	81274512
7783	5	80969412	81763618
7784	5	80969412	81797217
7785	5	80969412	81800186
7786	5	80969412	81806213
7787	5	80969412	81854583
7788	5	80969412	81859374
7789	5	80969412	81861368
7790	5	80969412	81863686
7791	5	80969412	81916850
7792	5	80969412	81954891
7793	5	80969412	81985250
7794	5	80969412	82083752
7795	5	80969412	82101253
7796	5	80969412	82143124

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7797	5	80969412	82236318
7798	5	80969412	82325587
7799	5	80969412	82427210
7800	5	80969412	82431853
7801	5	80969412	82446714
7802	5	80969412	82446794
7803	5	80969412	82551111
7804	5	80969412	82552090
7805	5	80969412	82555641
7806	5	80969412	82555670
7807	5	80969412	82556511
7808	5	80969412	82559047
7809	5	80969412	82561535
7810	5	80969412	82610100
7811	5	80969412	82676822
7812	5	80969412	82676901
7813	5	80969412	82883691
7814	5	80969412	82954942
7815	5	80969412	82971688
7816	5	80969412	83023965
7817	5	80969412	83094205
7818	5	80969412	83146355
7819	5	80969412	83280630
7820	5	80969412	83281412
7821	5	80969412	83400242
7822	5	80969412	83405797
7823	5	80969412	83437132



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7824	5	80969412	83522252
7825	5	80969412	83560095
7826	5	80969412	83560204
7827	5	80969412	83572400
7828	5	80969412	83607661
7829	5	80969412	83745342
7830	5	80969412	83861275
7831	5	80969412	83861633
7832	5	80969412	83865653
7833	5	80969412	83865914
7834	5	80969412	83865920
7835	5	80969412	83868010
7836	5	80969412	84019752
7837	5	80969412	84065912
7838	5	80969412	84086632
7839	5	80969412	84089603
7840	5	80969412	84104814
7841	5	80969412	84105175
7842	5	80969412	84251635
7843	5	80969412	84252180
7844	5	80969412	84253030
7845	5	80969412	84254208
7846	5	80969412	84314930
7847	5	80969412	84340523
7848	5	80969412	84516340
7849	5	80969412	84706916
7850	5	80969412	84799488

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7851	5	80969412	84801081
7852	5	80969412	84824103
7853	5	80969412	84824203
7854	5	80969412	84824816
7855	5	80969412	84825422
7856	5	80969412	84825763
7857	5	80969412	84825942
7858	5	80969412	84843411
7859	5	80969412	84936441
7860	5	80969412	84936493
7861	5	80969412	84943705
7862	5	80969412	169454950
7863	5	80969412	181522829
7864	5	80969412	204759879
7865	5	80969412	209874191
7866	5	80970381	80974450
7867	5	80970381	81047638
7868	5	80970381	81082921
7869	5	80970381	81157909
7870	5	80970381	81265937
7871	5	80970381	81265937
7872	5	80970381	81267485
7873	5	80970381	81267499
7874	5	80970381	81274512
7875	5	80970381	81763618
7876	5	80970381	81797217
7877	5	80970381	81800186

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7878	5	80970381	81806213
7879	5	80970381	81854583
7880	5	80970381	81859374
7881	5	80970381	81861368
7882	5	80970381	81863686
7883	5	80970381	81916850
7884	5	80970381	81954891
7885	5	80970381	81985250
7886	5	80970381	82083752
7887	5	80970381	82101253
7888	5	80970381	82143124
7889	5	80970381	82236318
7890	5	80970381	82325587
7891	5	80970381	82427210
7892	5	80970381	82431853
7893	5	80970381	82446714
7894	5	80970381	82446794
7895	5	80970381	82551111
7896	5	80970381	82552090
7897	5	80970381	82555641
7898	5	80970381	82555670
7899	5	80970381	82556511
7900	5	80970381	82559047
7901	5	80970381	82561535
7902	5	80970381	82610100
7903	5	80970381	82676822
7904	5	80970381	82676901

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7905	5	80970381	82883691
7906	5	80970381	82954942
7907	5	80970381	82971688
7908	5	80970381	83023965
7909	5	80970381	83094205
7910	5	80970381	83146355
7911	5	80970381	83280630
7912	5	80970381	83281412
7913	5	80970381	83400242
7914	5	80970381	83405797
7915	5	80970381	83437132
7916	5	80970381	83522252
7917	5	80970381	83560095
7918	5	80970381	83560204
7919	5	80970381	83572400
7920	5	80970381	83607661
7921	5	80970381	83745342
7922	5	80970381	83861275
7923	5	80970381	83861633
7924	5	80970381	83865653
7925	5	80970381	83865914
7926	5	80970381	83865920
7927	5	80970381	83868010
7928	5	80970381	84019752
7929	5	80970381	84065912
7930	5	80970381	84086632
7931	5	80970381	84089603

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7932	5	80970381	84104814
7933	5	80970381	84105175
7934	5	80970381	84251635
7935	5	80970381	84252180
7936	5	80970381	84253030
7937	5	80970381	84254208
7938	5	80970381	84314930
7939	5	80970381	84340523
7940	5	80970381	84516340
7941	5	80970381	84706916
7942	5	80970381	84799488
7943	5	80970381	84801081
7944	5	80970381	84824103
7945	5	80970381	84824203
7946	5	80970381	84824816
7947	5	80970381	84825422
7948	5	80970381	84825763
7949	5	80970381	84825942
7950	5	80970381	84843411
7951	5	80970381	84936441
7952	5	80970381	84936493
7953	5	80970381	84943705
7954	5	80970381	169454950
7955	5	80970381	181522829
7956	5	80970381	204759879
7957	5	80970381	209874191
7958	5	80971764	81047638

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7959	5	80971764	81082921
7960	5	80971764	81157909
7961	5	80971764	81265937
7962	5	80971764	81265937
7963	5	80971764	81267485
7964	5	80971764	81267499
7965	5	80971764	81274512
7966	5	80971764	81763618
7967	5	80971764	81797217
7968	5	80971764	81800186
7969	5	80971764	81806213
7970	5	80971764	81854583
7971	5	80971764	81859374
7972	5	80971764	81861368
7973	5	80971764	81863686
7974	5	80971764	81916850
7975	5	80971764	81954891
7976	5	80971764	81985250
7977	5	80971764	82083752
7978	5	80971764	82101253
7979	5	80971764	82143124
7980	5	80971764	82236318
7981	5	80971764	82325587
7982	5	80971764	82427210
7983	5	80971764	82431853
7984	5	80971764	82446714
7985	5	80971764	82446794

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
7986	5	80971764	82551111
7987	5	80971764	82552090
7988	5	80971764	82555641
7989	5	80971764	82555670
7990	5	80971764	82556511
7991	5	80971764	82559047
7992	5	80971764	82561535
7993	5	80971764	82610100
7994	5	80971764	82676822
7995	5	80971764	82676901
7996	5	80971764	82883691
7997	5	80971764	82954942
7998	5	80971764	82971688
7999	5	80971764	83023965
8000	5	80971764	83094205
8001	5	80971764	83146355
8002	5	80971764	83280630
8003	5	80971764	83281412
8004	5	80971764	83400242
8005	5	80971764	83405797
8006	5	80971764	83437132
8007	5	80971764	83522252
8008	5	80971764	83560095
8009	5	80971764	83560204
8010	5	80971764	83572400
8011	5	80971764	83607661
8012	5	80971764	83745342

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8013	5	80971764	83861275
8014	5	80971764	83861633
8015	5	80971764	83865653
8016	5	80971764	83865914
8017	5	80971764	83865920
8018	5	80971764	83868010
8019	5	80971764	84019752
8020	5	80971764	84065912
8021	5	80971764	84086632
8022	5	80971764	84089603
8023	5	80971764	84104814
8024	5	80971764	84105175
8025	5	80971764	84251635
8026	5	80971764	84252180
8027	5	80971764	84253030
8028	5	80971764	84254208
8029	5	80971764	84314930
8030	5	80971764	84340523
8031	5	80971764	84516340
8032	5	80971764	84706916
8033	5	80971764	84799488
8034	5	80971764	84801081
8035	5	80971764	84824103
8036	5	80971764	84824203
8037	5	80971764	84824816
8038	5	80971764	84825422
8039	5	80971764	84825763



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8040	5	80971764	84825942
8041	5	80971764	84843411
8042	5	80971764	84936441
8043	5	80971764	84936493
8044	5	80971764	84943705
8045	5	80971764	169454950
8046	5	80971764	181522829
8047	5	80971764	204759879
8048	5	80971764	209874191
8049	5	81031951	81047638
8050	5	81031951	81082921
8051	5	81031951	81157909
8052	5	81031951	81265937
8053	5	81031951	81265937
8054	5	81031951	81267485
8055	5	81031951	81267499
8056	5	81031951	81274512
8057	5	81031951	81763618
8058	5	81031951	81797217
8059	5	81031951	81800186
8060	5	81031951	81806213
8061	5	81031951	81854583
8062	5	81031951	81859374
8063	5	81031951	81861368
8064	5	81031951	81863686
8065	5	81031951	81916850
8066	5	81031951	81954891

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8067	5	81031951	81985250
8068	5	81031951	82083752
8069	5	81031951	82101253
8070	5	81031951	82143124
8071	5	81031951	82236318
8072	5	81031951	82325587
8073	5	81031951	82427210
8074	5	81031951	82431853
8075	5	81031951	82446714
8076	5	81031951	82446794
8077	5	81031951	82551111
8078	5	81031951	82552090
8079	5	81031951	82555641
8080	5	81031951	82555670
8081	5	81031951	82556511
8082	5	81031951	82559047
8083	5	81031951	82561535
8084	5	81031951	82610100
8085	5	81031951	82676822
8086	5	81031951	82676901
8087	5	81031951	82883691
8088	5	81031951	82954942
8089	5	81031951	82971688
8090	5	81031951	83023965
8091	5	81031951	83094205
8092	5	81031951	83146355
8093	5	81031951	83280630

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8094	5	81031951	83281412
8095	5	81031951	83400242
8096	5	81031951	83405797
8097	5	81031951	83437132
8098	5	81031951	83522252
8099	5	81031951	83560095
8100	5	81031951	83560204
8101	5	81031951	83572400
8102	5	81031951	83607661
8103	5	81031951	83745342
8104	5	81031951	83861275
8105	5	81031951	83861633
8106	5	81031951	83865653
8107	5	81031951	83865914
8108	5	81031951	83865920
8109	5	81031951	83868010
8110	5	81031951	84019752
8111	5	81031951	84065912
8112	5	81031951	84086632
8113	5	81031951	84089603
8114	5	81031951	84104814
8115	5	81031951	84105175
8116	5	81031951	84251635
8117	5	81031951	84252180
8118	5	81031951	84253030
8119	5	81031951	84254208
8120	5	81031951	84314930

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8121	5	81031951	84340523
8122	5	81031951	84516340
8123	5	81031951	84706916
8124	5	81031951	84799488
8125	5	81031951	84801081
8126	5	81031951	84824103
8127	5	81031951	84824203
8128	5	81031951	84824816
8129	5	81031951	84825422
8130	5	81031951	84825763
8131	5	81031951	84825942
8132	5	81031951	84843411
8133	5	81031951	84936441
8134	5	81031951	84936493
8135	5	81031951	84943705
8136	5	81031951	169454950
8137	5	81031951	181522829
8138	5	81031951	204759879
8139	5	81031951	209874191
8140	5	81076870	81082921
8141	5	81076870	81157909
8142	5	81076870	81265937
8143	5	81076870	81265937
8144	5	81076870	81267485
8145	5	81076870	81267499
8146	5	81076870	81274512
8147	5	81076870	81763618

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8148	5	81076870	81797217
8149	5	81076870	81800186
8150	5	81076870	81806213
8151	5	81076870	81854583
8152	5	81076870	81859374
8153	5	81076870	81861368
8154	5	81076870	81863686
8155	5	81076870	81916850
8156	5	81076870	81954891
8157	5	81076870	81985250
8158	5	81076870	82083752
8159	5	81076870	82101253
8160	5	81076870	82143124
8161	5	81076870	82236318
8162	5	81076870	82325587
8163	5	81076870	82427210
8164	5	81076870	82431853
8165	5	81076870	82446714
8166	5	81076870	82446794
8167	5	81076870	82551111
8168	5	81076870	82552090
8169	5	81076870	82555641
8170	5	81076870	82555670
8171	5	81076870	82556511
8172	5	81076870	82559047
8173	5	81076870	82561535
8174	5	81076870	82610100

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8175	5	81076870	82676822
8176	5	81076870	82676901
8177	5	81076870	82883691
8178	5	81076870	82954942
8179	5	81076870	82971688
8180	5	81076870	83023965
8181	5	81076870	83094205
8182	5	81076870	83146355
8183	5	81076870	83280630
8184	5	81076870	83281412
8185	5	81076870	83400242
8186	5	81076870	83405797
8187	5	81076870	83437132
8188	5	81076870	83522252
8189	5	81076870	83560095
8190	5	81076870	83560204
8191	5	81076870	83572400
8192	5	81076870	83607661
8193	5	81076870	83745342
8194	5	81076870	83861275
8195	5	81076870	83861633
8196	5	81076870	83865653
8197	5	81076870	83865914
8198	5	81076870	83865920
8199	5	81076870	83868010
8200	5	81076870	84019752
8201	5	81076870	84065912

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8202	5	81076870	84086632
8203	5	81076870	84089603
8204	5	81076870	84104814
8205	5	81076870	84105175
8206	5	81076870	84251635
8207	5	81076870	84252180
8208	5	81076870	84253030
8209	5	81076870	84254208
8210	5	81076870	84314930
8211	5	81076870	84340523
8212	5	81076870	84516340
8213	5	81076870	84706916
8214	5	81076870	84799488
8215	5	81076870	84801081
8216	5	81076870	84824103
8217	5	81076870	84824203
8218	5	81076870	84824816
8219	5	81076870	84825422
8220	5	81076870	84825763
8221	5	81076870	84825942
8222	5	81076870	84843411
8223	5	81076870	84936441
8224	5	81076870	84936493
8225	5	81076870	84943705
8226	5	81076870	169454950
8227	5	81076870	181522829
8228	5	81076870	204759879

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8229	5	81076870	209874191
8230	5	81155197	81157909
8231	5	81155197	81265937
8232	5	81155197	81265937
8233	5	81155197	81267485
8234	5	81155197	81267499
8235	5	81155197	81274512
8236	5	81155197	81763618
8237	5	81155197	81797217
8238	5	81155197	81800186
8239	5	81155197	81806213
8240	5	81155197	81854583
8241	5	81155197	81859374
8242	5	81155197	81861368
8243	5	81155197	81863686
8244	5	81155197	81916850
8245	5	81155197	81954891
8246	5	81155197	81985250
8247	5	81155197	82083752
8248	5	81155197	82101253
8249	5	81155197	82143124
8250	5	81155197	82236318
8251	5	81155197	82325587
8252	5	81155197	82427210
8253	5	81155197	82431853
8254	5	81155197	82446714
8255	5	81155197	82446794



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8256	5	81155197	82551111
8257	5	81155197	82552090
8258	5	81155197	82555641
8259	5	81155197	82555670
8260	5	81155197	82556511
8261	5	81155197	82559047
8262	5	81155197	82561535
8263	5	81155197	82610100
8264	5	81155197	82676822
8265	5	81155197	82676901
8266	5	81155197	82883691
8267	5	81155197	82954942
8268	5	81155197	82971688
8269	5	81155197	83023965
8270	5	81155197	83094205
8271	5	81155197	83146355
8272	5	81155197	83280630
8273	5	81155197	83281412
8274	5	81155197	83400242
8275	5	81155197	83405797
8276	5	81155197	83437132
8277	5	81155197	83522252
8278	5	81155197	83560095
8279	5	81155197	83560204
8280	5	81155197	83572400
8281	5	81155197	83607661
8282	5	81155197	83745342

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8283	5	81155197	83861275
8284	5	81155197	83861633
8285	5	81155197	83865653
8286	5	81155197	83865914
8287	5	81155197	83865920
8288	5	81155197	83868010
8289	5	81155197	84019752
8290	5	81155197	84065912
8291	5	81155197	84086632
8292	5	81155197	84089603
8293	5	81155197	84104814
8294	5	81155197	84105175
8295	5	81155197	84251635
8296	5	81155197	84252180
8297	5	81155197	84253030
8298	5	81155197	84254208
8299	5	81155197	84314930
8300	5	81155197	84340523
8301	5	81155197	84516340
8302	5	81155197	84706916
8303	5	81155197	84799488
8304	5	81155197	84801081
8305	5	81155197	84824103
8306	5	81155197	84824203
8307	5	81155197	84824816
8308	5	81155197	84825422
8309	5	81155197	84825763

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8310	5	81155197	84825942
8311	5	81155197	84843411
8312	5	81155197	84936441
8313	5	81155197	84936493
8314	5	81155197	84943705
8315	5	81155197	169454950
8316	5	81155197	181522829
8317	5	81155197	204759879
8318	5	81155197	209874191
8319	5	81155255	81157909
8320	5	81155255	81265937
8321	5	81155255	81265937
8322	5	81155255	81267485
8323	5	81155255	81267499
8324	5	81155255	81274512
8325	5	81155255	81763618
8326	5	81155255	81797217
8327	5	81155255	81800186
8328	5	81155255	81806213
8329	5	81155255	81854583
8330	5	81155255	81859374
8331	5	81155255	81861368
8332	5	81155255	81863686
8333	5	81155255	81916850
8334	5	81155255	81954891
8335	5	81155255	81985250
8336	5	81155255	82083752

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8337	5	81155255	82101253
8338	5	81155255	82143124
8339	5	81155255	82236318
8340	5	81155255	82325587
8341	5	81155255	82427210
8342	5	81155255	82431853
8343	5	81155255	82446714
8344	5	81155255	82446794
8345	5	81155255	82551111
8346	5	81155255	82552090
8347	5	81155255	82555641
8348	5	81155255	82555670
8349	5	81155255	82556511
8350	5	81155255	82559047
8351	5	81155255	82561535
8352	5	81155255	82610100
8353	5	81155255	82676822
8354	5	81155255	82676901
8355	5	81155255	82883691
8356	5	81155255	82954942
8357	5	81155255	82971688
8358	5	81155255	83023965
8359	5	81155255	83094205
8360	5	81155255	83146355
8361	5	81155255	83280630
8362	5	81155255	83281412
8363	5	81155255	83400242

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8364	5	81155255	83405797
8365	5	81155255	83437132
8366	5	81155255	83522252
8367	5	81155255	83560095
8368	5	81155255	83560204
8369	5	81155255	83572400
8370	5	81155255	83607661
8371	5	81155255	83745342
8372	5	81155255	83861275
8373	5	81155255	83861633
8374	5	81155255	83865653
8375	5	81155255	83865914
8376	5	81155255	83865920
8377	5	81155255	83868010
8378	5	81155255	84019752
8379	5	81155255	84065912
8380	5	81155255	84086632
8381	5	81155255	84089603
8382	5	81155255	84104814
8383	5	81155255	84105175
8384	5	81155255	84251635
8385	5	81155255	84252180
8386	5	81155255	84253030
8387	5	81155255	84254208
8388	5	81155255	84314930
8389	5	81155255	84340523
8390	5	81155255	84516340

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8391	5	81155255	84706916
8392	5	81155255	84799488
8393	5	81155255	84801081
8394	5	81155255	84824103
8395	5	81155255	84824203
8396	5	81155255	84824816
8397	5	81155255	84825422
8398	5	81155255	84825763
8399	5	81155255	84825942
8400	5	81155255	84843411
8401	5	81155255	84936441
8402	5	81155255	84936493
8403	5	81155255	84943705
8404	5	81155255	169454950
8405	5	81155255	181522829
8406	5	81155255	204759879
8407	5	81155255	209874191
8408	5	81155675	81157909
8409	5	81155675	81265937
8410	5	81155675	81265937
8411	5	81155675	81267485
8412	5	81155675	81267499
8413	5	81155675	81274512
8414	5	81155675	81763618
8415	5	81155675	81797217
8416	5	81155675	81800186
8417	5	81155675	81806213

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8418	5	81155675	81854583
8419	5	81155675	81859374
8420	5	81155675	81861368
8421	5	81155675	81863686
8422	5	81155675	81916850
8423	5	81155675	81954891
8424	5	81155675	81985250
8425	5	81155675	82083752
8426	5	81155675	82101253
8427	5	81155675	82143124
8428	5	81155675	82236318
8429	5	81155675	82325587
8430	5	81155675	82427210
8431	5	81155675	82431853
8432	5	81155675	82446714
8433	5	81155675	82446794
8434	5	81155675	82551111
8435	5	81155675	82552090
8436	5	81155675	82555641
8437	5	81155675	82555670
8438	5	81155675	82556511
8439	5	81155675	82559047
8440	5	81155675	82561535
8441	5	81155675	82610100
8442	5	81155675	82676822
8443	5	81155675	82676901
8444	5	81155675	82883691

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8445	5	81155675	82954942
8446	5	81155675	82971688
8447	5	81155675	83023965
8448	5	81155675	83094205
8449	5	81155675	83146355
8450	5	81155675	83280630
8451	5	81155675	83281412
8452	5	81155675	83400242
8453	5	81155675	83405797
8454	5	81155675	83437132
8455	5	81155675	83522252
8456	5	81155675	83560095
8457	5	81155675	83560204
8458	5	81155675	83572400
8459	5	81155675	83607661
8460	5	81155675	83745342
8461	5	81155675	83861275
8462	5	81155675	83861633
8463	5	81155675	83865653
8464	5	81155675	83865914
8465	5	81155675	83865920
8466	5	81155675	83868010
8467	5	81155675	84019752
8468	5	81155675	84065912
8469	5	81155675	84086632
8470	5	81155675	84089603
8471	5	81155675	84104814



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8472	5	81155675	84105175
8473	5	81155675	84251635
8474	5	81155675	84252180
8475	5	81155675	84253030
8476	5	81155675	84254208
8477	5	81155675	84314930
8478	5	81155675	84340523
8479	5	81155675	84516340
8480	5	81155675	84706916
8481	5	81155675	84799488
8482	5	81155675	84801081
8483	5	81155675	84824103
8484	5	81155675	84824203
8485	5	81155675	84824816
8486	5	81155675	84825422
8487	5	81155675	84825763
8488	5	81155675	84825942
8489	5	81155675	84843411
8490	5	81155675	84936441
8491	5	81155675	84936493
8492	5	81155675	84943705
8493	5	81155675	169454950
8494	5	81155675	181522829
8495	5	81155675	204759879
8496	5	81155675	209874191
8497	5	81156713	81157909
8498	5	81156713	81265937

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8499	5	81156713	81265937
8500	5	81156713	81267485
8501	5	81156713	81267499
8502	5	81156713	81274512
8503	5	81156713	81763618
8504	5	81156713	81797217
8505	5	81156713	81800186
8506	5	81156713	81806213
8507	5	81156713	81854583
8508	5	81156713	81859374
8509	5	81156713	81861368
8510	5	81156713	81863686
8511	5	81156713	81916850
8512	5	81156713	81954891
8513	5	81156713	81985250
8514	5	81156713	82083752
8515	5	81156713	82101253
8516	5	81156713	82143124
8517	5	81156713	82236318
8518	5	81156713	82325587
8519	5	81156713	82427210
8520	5	81156713	82431853
8521	5	81156713	82446714
8522	5	81156713	82446794
8523	5	81156713	82551111
8524	5	81156713	82552090
8525	5	81156713	82555641

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8526	5	81156713	82555670
8527	5	81156713	82556511
8528	5	81156713	82559047
8529	5	81156713	82561535
8530	5	81156713	82610100
8531	5	81156713	82676822
8532	5	81156713	82676901
8533	5	81156713	82883691
8534	5	81156713	82954942
8535	5	81156713	82971688
8536	5	81156713	83023965
8537	5	81156713	83094205
8538	5	81156713	83146355
8539	5	81156713	83280630
8540	5	81156713	83281412
8541	5	81156713	83400242
8542	5	81156713	83405797
8543	5	81156713	83437132
8544	5	81156713	83522252
8545	5	81156713	83560095
8546	5	81156713	83560204
8547	5	81156713	83572400
8548	5	81156713	83607661
8549	5	81156713	83745342
8550	5	81156713	83861275
8551	5	81156713	83861633
8552	5	81156713	83865653

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8553	5	81156713	83865914
8554	5	81156713	83865920
8555	5	81156713	83868010
8556	5	81156713	84019752
8557	5	81156713	84065912
8558	5	81156713	84086632
8559	5	81156713	84089603
8560	5	81156713	84104814
8561	5	81156713	84105175
8562	5	81156713	84251635
8563	5	81156713	84252180
8564	5	81156713	84253030
8565	5	81156713	84254208
8566	5	81156713	84314930
8567	5	81156713	84340523
8568	5	81156713	84516340
8569	5	81156713	84706916
8570	5	81156713	84799488
8571	5	81156713	84801081
8572	5	81156713	84824103
8573	5	81156713	84824203
8574	5	81156713	84824816
8575	5	81156713	84825422
8576	5	81156713	84825763
8577	5	81156713	84825942
8578	5	81156713	84843411
8579	5	81156713	84936441

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8580	5	81156713	84936493
8581	5	81156713	84943705
8582	5	81156713	169454950
8583	5	81156713	181522829
8584	5	81156713	204759879
8585	5	81156713	209874191
8586	5	81265211	81265937
8587	5	81265211	81265937
8588	5	81265211	81267485
8589	5	81265211	81267499
8590	5	81265211	81274512
8591	5	81265211	81763618
8592	5	81265211	81797217
8593	5	81265211	81800186
8594	5	81265211	81806213
8595	5	81265211	81854583
8596	5	81265211	81859374
8597	5	81265211	81861368
8598	5	81265211	81863686
8599	5	81265211	81916850
8600	5	81265211	81954891
8601	5	81265211	81985250
8602	5	81265211	82083752
8603	5	81265211	82101253
8604	5	81265211	82143124
8605	5	81265211	82236318
8606	5	81265211	82325587

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8607	5	81265211	82427210
8608	5	81265211	82431853
8609	5	81265211	82446714
8610	5	81265211	82446794
8611	5	81265211	82551111
8612	5	81265211	82552090
8613	5	81265211	82555641
8614	5	81265211	82555670
8615	5	81265211	82556511
8616	5	81265211	82559047
8617	5	81265211	82561535
8618	5	81265211	82610100
8619	5	81265211	82676822
8620	5	81265211	82676901
8621	5	81265211	82883691
8622	5	81265211	82954942
8623	5	81265211	82971688
8624	5	81265211	83023965
8625	5	81265211	83094205
8626	5	81265211	83146355
8627	5	81265211	83280630
8628	5	81265211	83281412
8629	5	81265211	83400242
8630	5	81265211	83405797
8631	5	81265211	83437132
8632	5	81265211	83522252
8633	5	81265211	83560095

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8634	5	81265211	83560204
8635	5	81265211	83572400
8636	5	81265211	83607661
8637	5	81265211	83745342
8638	5	81265211	83861275
8639	5	81265211	83861633
8640	5	81265211	83865653
8641	5	81265211	83865914
8642	5	81265211	83865920
8643	5	81265211	83868010
8644	5	81265211	84019752
8645	5	81265211	84065912
8646	5	81265211	84086632
8647	5	81265211	84089603
8648	5	81265211	84104814
8649	5	81265211	84105175
8650	5	81265211	84251635
8651	5	81265211	84252180
8652	5	81265211	84253030
8653	5	81265211	84254208
8654	5	81265211	84314930
8655	5	81265211	84340523
8656	5	81265211	84516340
8657	5	81265211	84706916
8658	5	81265211	84799488
8659	5	81265211	84801081
8660	5	81265211	84824103

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8661	5	81265211	84824203
8662	5	81265211	84824816
8663	5	81265211	84825422
8664	5	81265211	84825763
8665	5	81265211	84825942
8666	5	81265211	84843411
8667	5	81265211	84936441
8668	5	81265211	84936493
8669	5	81265211	84943705
8670	5	81265211	169454950
8671	5	81265211	181522829
8672	5	81265211	204759879
8673	5	81265211	209874191
8674	5	81265354	81265937
8675	5	81265354	81265937
8676	5	81265354	81267485
8677	5	81265354	81274512
8678	5	81265354	81763618
8679	5	81265354	81797217
8680	5	81265354	81800186
8681	5	81265354	81806213
8682	5	81265354	81854583
8683	5	81265354	81859374
8684	5	81265354	81861368
8685	5	81265354	81863686
8686	5	81265354	81916850
8687	5	81265354	81954891



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8688	5	81265354	81985250
8689	5	81265354	82083752
8690	5	81265354	82101253
8691	5	81265354	82143124
8692	5	81265354	82236318
8693	5	81265354	82325587
8694	5	81265354	82427210
8695	5	81265354	82431853
8696	5	81265354	82446714
8697	5	81265354	82446794
8698	5	81265354	82551111
8699	5	81265354	82552090
8700	5	81265354	82555641
8701	5	81265354	82555670
8702	5	81265354	82556511
8703	5	81265354	82559047
8704	5	81265354	82561535
8705	5	81265354	82610100
8706	5	81265354	82676822
8707	5	81265354	82676901
8708	5	81265354	82883691
8709	5	81265354	82954942
8710	5	81265354	82971688
8711	5	81265354	83023965
8712	5	81265354	83094205
8713	5	81265354	83146355
8714	5	81265354	83280630

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8715	5	81265354	83281412
8716	5	81265354	83400242
8717	5	81265354	83405797
8718	5	81265354	83437132
8719	5	81265354	83522252
8720	5	81265354	83560095
8721	5	81265354	83560204
8722	5	81265354	83572400
8723	5	81265354	83607661
8724	5	81265354	83745342
8725	5	81265354	83861275
8726	5	81265354	83861633
8727	5	81265354	83865653
8728	5	81265354	83865914
8729	5	81265354	83865920
8730	5	81265354	83868010
8731	5	81265354	84019752
8732	5	81265354	84065912
8733	5	81265354	84086632
8734	5	81265354	84089603
8735	5	81265354	84104814
8736	5	81265354	84105175
8737	5	81265354	84251635
8738	5	81265354	84252180
8739	5	81265354	84253030
8740	5	81265354	84254208
8741	5	81265354	84314930

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8742	5	81265354	84340523
8743	5	81265354	84516340
8744	5	81265354	84706916
8745	5	81265354	84799488
8746	5	81265354	84801081
8747	5	81265354	84824103
8748	5	81265354	84824203
8749	5	81265354	84824816
8750	5	81265354	84825422
8751	5	81265354	84825763
8752	5	81265354	84825942
8753	5	81265354	84843411
8754	5	81265354	84936441
8755	5	81265354	84936493
8756	5	81265354	84943705
8757	5	81265354	169454950
8758	5	81265354	181522829
8759	5	81265354	204759879
8760	5	81265354	209874191
8761	5	81265937	81274512
8762	5	81265937	81763618
8763	5	81265937	81797217
8764	5	81265937	81800186
8765	5	81265937	81806213
8766	5	81265937	81854583
8767	5	81265937	81859374
8768	5	81265937	81861368

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8769	5	81265937	81863686
8770	5	81265937	81916850
8771	5	81265937	81954891
8772	5	81265937	81985250
8773	5	81265937	82083752
8774	5	81265937	82101253
8775	5	81265937	82143124
8776	5	81265937	82236318
8777	5	81265937	82325587
8778	5	81265937	82427210
8779	5	81265937	82431853
8780	5	81265937	82446714
8781	5	81265937	82446794
8782	5	81265937	82551111
8783	5	81265937	82552090
8784	5	81265937	82555641
8785	5	81265937	82555670
8786	5	81265937	82556511
8787	5	81265937	82559047
8788	5	81265937	82561535
8789	5	81265937	82610100
8790	5	81265937	82676822
8791	5	81265937	82676901
8792	5	81265937	82883691
8793	5	81265937	82954942
8794	5	81265937	82971688
8795	5	81265937	83023965

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8796	5	81265937	83094205
8797	5	81265937	83146355
8798	5	81265937	83280630
8799	5	81265937	83281412
8800	5	81265937	83400242
8801	5	81265937	83405797
8802	5	81265937	83437132
8803	5	81265937	83522252
8804	5	81265937	83560095
8805	5	81265937	83560204
8806	5	81265937	83572400
8807	5	81265937	83607661
8808	5	81265937	83745342
8809	5	81265937	83861275
8810	5	81265937	83861633
8811	5	81265937	83865653
8812	5	81265937	83865914
8813	5	81265937	83865920
8814	5	81265937	83868010
8815	5	81265937	84019752
8816	5	81265937	84065912
8817	5	81265937	84086632
8818	5	81265937	84089603
8819	5	81265937	84104814
8820	5	81265937	84105175
8821	5	81265937	84251635
8822	5	81265937	84252180

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8823	5	81265937	84253030
8824	5	81265937	84254208
8825	5	81265937	84314930
8826	5	81265937	84340523
8827	5	81265937	84516340
8828	5	81265937	84706916
8829	5	81265937	84799488
8830	5	81265937	84801081
8831	5	81265937	84824103
8832	5	81265937	84824203
8833	5	81265937	84824816
8834	5	81265937	84825422
8835	5	81265937	84825763
8836	5	81265937	84825942
8837	5	81265937	84843411
8838	5	81265937	84936441
8839	5	81265937	84936493
8840	5	81265937	84943705
8841	5	81265937	169454950
8842	5	81265937	181522829
8843	5	81265937	204759879
8844	5	81265937	209874191
8845	5	81273796	81265937
8846	5	81273796	81274512
8847	5	81273796	81763618
8848	5	81273796	81797217
8849	5	81273796	81800186

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8850	5	81273796	81806213
8851	5	81273796	81854583
8852	5	81273796	81859374
8853	5	81273796	81861368
8854	5	81273796	81863686
8855	5	81273796	81916850
8856	5	81273796	81954891
8857	5	81273796	81985250
8858	5	81273796	82083752
8859	5	81273796	82101253
8860	5	81273796	82143124
8861	5	81273796	82236318
8862	5	81273796	82325587
8863	5	81273796	82427210
8864	5	81273796	82431853
8865	5	81273796	82446714
8866	5	81273796	82446794
8867	5	81273796	82551111
8868	5	81273796	82552090
8869	5	81273796	82555641
8870	5	81273796	82555670
8871	5	81273796	82556511
8872	5	81273796	82559047
8873	5	81273796	82561535
8874	5	81273796	82610100
8875	5	81273796	82676822
8876	5	81273796	82676901

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8877	5	81273796	82883691
8878	5	81273796	82954942
8879	5	81273796	82971688
8880	5	81273796	83023965
8881	5	81273796	83094205
8882	5	81273796	83146355
8883	5	81273796	83280630
8884	5	81273796	83281412
8885	5	81273796	83400242
8886	5	81273796	83405797
8887	5	81273796	83437132
8888	5	81273796	83522252
8889	5	81273796	83560095
8890	5	81273796	83560204
8891	5	81273796	83572400
8892	5	81273796	83607661
8893	5	81273796	83745342
8894	5	81273796	83861275
8895	5	81273796	83861633
8896	5	81273796	83865653
8897	5	81273796	83865914
8898	5	81273796	83865920
8899	5	81273796	83868010
8900	5	81273796	84019752
8901	5	81273796	84065912
8902	5	81273796	84086632
8903	5	81273796	84089603



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8904	5	81273796	84104814
8905	5	81273796	84105175
8906	5	81273796	84251635
8907	5	81273796	84252180
8908	5	81273796	84253030
8909	5	81273796	84254208
8910	5	81273796	84314930
8911	5	81273796	84340523
8912	5	81273796	84516340
8913	5	81273796	84706916
8914	5	81273796	84799488
8915	5	81273796	84801081
8916	5	81273796	84824103
8917	5	81273796	84824203
8918	5	81273796	84824816
8919	5	81273796	84825422
8920	5	81273796	84825763
8921	5	81273796	84825942
8922	5	81273796	84843411
8923	5	81273796	84936441
8924	5	81273796	84936493
8925	5	81273796	84943705
8926	5	81273796	169454950
8927	5	81273796	181522829
8928	5	81273796	204759879
8929	5	81273796	209874191
8930	5	81761119	81265937

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8931	5	81761119	81265937
8932	5	81761119	81267485
8933	5	81761119	81267499
8934	5	81761119	81274512
8935	5	81761119	81763618
8936	5	81761119	81797217
8937	5	81761119	81800186
8938	5	81761119	81806213
8939	5	81761119	81854583
8940	5	81761119	81859374
8941	5	81761119	81861368
8942	5	81761119	81863686
8943	5	81761119	81916850
8944	5	81761119	81954891
8945	5	81761119	81985250
8946	5	81761119	82083752
8947	5	81761119	82101253
8948	5	81761119	82143124
8949	5	81761119	82236318
8950	5	81761119	82325587
8951	5	81761119	82427210
8952	5	81761119	82431853
8953	5	81761119	82446714
8954	5	81761119	82446794
8955	5	81761119	82551111
8956	5	81761119	82552090
8957	5	81761119	82555641

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8958	5	81761119	82555670
8959	5	81761119	82556511
8960	5	81761119	82559047
8961	5	81761119	82561535
8962	5	81761119	82610100
8963	5	81761119	82676822
8964	5	81761119	82676901
8965	5	81761119	82883691
8966	5	81761119	82954942
8967	5	81761119	82971688
8968	5	81761119	83023965
8969	5	81761119	83094205
8970	5	81761119	83146355
8971	5	81761119	83280630
8972	5	81761119	83281412
8973	5	81761119	83400242
8974	5	81761119	83405797
8975	5	81761119	83437132
8976	5	81761119	83522252
8977	5	81761119	83560095
8978	5	81761119	83560204
8979	5	81761119	83572400
8980	5	81761119	83607661
8981	5	81761119	83745342
8982	5	81761119	83861275
8983	5	81761119	83861633
8984	5	81761119	83865653

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
8985	5	81761119	83865914
8986	5	81761119	83865920
8987	5	81761119	83868010
8988	5	81761119	84019752
8989	5	81761119	84065912
8990	5	81761119	84086632
8991	5	81761119	84089603
8992	5	81761119	84104814
8993	5	81761119	84105175
8994	5	81761119	84251635
8995	5	81761119	84252180
8996	5	81761119	84253030
8997	5	81761119	84254208
8998	5	81761119	84314930
8999	5	81761119	84340523
9000	5	81761119	84516340
9001	5	81761119	84706916
9002	5	81761119	84799488
9003	5	81761119	84801081
9004	5	81761119	84824103
9005	5	81761119	84824203
9006	5	81761119	84824816
9007	5	81761119	84825422
9008	5	81761119	84825763
9009	5	81761119	84825942
9010	5	81761119	84843411
9011	5	81761119	84936441

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9012	5	81761119	84936493
9013	5	81761119	84943705
9014	5	81761119	169454950
9015	5	81761119	181522829
9016	5	81761119	204759879
9017	5	81761119	209874191
9018	5	81793777	81265937
9019	5	81793777	81797217
9020	5	81793777	81800186
9021	5	81793777	81806213
9022	5	81793777	81854583
9023	5	81793777	81859374
9024	5	81793777	81861368
9025	5	81793777	81863686
9026	5	81793777	81916850
9027	5	81793777	81954891
9028	5	81793777	81985250
9029	5	81793777	82083752
9030	5	81793777	82101253
9031	5	81793777	82143124
9032	5	81793777	82236318
9033	5	81793777	82325587
9034	5	81793777	82427210
9035	5	81793777	82431853
9036	5	81793777	82446714
9037	5	81793777	82446794
9038	5	81793777	82551111

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9039	5	81793777	82552090
9040	5	81793777	82555641
9041	5	81793777	82555670
9042	5	81793777	82556511
9043	5	81793777	82559047
9044	5	81793777	82561535
9045	5	81793777	82610100
9046	5	81793777	82676822
9047	5	81793777	82676901
9048	5	81793777	82883691
9049	5	81793777	82954942
9050	5	81793777	82971688
9051	5	81793777	83023965
9052	5	81793777	83094205
9053	5	81793777	83146355
9054	5	81793777	83280630
9055	5	81793777	83281412
9056	5	81793777	83400242
9057	5	81793777	83405797
9058	5	81793777	83437132
9059	5	81793777	83522252
9060	5	81793777	83560095
9061	5	81793777	83560204
9062	5	81793777	83572400
9063	5	81793777	83607661
9064	5	81793777	83745342
9065	5	81793777	83861275

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9066	5	81793777	83861633
9067	5	81793777	83865653
9068	5	81793777	83865914
9069	5	81793777	83865920
9070	5	81793777	83868010
9071	5	81793777	84019752
9072	5	81793777	84065912
9073	5	81793777	84086632
9074	5	81793777	84089603
9075	5	81793777	84104814
9076	5	81793777	84105175
9077	5	81793777	84251635
9078	5	81793777	84252180
9079	5	81793777	84253030
9080	5	81793777	84254208
9081	5	81793777	84314930
9082	5	81793777	84340523
9083	5	81793777	84516340
9084	5	81793777	84706916
9085	5	81793777	84799488
9086	5	81793777	84801081
9087	5	81793777	84824103
9088	5	81793777	84824203
9089	5	81793777	84824816
9090	5	81793777	84825422
9091	5	81793777	84825763
9092	5	81793777	84825942

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9093	5	81793777	84843411
9094	5	81793777	84936441
9095	5	81793777	84936493
9096	5	81793777	84943705
9097	5	81793777	169454950
9098	5	81793777	181522829
9099	5	81793777	204759879
9100	5	81793777	209874191
9101	5	81798893	81265937
9102	5	81798893	81800186
9103	5	81798893	81806213
9104	5	81798893	81854583
9105	5	81798893	81859374
9106	5	81798893	81861368
9107	5	81798893	81863686
9108	5	81798893	81916850
9109	5	81798893	81954891
9110	5	81798893	81985250
9111	5	81798893	82083752
9112	5	81798893	82101253
9113	5	81798893	82143124
9114	5	81798893	82236318
9115	5	81798893	82325587
9116	5	81798893	82427210
9117	5	81798893	82431853
9118	5	81798893	82446714
9119	5	81798893	82446794



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9120	5	81798893	82551111
9121	5	81798893	82552090
9122	5	81798893	82555641
9123	5	81798893	82555670
9124	5	81798893	82556511
9125	5	81798893	82559047
9126	5	81798893	82561535
9127	5	81798893	82610100
9128	5	81798893	82676822
9129	5	81798893	82676901
9130	5	81798893	82883691
9131	5	81798893	82954942
9132	5	81798893	82971688
9133	5	81798893	83023965
9134	5	81798893	83094205
9135	5	81798893	83146355
9136	5	81798893	83280630
9137	5	81798893	83281412
9138	5	81798893	83400242
9139	5	81798893	83405797
9140	5	81798893	83437132
9141	5	81798893	83522252
9142	5	81798893	83560095
9143	5	81798893	83560204
9144	5	81798893	83572400
9145	5	81798893	83607661
9146	5	81798893	83745342

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9147	5	81798893	83861275
9148	5	81798893	83861633
9149	5	81798893	83865653
9150	5	81798893	83865914
9151	5	81798893	83865920
9152	5	81798893	83868010
9153	5	81798893	84019752
9154	5	81798893	84065912
9155	5	81798893	84086632
9156	5	81798893	84089603
9157	5	81798893	84104814
9158	5	81798893	84105175
9159	5	81798893	84251635
9160	5	81798893	84252180
9161	5	81798893	84253030
9162	5	81798893	84254208
9163	5	81798893	84314930
9164	5	81798893	84340523
9165	5	81798893	84516340
9166	5	81798893	84706916
9167	5	81798893	84799488
9168	5	81798893	84801081
9169	5	81798893	84824103
9170	5	81798893	84824203
9171	5	81798893	84824816
9172	5	81798893	84825422
9173	5	81798893	84825763

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9174	5	81798893	84825942
9175	5	81798893	84843411
9176	5	81798893	84936441
9177	5	81798893	84936493
9178	5	81798893	84943705
9179	5	81798893	169454950
9180	5	81798893	181522829
9181	5	81798893	204759879
9182	5	81798893	209874191
9183	5	81801973	81265937
9184	5	81801973	81806213
9185	5	81801973	81854583
9186	5	81801973	81859374
9187	5	81801973	81861368
9188	5	81801973	81863686
9189	5	81801973	81916850
9190	5	81801973	81954891
9191	5	81801973	81985250
9192	5	81801973	82083752
9193	5	81801973	82101253
9194	5	81801973	82143124
9195	5	81801973	82236318
9196	5	81801973	82325587
9197	5	81801973	82427210
9198	5	81801973	82431853
9199	5	81801973	82446714
9200	5	81801973	82446794

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9201	5	81801973	82551111
9202	5	81801973	82552090
9203	5	81801973	82555641
9204	5	81801973	82555670
9205	5	81801973	82556511
9206	5	81801973	82559047
9207	5	81801973	82561535
9208	5	81801973	82610100
9209	5	81801973	82676822
9210	5	81801973	82676901
9211	5	81801973	82883691
9212	5	81801973	82954942
9213	5	81801973	82971688
9214	5	81801973	83023965
9215	5	81801973	83094205
9216	5	81801973	83146355
9217	5	81801973	83280630
9218	5	81801973	83281412
9219	5	81801973	83400242
9220	5	81801973	83405797
9221	5	81801973	83437132
9222	5	81801973	83522252
9223	5	81801973	83560095
9224	5	81801973	83560204
9225	5	81801973	83572400
9226	5	81801973	83607661
9227	5	81801973	83745342

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9228	5	81801973	83861275
9229	5	81801973	83861633
9230	5	81801973	83865653
9231	5	81801973	83865914
9232	5	81801973	83865920
9233	5	81801973	83868010
9234	5	81801973	84019752
9235	5	81801973	84065912
9236	5	81801973	84086632
9237	5	81801973	84089603
9238	5	81801973	84104814
9239	5	81801973	84105175
9240	5	81801973	84251635
9241	5	81801973	84252180
9242	5	81801973	84253030
9243	5	81801973	84254208
9244	5	81801973	84314930
9245	5	81801973	84340523
9246	5	81801973	84516340
9247	5	81801973	84706916
9248	5	81801973	84799488
9249	5	81801973	84801081
9250	5	81801973	84824103
9251	5	81801973	84824203
9252	5	81801973	84824816
9253	5	81801973	84825422
9254	5	81801973	84825763

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9255	5	81801973	84825942
9256	5	81801973	84843411
9257	5	81801973	84936441
9258	5	81801973	84936493
9259	5	81801973	84943705
9260	5	81801973	169454950
9261	5	81801973	181522829
9262	5	81801973	204759879
9263	5	81801973	209874191
9264	5	81854583	81859374
9265	5	81854583	81861368
9266	5	81854583	81863686
9267	5	81854583	81916850
9268	5	81854583	81954891
9269	5	81854583	81985250
9270	5	81854583	82083752
9271	5	81854583	82101253
9272	5	81854583	82143124
9273	5	81854583	82236318
9274	5	81854583	82325587
9275	5	81854583	82427210
9276	5	81854583	82431853
9277	5	81854583	82446714
9278	5	81854583	82446794
9279	5	81854583	82551111
9280	5	81854583	82552090
9281	5	81854583	82555641

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9282	5	81854583	82555670
9283	5	81854583	82556511
9284	5	81854583	82559047
9285	5	81854583	82561535
9286	5	81854583	82610100
9287	5	81854583	82676822
9288	5	81854583	82676901
9289	5	81854583	82883691
9290	5	81854583	82954942
9291	5	81854583	82971688
9292	5	81854583	83023965
9293	5	81854583	83094205
9294	5	81854583	83146355
9295	5	81854583	83280630
9296	5	81854583	83281412
9297	5	81854583	83400242
9298	5	81854583	83405797
9299	5	81854583	83437132
9300	5	81854583	83522252
9301	5	81854583	83560095
9302	5	81854583	83560204
9303	5	81854583	83572400
9304	5	81854583	83607661
9305	5	81854583	83745342
9306	5	81854583	83861275
9307	5	81854583	83861633
9308	5	81854583	83865653

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9309	5	81854583	83865914
9310	5	81854583	83865920
9311	5	81854583	83868010
9312	5	81854583	84019752
9313	5	81854583	84065912
9314	5	81854583	84086632
9315	5	81854583	84089603
9316	5	81854583	84104814
9317	5	81854583	84105175
9318	5	81854583	84251635
9319	5	81854583	84252180
9320	5	81854583	84253030
9321	5	81854583	84254208
9322	5	81854583	84314930
9323	5	81854583	84340523
9324	5	81854583	84516340
9325	5	81854583	84706916
9326	5	81854583	84799488
9327	5	81854583	84801081
9328	5	81854583	84824103
9329	5	81854583	84824203
9330	5	81854583	84824816
9331	5	81854583	84825422
9332	5	81854583	84825763
9333	5	81854583	84825942
9334	5	81854583	84843411
9335	5	81854583	84936441



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9336	5	81854583	84936493
9337	5	81854583	84943705
9338	5	81854583	169454950
9339	5	81854583	181522829
9340	5	81854583	204759879
9341	5	81854583	209874191
9342	5	81858527	81859374
9343	5	81858527	81861368
9344	5	81858527	81863686
9345	5	81858527	81916850
9346	5	81858527	81954891
9347	5	81858527	81985250
9348	5	81858527	82083752
9349	5	81858527	82101253
9350	5	81858527	82143124
9351	5	81858527	82236318
9352	5	81858527	82325587
9353	5	81858527	82427210
9354	5	81858527	82431853
9355	5	81858527	82446714
9356	5	81858527	82446794
9357	5	81858527	82551111
9358	5	81858527	82552090
9359	5	81858527	82555641
9360	5	81858527	82555670
9361	5	81858527	82556511
9362	5	81858527	82559047

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9363	5	81858527	82561535
9364	5	81858527	82610100
9365	5	81858527	82676822
9366	5	81858527	82676901
9367	5	81858527	82883691
9368	5	81858527	82954942
9369	5	81858527	82971688
9370	5	81858527	83023965
9371	5	81858527	83094205
9372	5	81858527	83146355
9373	5	81858527	83280630
9374	5	81858527	83281412
9375	5	81858527	83400242
9376	5	81858527	83405797
9377	5	81858527	83437132
9378	5	81858527	83522252
9379	5	81858527	83560095
9380	5	81858527	83560204
9381	5	81858527	83572400
9382	5	81858527	83607661
9383	5	81858527	83745342
9384	5	81858527	83861275
9385	5	81858527	83861633
9386	5	81858527	83865653
9387	5	81858527	83865914
9388	5	81858527	83865920
9389	5	81858527	83868010

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9390	5	81858527	84019752
9391	5	81858527	84065912
9392	5	81858527	84086632
9393	5	81858527	84089603
9394	5	81858527	84104814
9395	5	81858527	84105175
9396	5	81858527	84251635
9397	5	81858527	84252180
9398	5	81858527	84253030
9399	5	81858527	84254208
9400	5	81858527	84314930
9401	5	81858527	84340523
9402	5	81858527	84516340
9403	5	81858527	84706916
9404	5	81858527	84799488
9405	5	81858527	84801081
9406	5	81858527	84824103
9407	5	81858527	84824203
9408	5	81858527	84824816
9409	5	81858527	84825422
9410	5	81858527	84825763
9411	5	81858527	84825942
9412	5	81858527	84843411
9413	5	81858527	84936441
9414	5	81858527	84936493
9415	5	81858527	84943705
9416	5	81858527	169454950

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9417	5	81858527	181522829
9418	5	81858527	204759879
9419	5	81858527	209874191
9420	5	81859618	81265937
9421	5	81859618	81861368
9422	5	81859618	81863686
9423	5	81859618	81916850
9424	5	81859618	81954891
9425	5	81859618	81985250
9426	5	81859618	82083752
9427	5	81859618	82101253
9428	5	81859618	82143124
9429	5	81859618	82236318
9430	5	81859618	82325587
9431	5	81859618	82427210
9432	5	81859618	82431853
9433	5	81859618	82446714
9434	5	81859618	82446794
9435	5	81859618	82551111
9436	5	81859618	82552090
9437	5	81859618	82555641
9438	5	81859618	82555670
9439	5	81859618	82556511
9440	5	81859618	82559047
9441	5	81859618	82561535
9442	5	81859618	82610100
9443	5	81859618	82676822

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9444	5	81859618	82676901
9445	5	81859618	82883691
9446	5	81859618	82954942
9447	5	81859618	82971688
9448	5	81859618	83023965
9449	5	81859618	83094205
9450	5	81859618	83146355
9451	5	81859618	83280630
9452	5	81859618	83281412
9453	5	81859618	83400242
9454	5	81859618	83405797
9455	5	81859618	83437132
9456	5	81859618	83522252
9457	5	81859618	83560095
9458	5	81859618	83560204
9459	5	81859618	83572400
9460	5	81859618	83607661
9461	5	81859618	83745342
9462	5	81859618	83861275
9463	5	81859618	83861633
9464	5	81859618	83865653
9465	5	81859618	83865914
9466	5	81859618	83865920
9467	5	81859618	83868010
9468	5	81859618	84019752
9469	5	81859618	84065912
9470	5	81859618	84086632

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9471	5	81859618	84089603
9472	5	81859618	84104814
9473	5	81859618	84105175
9474	5	81859618	84251635
9475	5	81859618	84252180
9476	5	81859618	84253030
9477	5	81859618	84254208
9478	5	81859618	84314930
9479	5	81859618	84340523
9480	5	81859618	84516340
9481	5	81859618	84706916
9482	5	81859618	84799488
9483	5	81859618	84801081
9484	5	81859618	84824103
9485	5	81859618	84824203
9486	5	81859618	84824816
9487	5	81859618	84825422
9488	5	81859618	84825763
9489	5	81859618	84825942
9490	5	81859618	84843411
9491	5	81859618	84936441
9492	5	81859618	84936493
9493	5	81859618	84943705
9494	5	81859618	169454950
9495	5	81859618	181522829
9496	5	81859618	204759879
9497	5	81859618	209874191

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9498	5	81863099	81265937
9499	5	81863099	81863686
9500	5	81863099	81916850
9501	5	81863099	81954891
9502	5	81863099	81985250
9503	5	81863099	82083752
9504	5	81863099	82101253
9505	5	81863099	82143124
9506	5	81863099	82236318
9507	5	81863099	82325587
9508	5	81863099	82427210
9509	5	81863099	82431853
9510	5	81863099	82446714
9511	5	81863099	82446794
9512	5	81863099	82551111
9513	5	81863099	82552090
9514	5	81863099	82555641
9515	5	81863099	82555670
9516	5	81863099	82556511
9517	5	81863099	82559047
9518	5	81863099	82561535
9519	5	81863099	82610100
9520	5	81863099	82676822
9521	5	81863099	82676901
9522	5	81863099	82883691
9523	5	81863099	82954942
9524	5	81863099	82971688

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9525	5	81863099	83023965
9526	5	81863099	83094205
9527	5	81863099	83146355
9528	5	81863099	83280630
9529	5	81863099	83281412
9530	5	81863099	83400242
9531	5	81863099	83405797
9532	5	81863099	83437132
9533	5	81863099	83522252
9534	5	81863099	83560095
9535	5	81863099	83560204
9536	5	81863099	83572400
9537	5	81863099	83607661
9538	5	81863099	83745342
9539	5	81863099	83861275
9540	5	81863099	83861633
9541	5	81863099	83865653
9542	5	81863099	83865914
9543	5	81863099	83865920
9544	5	81863099	83868010
9545	5	81863099	84019752
9546	5	81863099	84065912
9547	5	81863099	84086632
9548	5	81863099	84089603
9549	5	81863099	84104814
9550	5	81863099	84105175
9551	5	81863099	84251635



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9552	5	81863099	84252180
9553	5	81863099	84253030
9554	5	81863099	84254208
9555	5	81863099	84314930
9556	5	81863099	84340523
9557	5	81863099	84516340
9558	5	81863099	84706916
9559	5	81863099	84799488
9560	5	81863099	84801081
9561	5	81863099	84824103
9562	5	81863099	84824203
9563	5	81863099	84824816
9564	5	81863099	84825422
9565	5	81863099	84825763
9566	5	81863099	84825942
9567	5	81863099	84843411
9568	5	81863099	84936441
9569	5	81863099	84936493
9570	5	81863099	84943705
9571	5	81863099	169454950
9572	5	81863099	181522829
9573	5	81863099	204759879
9574	5	81863099	209874191
9575	5	81914498	81265937
9576	5	81914498	81916850
9577	5	81914498	81954891
9578	5	81914498	81985250

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9579	5	81914498	82083752
9580	5	81914498	82101253
9581	5	81914498	82143124
9582	5	81914498	82236318
9583	5	81914498	82325587
9584	5	81914498	82427210
9585	5	81914498	82431853
9586	5	81914498	82446714
9587	5	81914498	82446794
9588	5	81914498	82551111
9589	5	81914498	82552090
9590	5	81914498	82555641
9591	5	81914498	82555670
9592	5	81914498	82556511
9593	5	81914498	82559047
9594	5	81914498	82561535
9595	5	81914498	82610100
9596	5	81914498	82676822
9597	5	81914498	82676901
9598	5	81914498	82883691
9599	5	81914498	82954942
9600	5	81914498	82971688
9601	5	81914498	83023965
9602	5	81914498	83094205
9603	5	81914498	83146355
9604	5	81914498	83280630
9605	5	81914498	83281412

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9606	5	81914498	83400242
9607	5	81914498	83405797
9608	5	81914498	83437132
9609	5	81914498	83522252
9610	5	81914498	83560095
9611	5	81914498	83560204
9612	5	81914498	83572400
9613	5	81914498	83607661
9614	5	81914498	83745342
9615	5	81914498	83861275
9616	5	81914498	83861633
9617	5	81914498	83865653
9618	5	81914498	83865914
9619	5	81914498	83865920
9620	5	81914498	83868010
9621	5	81914498	84019752
9622	5	81914498	84065912
9623	5	81914498	84086632
9624	5	81914498	84089603
9625	5	81914498	84104814
9626	5	81914498	84105175
9627	5	81914498	84251635
9628	5	81914498	84252180
9629	5	81914498	84253030
9630	5	81914498	84254208
9631	5	81914498	84314930
9632	5	81914498	84340523

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9633	5	81914498	84516340
9634	5	81914498	84706916
9635	5	81914498	84799488
9636	5	81914498	84801081
9637	5	81914498	84824103
9638	5	81914498	84824203
9639	5	81914498	84824816
9640	5	81914498	84825422
9641	5	81914498	84825763
9642	5	81914498	84825942
9643	5	81914498	84843411
9644	5	81914498	84936441
9645	5	81914498	84936493
9646	5	81914498	84943705
9647	5	81914498	169454950
9648	5	81914498	181522829
9649	5	81914498	204759879
9650	5	81914498	209874191
9651	5	81950191	81265937
9652	5	81950191	81954891
9653	5	81950191	81985250
9654	5	81950191	82083752
9655	5	81950191	82101253
9656	5	81950191	82143124
9657	5	81950191	82236318
9658	5	81950191	82325587
9659	5	81950191	82427210

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9660	5	81950191	82431853
9661	5	81950191	82446714
9662	5	81950191	82446794
9663	5	81950191	82551111
9664	5	81950191	82552090
9665	5	81950191	82555641
9666	5	81950191	82555670
9667	5	81950191	82556511
9668	5	81950191	82559047
9669	5	81950191	82561535
9670	5	81950191	82610100
9671	5	81950191	82676822
9672	5	81950191	82676901
9673	5	81950191	82883691
9674	5	81950191	82954942
9675	5	81950191	82971688
9676	5	81950191	83023965
9677	5	81950191	83094205
9678	5	81950191	83146355
9679	5	81950191	83280630
9680	5	81950191	83281412
9681	5	81950191	83400242
9682	5	81950191	83405797
9683	5	81950191	83437132
9684	5	81950191	83522252
9685	5	81950191	83560095
9686	5	81950191	83560204

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9687	5	81950191	83572400
9688	5	81950191	83607661
9689	5	81950191	83745342
9690	5	81950191	83861275
9691	5	81950191	83861633
9692	5	81950191	83865653
9693	5	81950191	83865914
9694	5	81950191	83865920
9695	5	81950191	83868010
9696	5	81950191	84019752
9697	5	81950191	84065912
9698	5	81950191	84086632
9699	5	81950191	84089603
9700	5	81950191	84104814
9701	5	81950191	84105175
9702	5	81950191	84251635
9703	5	81950191	84252180
9704	5	81950191	84253030
9705	5	81950191	84254208
9706	5	81950191	84314930
9707	5	81950191	84340523
9708	5	81950191	84516340
9709	5	81950191	84706916
9710	5	81950191	84799488
9711	5	81950191	84801081
9712	5	81950191	84824103
9713	5	81950191	84824203

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9714	5	81950191	84824816
9715	5	81950191	84825422
9716	5	81950191	84825763
9717	5	81950191	84825942
9718	5	81950191	84843411
9719	5	81950191	84936441
9720	5	81950191	84936493
9721	5	81950191	84943705
9722	5	81950191	169454950
9723	5	81950191	181522829
9724	5	81950191	204759879
9725	5	81950191	209874191
9726	5	81951639	81265937
9727	5	81951639	81954891
9728	5	81951639	81985250
9729	5	81951639	82083752
9730	5	81951639	82101253
9731	5	81951639	82143124
9732	5	81951639	82236318
9733	5	81951639	82325587
9734	5	81951639	82427210
9735	5	81951639	82431853
9736	5	81951639	82446714
9737	5	81951639	82446794
9738	5	81951639	82551111
9739	5	81951639	82552090
9740	5	81951639	82555641

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9741	5	81951639	82555670
9742	5	81951639	82556511
9743	5	81951639	82559047
9744	5	81951639	82561535
9745	5	81951639	82610100
9746	5	81951639	82676822
9747	5	81951639	82676901
9748	5	81951639	82883691
9749	5	81951639	82954942
9750	5	81951639	82971688
9751	5	81951639	83023965
9752	5	81951639	83094205
9753	5	81951639	83146355
9754	5	81951639	83280630
9755	5	81951639	83281412
9756	5	81951639	83400242
9757	5	81951639	83405797
9758	5	81951639	83437132
9759	5	81951639	83522252
9760	5	81951639	83560095
9761	5	81951639	83560204
9762	5	81951639	83572400
9763	5	81951639	83607661
9764	5	81951639	83745342
9765	5	81951639	83861275
9766	5	81951639	83861633
9767	5	81951639	83865653



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9768	5	81951639	83865914
9769	5	81951639	83865920
9770	5	81951639	83868010
9771	5	81951639	84019752
9772	5	81951639	84065912
9773	5	81951639	84086632
9774	5	81951639	84089603
9775	5	81951639	84104814
9776	5	81951639	84105175
9777	5	81951639	84251635
9778	5	81951639	84252180
9779	5	81951639	84253030
9780	5	81951639	84254208
9781	5	81951639	84314930
9782	5	81951639	84340523
9783	5	81951639	84516340
9784	5	81951639	84706916
9785	5	81951639	84799488
9786	5	81951639	84801081
9787	5	81951639	84824103
9788	5	81951639	84824203
9789	5	81951639	84824816
9790	5	81951639	84825422
9791	5	81951639	84825763
9792	5	81951639	84825942
9793	5	81951639	84843411
9794	5	81951639	84936441

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9795	5	81951639	84936493
9796	5	81951639	84943705
9797	5	81951639	169454950
9798	5	81951639	181522829
9799	5	81951639	204759879
9800	5	81951639	209874191
9801	5	81984901	81265937
9802	5	81984901	81985250
9803	5	81984901	82083752
9804	5	81984901	82101253
9805	5	81984901	82143124
9806	5	81984901	82236318
9807	5	81984901	82325587
9808	5	81984901	82427210
9809	5	81984901	82431853
9810	5	81984901	82446714
9811	5	81984901	82446794
9812	5	81984901	82551111
9813	5	81984901	82552090
9814	5	81984901	82555641
9815	5	81984901	82555670
9816	5	81984901	82556511
9817	5	81984901	82559047
9818	5	81984901	82561535
9819	5	81984901	82610100
9820	5	81984901	82676822
9821	5	81984901	82676901

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9822	5	81984901	82883691
9823	5	81984901	82954942
9824	5	81984901	82971688
9825	5	81984901	83023965
9826	5	81984901	83094205
9827	5	81984901	83146355
9828	5	81984901	83280630
9829	5	81984901	83281412
9830	5	81984901	83400242
9831	5	81984901	83405797
9832	5	81984901	83437132
9833	5	81984901	83522252
9834	5	81984901	83560095
9835	5	81984901	83560204
9836	5	81984901	83572400
9837	5	81984901	83607661
9838	5	81984901	83745342
9839	5	81984901	83861275
9840	5	81984901	83861633
9841	5	81984901	83865653
9842	5	81984901	83865914
9843	5	81984901	83865920
9844	5	81984901	83868010
9845	5	81984901	84019752
9846	5	81984901	84065912
9847	5	81984901	84086632
9848	5	81984901	84089603

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9849	5	81984901	84104814
9850	5	81984901	84105175
9851	5	81984901	84251635
9852	5	81984901	84252180
9853	5	81984901	84253030
9854	5	81984901	84254208
9855	5	81984901	84314930
9856	5	81984901	84340523
9857	5	81984901	84516340
9858	5	81984901	84706916
9859	5	81984901	84799488
9860	5	81984901	84801081
9861	5	81984901	84824103
9862	5	81984901	84824203
9863	5	81984901	84824816
9864	5	81984901	84825422
9865	5	81984901	84825763
9866	5	81984901	84825942
9867	5	81984901	84843411
9868	5	81984901	84936441
9869	5	81984901	84936493
9870	5	81984901	84943705
9871	5	81984901	169454950
9872	5	81984901	181522829
9873	5	81984901	204759879
9874	5	81984901	209874191
9875	5	82083639	81265937

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9876	5	82083639	82083752
9877	5	82083639	82101253
9878	5	82083639	82143124
9879	5	82083639	82236318
9880	5	82083639	82325587
9881	5	82083639	82427210
9882	5	82083639	82431853
9883	5	82083639	82446714
9884	5	82083639	82446794
9885	5	82083639	82551111
9886	5	82083639	82552090
9887	5	82083639	82555641
9888	5	82083639	82555670
9889	5	82083639	82556511
9890	5	82083639	82559047
9891	5	82083639	82561535
9892	5	82083639	82610100
9893	5	82083639	82676822
9894	5	82083639	82676901
9895	5	82083639	82883691
9896	5	82083639	82954942
9897	5	82083639	82971688
9898	5	82083639	83023965
9899	5	82083639	83094205
9900	5	82083639	83146355
9901	5	82083639	83280630
9902	5	82083639	83281412

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9903	5	82083639	83400242
9904	5	82083639	83405797
9905	5	82083639	83437132
9906	5	82083639	83522252
9907	5	82083639	83560095
9908	5	82083639	83560204
9909	5	82083639	83572400
9910	5	82083639	83607661
9911	5	82083639	83745342
9912	5	82083639	83861275
9913	5	82083639	83861633
9914	5	82083639	83865653
9915	5	82083639	83865914
9916	5	82083639	83865920
9917	5	82083639	83868010
9918	5	82083639	84019752
9919	5	82083639	84065912
9920	5	82083639	84086632
9921	5	82083639	84089603
9922	5	82083639	84104814
9923	5	82083639	84105175
9924	5	82083639	84251635
9925	5	82083639	84252180
9926	5	82083639	84253030
9927	5	82083639	84254208
9928	5	82083639	84314930
9929	5	82083639	84340523

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9930	5	82083639	84516340
9931	5	82083639	84706916
9932	5	82083639	84799488
9933	5	82083639	84801081
9934	5	82083639	84824103
9935	5	82083639	84824203
9936	5	82083639	84824816
9937	5	82083639	84825422
9938	5	82083639	84825763
9939	5	82083639	84825942
9940	5	82083639	84843411
9941	5	82083639	84936441
9942	5	82083639	84936493
9943	5	82083639	84943705
9944	5	82083639	169454950
9945	5	82083639	181522829
9946	5	82083639	204759879
9947	5	82083639	209874191
9948	5	82083752	81265937
9949	5	82083752	82137780
9950	5	82083752	82143124
9951	5	82083752	82236318
9952	5	82083752	82325587
9953	5	82083752	82427210
9954	5	82083752	82431853
9955	5	82083752	82446714
9956	5	82083752	82446794

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9957	5	82083752	82551111
9958	5	82083752	82552090
9959	5	82083752	82555641
9960	5	82083752	82555670
9961	5	82083752	82556511
9962	5	82083752	82559047
9963	5	82083752	82561535
9964	5	82083752	82610100
9965	5	82083752	82676822
9966	5	82083752	82676901
9967	5	82083752	82883691
9968	5	82083752	82954942
9969	5	82083752	82971688
9970	5	82083752	83023965
9971	5	82083752	83094205
9972	5	82083752	83146355
9973	5	82083752	83280630
9974	5	82083752	83281412
9975	5	82083752	83400242
9976	5	82083752	83405797
9977	5	82083752	83437132
9978	5	82083752	83522252
9979	5	82083752	83560095
9980	5	82083752	83560204
9981	5	82083752	83572400
9982	5	82083752	83607661
9983	5	82083752	83745342



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
9984	5	82083752	83861275
9985	5	82083752	83861633
9986	5	82083752	83865653
9987	5	82083752	83865914
9988	5	82083752	83865920
9989	5	82083752	83868010
9990	5	82083752	84019752
9991	5	82083752	84065912
9992	5	82083752	84086632
9993	5	82083752	84089603
9994	5	82083752	84104814
9995	5	82083752	84105175
9996	5	82083752	84251635
9997	5	82083752	84252180
9998	5	82083752	84253030
9999	5	82083752	84254208
10000	5	82083752	84314930
10001	5	82083752	84340523
10002	5	82083752	84516340
10003	5	82083752	84706916
10004	5	82083752	84799488
10005	5	82083752	84801081
10006	5	82083752	84824103
10007	5	82083752	84824203
10008	5	82083752	84824816
10009	5	82083752	84825422
10010	5	82083752	84825763

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10011	5	82083752	84825942
10012	5	82083752	84843411
10013	5	82083752	84936441
10014	5	82083752	84936493
10015	5	82083752	84943705
10016	5	82083752	169454950
10017	5	82083752	181522829
10018	5	82083752	204759879
10019	5	82083752	209874191
10020	5	82137780	81265937
10021	5	82137780	82143124
10022	5	82137780	82236318
10023	5	82137780	82325587
10024	5	82137780	82427210
10025	5	82137780	82431853
10026	5	82137780	82446714
10027	5	82137780	82446794
10028	5	82137780	82551111
10029	5	82137780	82552090
10030	5	82137780	82555641
10031	5	82137780	82555670
10032	5	82137780	82556511
10033	5	82137780	82559047
10034	5	82137780	82561535
10035	5	82137780	82610100
10036	5	82137780	82676822
10037	5	82137780	82676901

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10038	5	82137780	82883691
10039	5	82137780	82954942
10040	5	82137780	82971688
10041	5	82137780	83023965
10042	5	82137780	83094205
10043	5	82137780	83146355
10044	5	82137780	83280630
10045	5	82137780	83281412
10046	5	82137780	83400242
10047	5	82137780	83405797
10048	5	82137780	83437132
10049	5	82137780	83522252
10050	5	82137780	83560095
10051	5	82137780	83560204
10052	5	82137780	83572400
10053	5	82137780	83607661
10054	5	82137780	83745342
10055	5	82137780	83861275
10056	5	82137780	83861633
10057	5	82137780	83865653
10058	5	82137780	83865914
10059	5	82137780	83865920
10060	5	82137780	83868010
10061	5	82137780	84019752
10062	5	82137780	84065912
10063	5	82137780	84086632
10064	5	82137780	84089603

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10065	5	82137780	84104814
10066	5	82137780	84105175
10067	5	82137780	84251635
10068	5	82137780	84252180
10069	5	82137780	84253030
10070	5	82137780	84254208
10071	5	82137780	84314930
10072	5	82137780	84340523
10073	5	82137780	84516340
10074	5	82137780	84706916
10075	5	82137780	84799488
10076	5	82137780	84801081
10077	5	82137780	84824103
10078	5	82137780	84824203
10079	5	82137780	84824816
10080	5	82137780	84825422
10081	5	82137780	84825763
10082	5	82137780	84825942
10083	5	82137780	84843411
10084	5	82137780	84936441
10085	5	82137780	84936493
10086	5	82137780	84943705
10087	5	82137780	169454950
10088	5	82137780	181522829
10089	5	82137780	204759879
10090	5	82137780	209874191
10091	5	82139338	81265937

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10092	5	82139338	82143124
10093	5	82139338	82236318
10094	5	82139338	82325587
10095	5	82139338	82427210
10096	5	82139338	82431853
10097	5	82139338	82446714
10098	5	82139338	82446794
10099	5	82139338	82551111
10100	5	82139338	82552090
10101	5	82139338	82555641
10102	5	82139338	82555670
10103	5	82139338	82556511
10104	5	82139338	82559047
10105	5	82139338	82561535
10106	5	82139338	82610100
10107	5	82139338	82676822
10108	5	82139338	82676901
10109	5	82139338	82883691
10110	5	82139338	82954942
10111	5	82139338	82971688
10112	5	82139338	83023965
10113	5	82139338	83094205
10114	5	82139338	83146355
10115	5	82139338	83280630
10116	5	82139338	83281412
10117	5	82139338	83400242
10118	5	82139338	83405797

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10119	5	82139338	83437132
10120	5	82139338	83522252
10121	5	82139338	83560095
10122	5	82139338	83560204
10123	5	82139338	83572400
10124	5	82139338	83607661
10125	5	82139338	83745342
10126	5	82139338	83861275
10127	5	82139338	83861633
10128	5	82139338	83865653
10129	5	82139338	83865914
10130	5	82139338	83865920
10131	5	82139338	83868010
10132	5	82139338	84019752
10133	5	82139338	84065912
10134	5	82139338	84086632
10135	5	82139338	84089603
10136	5	82139338	84104814
10137	5	82139338	84105175
10138	5	82139338	84251635
10139	5	82139338	84252180
10140	5	82139338	84253030
10141	5	82139338	84254208
10142	5	82139338	84314930
10143	5	82139338	84340523
10144	5	82139338	84516340
10145	5	82139338	84706916

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10146	5	82139338	84799488
10147	5	82139338	84801081
10148	5	82139338	84824103
10149	5	82139338	84824203
10150	5	82139338	84824816
10151	5	82139338	84825422
10152	5	82139338	84825763
10153	5	82139338	84825942
10154	5	82139338	84843411
10155	5	82139338	84936441
10156	5	82139338	84936493
10157	5	82139338	84943705
10158	5	82139338	169454950
10159	5	82139338	181522829
10160	5	82139338	204759879
10161	5	82139338	209874191
10162	5	82234311	81265937
10163	5	82234311	82236318
10164	5	82234311	82325587
10165	5	82234311	82427210
10166	5	82234311	82431853
10167	5	82234311	82446714
10168	5	82234311	82446794
10169	5	82234311	82551111
10170	5	82234311	82552090
10171	5	82234311	82555641
10172	5	82234311	82555670

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10173	5	82234311	82556511
10174	5	82234311	82559047
10175	5	82234311	82561535
10176	5	82234311	82610100
10177	5	82234311	82676822
10178	5	82234311	82676901
10179	5	82234311	82883691
10180	5	82234311	82954942
10181	5	82234311	82971688
10182	5	82234311	83023965
10183	5	82234311	83094205
10184	5	82234311	83146355
10185	5	82234311	83280630
10186	5	82234311	83281412
10187	5	82234311	83400242
10188	5	82234311	83405797
10189	5	82234311	83437132
10190	5	82234311	83522252
10191	5	82234311	83560095
10192	5	82234311	83560204
10193	5	82234311	83572400
10194	5	82234311	83607661
10195	5	82234311	83745342
10196	5	82234311	83861275
10197	5	82234311	83861633
10198	5	82234311	83865653
10199	5	82234311	83865914



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10200	5	82234311	83865920
10201	5	82234311	83868010
10202	5	82234311	84019752
10203	5	82234311	84065912
10204	5	82234311	84086632
10205	5	82234311	84089603
10206	5	82234311	84104814
10207	5	82234311	84105175
10208	5	82234311	84251635
10209	5	82234311	84252180
10210	5	82234311	84253030
10211	5	82234311	84254208
10212	5	82234311	84314930
10213	5	82234311	84340523
10214	5	82234311	84516340
10215	5	82234311	84706916
10216	5	82234311	84799488
10217	5	82234311	84801081
10218	5	82234311	84824103
10219	5	82234311	84824203
10220	5	82234311	84824816
10221	5	82234311	84825422
10222	5	82234311	84825763
10223	5	82234311	84825942
10224	5	82234311	84843411
10225	5	82234311	84936441
10226	5	82234311	84936493

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10227	5	82234311	84943705
10228	5	82234311	169454950
10229	5	82234311	181522829
10230	5	82234311	204759879
10231	5	82234311	209874191
10232	5	82236318	81265937
10233	5	82325587	82423451
10234	5	82325587	82427210
10235	5	82325587	82431853
10236	5	82325587	82446714
10237	5	82325587	82446794
10238	5	82325587	82551111
10239	5	82325587	82552090
10240	5	82325587	82555641
10241	5	82325587	82555670
10242	5	82325587	82556511
10243	5	82325587	82559047
10244	5	82325587	82561535
10245	5	82325587	82610100
10246	5	82325587	82676822
10247	5	82325587	82676901
10248	5	82325587	82883691
10249	5	82325587	82954942
10250	5	82325587	82971688
10251	5	82325587	83023965
10252	5	82325587	83094205
10253	5	82325587	83146355

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10254	5	82325587	83280630
10255	5	82325587	83281412
10256	5	82325587	83400242
10257	5	82325587	83405797
10258	5	82325587	83437132
10259	5	82325587	83522252
10260	5	82325587	83560095
10261	5	82325587	83560204
10262	5	82325587	83572400
10263	5	82325587	83607661
10264	5	82325587	83745342
10265	5	82325587	83861275
10266	5	82325587	83861633
10267	5	82325587	83865653
10268	5	82325587	83865914
10269	5	82325587	83865920
10270	5	82325587	83868010
10271	5	82325587	84019752
10272	5	82325587	84065912
10273	5	82325587	84086632
10274	5	82325587	84089603
10275	5	82325587	84104814
10276	5	82325587	84105175
10277	5	82325587	84251635
10278	5	82325587	84252180
10279	5	82325587	84253030
10280	5	82325587	84254208

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10281	5	82325587	84314930
10282	5	82325587	84340523
10283	5	82325587	84516340
10284	5	82325587	84706916
10285	5	82325587	84799488
10286	5	82325587	84801081
10287	5	82325587	84824103
10288	5	82325587	84824203
10289	5	82325587	84824816
10290	5	82325587	84825422
10291	5	82325587	84825763
10292	5	82325587	84825942
10293	5	82325587	84843411
10294	5	82325587	84936441
10295	5	82325587	84936493
10296	5	82325587	84943705
10297	5	82325587	169454950
10298	5	82325587	181522829
10299	5	82325587	204759879
10300	5	82325587	209874191
10301	5	82423451	82427210
10302	5	82423451	82431853
10303	5	82423451	82446714
10304	5	82423451	82446794
10305	5	82423451	82551111
10306	5	82423451	82552090
10307	5	82423451	82555641

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10308	5	82423451	82555670
10309	5	82423451	82556511
10310	5	82423451	82559047
10311	5	82423451	82561535
10312	5	82423451	82610100
10313	5	82423451	82676822
10314	5	82423451	82676901
10315	5	82423451	82883691
10316	5	82423451	82954942
10317	5	82423451	82971688
10318	5	82423451	83023965
10319	5	82423451	83094205
10320	5	82423451	83146355
10321	5	82423451	83280630
10322	5	82423451	83281412
10323	5	82423451	83400242
10324	5	82423451	83405797
10325	5	82423451	83437132
10326	5	82423451	83522252
10327	5	82423451	83560095
10328	5	82423451	83560204
10329	5	82423451	83572400
10330	5	82423451	83607661
10331	5	82423451	83745342
10332	5	82423451	83861275
10333	5	82423451	83861633
10334	5	82423451	83865653

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10335	5	82423451	83865914
10336	5	82423451	83865920
10337	5	82423451	83868010
10338	5	82423451	84019752
10339	5	82423451	84065912
10340	5	82423451	84086632
10341	5	82423451	84089603
10342	5	82423451	84104814
10343	5	82423451	84105175
10344	5	82423451	84251635
10345	5	82423451	84252180
10346	5	82423451	84253030
10347	5	82423451	84254208
10348	5	82423451	84314930
10349	5	82423451	84340523
10350	5	82423451	84516340
10351	5	82423451	84706916
10352	5	82423451	84799488
10353	5	82423451	84801081
10354	5	82423451	84824103
10355	5	82423451	84824203
10356	5	82423451	84824816
10357	5	82423451	84825422
10358	5	82423451	84825763
10359	5	82423451	84825942
10360	5	82423451	84843411
10361	5	82423451	84936441

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10362	5	82423451	84936493
10363	5	82423451	84943705
10364	5	82423451	169454950
10365	5	82423451	181522829
10366	5	82423451	204759879
10367	5	82423451	209874191
10368	5	82427780	82431853
10369	5	82427780	82446714
10370	5	82427780	82446794
10371	5	82427780	82551111
10372	5	82427780	82552090
10373	5	82427780	82555641
10374	5	82427780	82555670
10375	5	82427780	82556511
10376	5	82427780	82559047
10377	5	82427780	82561535
10378	5	82427780	82610100
10379	5	82427780	82676822
10380	5	82427780	82676901
10381	5	82427780	82883691
10382	5	82427780	82954942
10383	5	82427780	82971688
10384	5	82427780	83023965
10385	5	82427780	83094205
10386	5	82427780	83146355
10387	5	82427780	83280630
10388	5	82427780	83281412

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10389	5	82427780	83400242
10390	5	82427780	83405797
10391	5	82427780	83437132
10392	5	82427780	83522252
10393	5	82427780	83560095
10394	5	82427780	83560204
10395	5	82427780	83572400
10396	5	82427780	83607661
10397	5	82427780	83745342
10398	5	82427780	83861275
10399	5	82427780	83861633
10400	5	82427780	83865653
10401	5	82427780	83865914
10402	5	82427780	83865920
10403	5	82427780	83868010
10404	5	82427780	84019752
10405	5	82427780	84065912
10406	5	82427780	84086632
10407	5	82427780	84089603
10408	5	82427780	84104814
10409	5	82427780	84105175
10410	5	82427780	84251635
10411	5	82427780	84252180
10412	5	82427780	84253030
10413	5	82427780	84254208
10414	5	82427780	84314930
10415	5	82427780	84340523



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10416	5	82427780	84516340
10417	5	82427780	84706916
10418	5	82427780	84799488
10419	5	82427780	84801081
10420	5	82427780	84824103
10421	5	82427780	84824203
10422	5	82427780	84824816
10423	5	82427780	84825422
10424	5	82427780	84825763
10425	5	82427780	84825942
10426	5	82427780	84843411
10427	5	82427780	84936441
10428	5	82427780	84936493
10429	5	82427780	84943705
10430	5	82427780	169454950
10431	5	82427780	181522829
10432	5	82427780	204759879
10433	5	82427780	209874191
10434	5	82443403	82446714
10435	5	82443403	82446794
10436	5	82443403	82551111
10437	5	82443403	82552090
10438	5	82443403	82555641
10439	5	82443403	82555670
10440	5	82443403	82556511
10441	5	82443403	82559047
10442	5	82443403	82561535

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10443	5	82443403	82610100
10444	5	82443403	82676822
10445	5	82443403	82676901
10446	5	82443403	82883691
10447	5	82443403	82954942
10448	5	82443403	82971688
10449	5	82443403	83023965
10450	5	82443403	83094205
10451	5	82443403	83146355
10452	5	82443403	83280630
10453	5	82443403	83281412
10454	5	82443403	83400242
10455	5	82443403	83405797
10456	5	82443403	83437132
10457	5	82443403	83522252
10458	5	82443403	83560095
10459	5	82443403	83560204
10460	5	82443403	83572400
10461	5	82443403	83607661
10462	5	82443403	83745342
10463	5	82443403	83861275
10464	5	82443403	83861633
10465	5	82443403	83865653
10466	5	82443403	83865914
10467	5	82443403	83865920
10468	5	82443403	83868010
10469	5	82443403	84019752

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10470	5	82443403	84065912
10471	5	82443403	84086632
10472	5	82443403	84089603
10473	5	82443403	84104814
10474	5	82443403	84105175
10475	5	82443403	84251635
10476	5	82443403	84252180
10477	5	82443403	84253030
10478	5	82443403	84254208
10479	5	82443403	84314930
10480	5	82443403	84340523
10481	5	82443403	84516340
10482	5	82443403	84706916
10483	5	82443403	84799488
10484	5	82443403	84801081
10485	5	82443403	84824103
10486	5	82443403	84824203
10487	5	82443403	84824816
10488	5	82443403	84825422
10489	5	82443403	84825763
10490	5	82443403	84825942
10491	5	82443403	84843411
10492	5	82443403	84936441
10493	5	82443403	84936493
10494	5	82443403	84943705
10495	5	82443403	169454950
10496	5	82443403	181522829

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10497	5	82443403	204759879
10498	5	82443403	209874191
10499	5	82443815	82446714
10500	5	82443815	82446794
10501	5	82443815	82551111
10502	5	82443815	82552090
10503	5	82443815	82555641
10504	5	82443815	82555670
10505	5	82443815	82556511
10506	5	82443815	82559047
10507	5	82443815	82561535
10508	5	82443815	82610100
10509	5	82443815	82676822
10510	5	82443815	82676901
10511	5	82443815	82883691
10512	5	82443815	82954942
10513	5	82443815	82971688
10514	5	82443815	83023965
10515	5	82443815	83094205
10516	5	82443815	83146355
10517	5	82443815	83280630
10518	5	82443815	83281412
10519	5	82443815	83400242
10520	5	82443815	83405797
10521	5	82443815	83437132
10522	5	82443815	83522252
10523	5	82443815	83560095

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10524	5	82443815	83560204
10525	5	82443815	83572400
10526	5	82443815	83607661
10527	5	82443815	83745342
10528	5	82443815	83861275
10529	5	82443815	83861633
10530	5	82443815	83865653
10531	5	82443815	83865914
10532	5	82443815	83865920
10533	5	82443815	83868010
10534	5	82443815	84019752
10535	5	82443815	84065912
10536	5	82443815	84086632
10537	5	82443815	84089603
10538	5	82443815	84104814
10539	5	82443815	84105175
10540	5	82443815	84251635
10541	5	82443815	84252180
10542	5	82443815	84253030
10543	5	82443815	84254208
10544	5	82443815	84314930
10545	5	82443815	84340523
10546	5	82443815	84516340
10547	5	82443815	84706916
10548	5	82443815	84799488
10549	5	82443815	84801081
10550	5	82443815	84824103

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10551	5	82443815	84824203
10552	5	82443815	84824816
10553	5	82443815	84825422
10554	5	82443815	84825763
10555	5	82443815	84825942
10556	5	82443815	84843411
10557	5	82443815	84936441
10558	5	82443815	84936493
10559	5	82443815	84943705
10560	5	82443815	169454950
10561	5	82443815	181522829
10562	5	82443815	204759879
10563	5	82443815	209874191
10564	5	82443856	82446714
10565	5	82443856	82446794
10566	5	82443856	82551111
10567	5	82443856	82552090
10568	5	82443856	82555641
10569	5	82443856	82555670
10570	5	82443856	82556511
10571	5	82443856	82559047
10572	5	82443856	82561535
10573	5	82443856	82610100
10574	5	82443856	82676822
10575	5	82443856	82676901
10576	5	82443856	82883691
10577	5	82443856	82954942

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10578	5	82443856	82971688
10579	5	82443856	83023965
10580	5	82443856	83094205
10581	5	82443856	83146355
10582	5	82443856	83280630
10583	5	82443856	83281412
10584	5	82443856	83400242
10585	5	82443856	83405797
10586	5	82443856	83437132
10587	5	82443856	83522252
10588	5	82443856	83560095
10589	5	82443856	83560204
10590	5	82443856	83572400
10591	5	82443856	83607661
10592	5	82443856	83745342
10593	5	82443856	83861275
10594	5	82443856	83861633
10595	5	82443856	83865653
10596	5	82443856	83865914
10597	5	82443856	83865920
10598	5	82443856	83868010
10599	5	82443856	84019752
10600	5	82443856	84065912
10601	5	82443856	84086632
10602	5	82443856	84089603
10603	5	82443856	84104814
10604	5	82443856	84105175

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10605	5	82443856	84251635
10606	5	82443856	84252180
10607	5	82443856	84253030
10608	5	82443856	84254208
10609	5	82443856	84314930
10610	5	82443856	84340523
10611	5	82443856	84516340
10612	5	82443856	84706916
10613	5	82443856	84799488
10614	5	82443856	84801081
10615	5	82443856	84824103
10616	5	82443856	84824203
10617	5	82443856	84824816
10618	5	82443856	84825422
10619	5	82443856	84825763
10620	5	82443856	84825942
10621	5	82443856	84843411
10622	5	82443856	84936441
10623	5	82443856	84936493
10624	5	82443856	84943705
10625	5	82443856	169454950
10626	5	82443856	181522829
10627	5	82443856	204759879
10628	5	82443856	209874191
10629	5	82549227	82551111
10630	5	82549227	82552090
10631	5	82549227	82555641



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10632	5	82549227	82555670
10633	5	82549227	82556511
10634	5	82549227	82559047
10635	5	82549227	82561535
10636	5	82549227	82610100
10637	5	82549227	82676822
10638	5	82549227	82676901
10639	5	82549227	82883691
10640	5	82549227	82954942
10641	5	82549227	82971688
10642	5	82549227	83023965
10643	5	82549227	83094205
10644	5	82549227	83146355
10645	5	82549227	83280630
10646	5	82549227	83281412
10647	5	82549227	83400242
10648	5	82549227	83405797
10649	5	82549227	83437132
10650	5	82549227	83522252
10651	5	82549227	83560095
10652	5	82549227	83560204
10653	5	82549227	83572400
10654	5	82549227	83607661
10655	5	82549227	83745342
10656	5	82549227	83861275
10657	5	82549227	83861633
10658	5	82549227	83865653

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10659	5	82549227	83865914
10660	5	82549227	83865920
10661	5	82549227	83868010
10662	5	82549227	84019752
10663	5	82549227	84065912
10664	5	82549227	84086632
10665	5	82549227	84089603
10666	5	82549227	84104814
10667	5	82549227	84105175
10668	5	82549227	84251635
10669	5	82549227	84252180
10670	5	82549227	84253030
10671	5	82549227	84254208
10672	5	82549227	84314930
10673	5	82549227	84340523
10674	5	82549227	84516340
10675	5	82549227	84706916
10676	5	82549227	84799488
10677	5	82549227	84801081
10678	5	82549227	84824103
10679	5	82549227	84824203
10680	5	82549227	84824816
10681	5	82549227	84825422
10682	5	82549227	84825763
10683	5	82549227	84825942
10684	5	82549227	84843411
10685	5	82549227	84936441

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10686	5	82549227	84936493
10687	5	82549227	84943705
10688	5	82549227	169454950
10689	5	82549227	181522829
10690	5	82549227	204759879
10691	5	82549227	209874191
10692	5	82549246	82551111
10693	5	82549246	82552090
10694	5	82549246	82555641
10695	5	82549246	82555670
10696	5	82549246	82556511
10697	5	82549246	82559047
10698	5	82549246	82561535
10699	5	82549246	82610100
10700	5	82549246	82676822
10701	5	82549246	82676901
10702	5	82549246	82883691
10703	5	82549246	82954942
10704	5	82549246	82971688
10705	5	82549246	83023965
10706	5	82549246	83094205
10707	5	82549246	83146355
10708	5	82549246	83280630
10709	5	82549246	83281412
10710	5	82549246	83400242
10711	5	82549246	83405797
10712	5	82549246	83437132

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10713	5	82549246	83522252
10714	5	82549246	83560095
10715	5	82549246	83560204
10716	5	82549246	83572400
10717	5	82549246	83607661
10718	5	82549246	83745342
10719	5	82549246	83861275
10720	5	82549246	83861633
10721	5	82549246	83865653
10722	5	82549246	83865914
10723	5	82549246	83865920
10724	5	82549246	83868010
10725	5	82549246	84019752
10726	5	82549246	84065912
10727	5	82549246	84086632
10728	5	82549246	84089603
10729	5	82549246	84104814
10730	5	82549246	84105175
10731	5	82549246	84251635
10732	5	82549246	84252180
10733	5	82549246	84253030
10734	5	82549246	84254208
10735	5	82549246	84314930
10736	5	82549246	84340523
10737	5	82549246	84516340
10738	5	82549246	84706916
10739	5	82549246	84799488

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10740	5	82549246	84801081
10741	5	82549246	84824103
10742	5	82549246	84824203
10743	5	82549246	84824816
10744	5	82549246	84825422
10745	5	82549246	84825763
10746	5	82549246	84825942
10747	5	82549246	84843411
10748	5	82549246	84936441
10749	5	82549246	84936493
10750	5	82549246	84943705
10751	5	82549246	169454950
10752	5	82549246	181522829
10753	5	82549246	204759879
10754	5	82549246	209874191
10755	5	82549299	82551111
10756	5	82549299	82552090
10757	5	82549299	82555670
10758	5	82549299	82556511
10759	5	82549299	82559047
10760	5	82549299	82561535
10761	5	82549299	82610100
10762	5	82549299	82676822
10763	5	82549299	82676901
10764	5	82549299	82883691
10765	5	82549299	82954942
10766	5	82549299	82971688

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10767	5	82549299	83023965
10768	5	82549299	83094205
10769	5	82549299	83146355
10770	5	82549299	83280630
10771	5	82549299	83281412
10772	5	82549299	83400242
10773	5	82549299	83405797
10774	5	82549299	83437132
10775	5	82549299	83522252
10776	5	82549299	83560095
10777	5	82549299	83560204
10778	5	82549299	83572400
10779	5	82549299	83607661
10780	5	82549299	83745342
10781	5	82549299	83861275
10782	5	82549299	83861633
10783	5	82549299	83865653
10784	5	82549299	83865914
10785	5	82549299	83865920
10786	5	82549299	83868010
10787	5	82549299	84019752
10788	5	82549299	84065912
10789	5	82549299	84086632
10790	5	82549299	84089603
10791	5	82549299	84104814
10792	5	82549299	84105175
10793	5	82549299	84251635

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10794	5	82549299	84252180
10795	5	82549299	84253030
10796	5	82549299	84254208
10797	5	82549299	84314930
10798	5	82549299	84340523
10799	5	82549299	84516340
10800	5	82549299	84706916
10801	5	82549299	84799488
10802	5	82549299	84801081
10803	5	82549299	84824103
10804	5	82549299	84824203
10805	5	82549299	84824816
10806	5	82549299	84825422
10807	5	82549299	84825763
10808	5	82549299	84825942
10809	5	82549299	84843411
10810	5	82549299	84936441
10811	5	82549299	84936493
10812	5	82549299	84943705
10813	5	82549299	169454950
10814	5	82549299	181522829
10815	5	82549299	204759879
10816	5	82549299	209874191
10817	5	82554608	82555670
10818	5	82554608	82556511
10819	5	82554608	82559047
10820	5	82554608	82561535

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10821	5	82554608	82610100
10822	5	82554608	82676822
10823	5	82554608	82676901
10824	5	82554608	82883691
10825	5	82554608	82954942
10826	5	82554608	82971688
10827	5	82554608	83023965
10828	5	82554608	83094205
10829	5	82554608	83146355
10830	5	82554608	83280630
10831	5	82554608	83281412
10832	5	82554608	83400242
10833	5	82554608	83405797
10834	5	82554608	83437132
10835	5	82554608	83522252
10836	5	82554608	83560095
10837	5	82554608	83560204
10838	5	82554608	83572400
10839	5	82554608	83607661
10840	5	82554608	83745342
10841	5	82554608	83861275
10842	5	82554608	83861633
10843	5	82554608	83865653
10844	5	82554608	83865914
10845	5	82554608	83865920
10846	5	82554608	83868010
10847	5	82554608	84019752



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10848	5	82554608	84065912
10849	5	82554608	84086632
10850	5	82554608	84089603
10851	5	82554608	84104814
10852	5	82554608	84105175
10853	5	82554608	84251635
10854	5	82554608	84252180
10855	5	82554608	84253030
10856	5	82554608	84254208
10857	5	82554608	84314930
10858	5	82554608	84340523
10859	5	82554608	84516340
10860	5	82554608	84706916
10861	5	82554608	84799488
10862	5	82554608	84801081
10863	5	82554608	84824103
10864	5	82554608	84824203
10865	5	82554608	84824816
10866	5	82554608	84825422
10867	5	82554608	84825763
10868	5	82554608	84825942
10869	5	82554608	84843411
10870	5	82554608	84936441
10871	5	82554608	84936493
10872	5	82554608	84943705
10873	5	82554608	169454950
10874	5	82554608	181522829

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10875	5	82554608	204759879
10876	5	82554608	209874191
10877	5	82554971	82555670
10878	5	82554971	82556511
10879	5	82554971	82559047
10880	5	82554971	82561535
10881	5	82554971	82610100
10882	5	82554971	82676822
10883	5	82554971	82676901
10884	5	82554971	82883691
10885	5	82554971	82954942
10886	5	82554971	82971688
10887	5	82554971	83023965
10888	5	82554971	83094205
10889	5	82554971	83146355
10890	5	82554971	83280630
10891	5	82554971	83281412
10892	5	82554971	83400242
10893	5	82554971	83405797
10894	5	82554971	83437132
10895	5	82554971	83522252
10896	5	82554971	83560095
10897	5	82554971	83560204
10898	5	82554971	83572400
10899	5	82554971	83607661
10900	5	82554971	83745342
10901	5	82554971	83861275

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10902	5	82554971	83861633
10903	5	82554971	83865653
10904	5	82554971	83865914
10905	5	82554971	83865920
10906	5	82554971	83868010
10907	5	82554971	84019752
10908	5	82554971	84065912
10909	5	82554971	84086632
10910	5	82554971	84089603
10911	5	82554971	84104814
10912	5	82554971	84105175
10913	5	82554971	84251635
10914	5	82554971	84252180
10915	5	82554971	84253030
10916	5	82554971	84254208
10917	5	82554971	84314930
10918	5	82554971	84340523
10919	5	82554971	84516340
10920	5	82554971	84706916
10921	5	82554971	84799488
10922	5	82554971	84801081
10923	5	82554971	84824103
10924	5	82554971	84824203
10925	5	82554971	84824816
10926	5	82554971	84825422
10927	5	82554971	84825763
10928	5	82554971	84825942

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10929	5	82554971	84843411
10930	5	82554971	84936441
10931	5	82554971	84936493
10932	5	82554971	84943705
10933	5	82554971	169454950
10934	5	82554971	181522829
10935	5	82554971	204759879
10936	5	82554971	209874191
10937	5	82556313	82556511
10938	5	82556313	82559047
10939	5	82556313	82561535
10940	5	82556313	82610100
10941	5	82556313	82676822
10942	5	82556313	82676901
10943	5	82556313	82883691
10944	5	82556313	82954942
10945	5	82556313	82971688
10946	5	82556313	83023965
10947	5	82556313	83094205
10948	5	82556313	83146355
10949	5	82556313	83280630
10950	5	82556313	83281412
10951	5	82556313	83400242
10952	5	82556313	83405797
10953	5	82556313	83437132
10954	5	82556313	83522252
10955	5	82556313	83560095

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10956	5	82556313	83560204
10957	5	82556313	83572400
10958	5	82556313	83607661
10959	5	82556313	83745342
10960	5	82556313	83861275
10961	5	82556313	83861633
10962	5	82556313	83865653
10963	5	82556313	83865914
10964	5	82556313	83865920
10965	5	82556313	83868010
10966	5	82556313	84019752
10967	5	82556313	84065912
10968	5	82556313	84086632
10969	5	82556313	84089603
10970	5	82556313	84104814
10971	5	82556313	84105175
10972	5	82556313	84251635
10973	5	82556313	84252180
10974	5	82556313	84253030
10975	5	82556313	84254208
10976	5	82556313	84314930
10977	5	82556313	84340523
10978	5	82556313	84516340
10979	5	82556313	84706916
10980	5	82556313	84799488
10981	5	82556313	84801081
10982	5	82556313	84824103

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
10983	5	82556313	84824203
10984	5	82556313	84824816
10985	5	82556313	84825422
10986	5	82556313	84825763
10987	5	82556313	84825942
10988	5	82556313	84843411
10989	5	82556313	84936441
10990	5	82556313	84936493
10991	5	82556313	84943705
10992	5	82556313	169454950
10993	5	82556313	181522829
10994	5	82556313	204759879
10995	5	82556313	209874191
10996	5	82556337	82556511
10997	5	82556337	82559047
10998	5	82556337	82561535
10999	5	82556337	82610100
11000	5	82556337	82676822
11001	5	82556337	82676901
11002	5	82556337	82883691
11003	5	82556337	82954942
11004	5	82556337	82971688
11005	5	82556337	83023965
11006	5	82556337	83094205
11007	5	82556337	83146355
11008	5	82556337	83280630
11009	5	82556337	83281412

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11010	5	82556337	83400242
11011	5	82556337	83405797
11012	5	82556337	83437132
11013	5	82556337	83522252
11014	5	82556337	83560095
11015	5	82556337	83560204
11016	5	82556337	83572400
11017	5	82556337	83607661
11018	5	82556337	83745342
11019	5	82556337	83861275
11020	5	82556337	83861633
11021	5	82556337	83865653
11022	5	82556337	83865914
11023	5	82556337	83865920
11024	5	82556337	83868010
11025	5	82556337	84019752
11026	5	82556337	84065912
11027	5	82556337	84086632
11028	5	82556337	84089603
11029	5	82556337	84104814
11030	5	82556337	84105175
11031	5	82556337	84251635
11032	5	82556337	84252180
11033	5	82556337	84253030
11034	5	82556337	84254208
11035	5	82556337	84314930
11036	5	82556337	84340523

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11037	5	82556337	84516340
11038	5	82556337	84706916
11039	5	82556337	84799488
11040	5	82556337	84801081
11041	5	82556337	84824103
11042	5	82556337	84824203
11043	5	82556337	84824816
11044	5	82556337	84825422
11045	5	82556337	84825763
11046	5	82556337	84825942
11047	5	82556337	84843411
11048	5	82556337	84936441
11049	5	82556337	84936493
11050	5	82556337	84943705
11051	5	82556337	169454950
11052	5	82556337	181522829
11053	5	82556337	204759879
11054	5	82556337	209874191
11055	5	82556511	82609175
11056	5	82556511	82610100
11057	5	82556511	82676822
11058	5	82556511	82676901
11059	5	82556511	82883691
11060	5	82556511	82954942
11061	5	82556511	82971688
11062	5	82556511	83023965
11063	5	82556511	83094205



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11064	5	82556511	83146355
11065	5	82556511	83280630
11066	5	82556511	83281412
11067	5	82556511	83400242
11068	5	82556511	83405797
11069	5	82556511	83437132
11070	5	82556511	83522252
11071	5	82556511	83560095
11072	5	82556511	83560204
11073	5	82556511	83572400
11074	5	82556511	83607661
11075	5	82556511	83745342
11076	5	82556511	83861275
11077	5	82556511	83861633
11078	5	82556511	83865653
11079	5	82556511	83865914
11080	5	82556511	83865920
11081	5	82556511	83868010
11082	5	82556511	84019752
11083	5	82556511	84065912
11084	5	82556511	84086632
11085	5	82556511	84089603
11086	5	82556511	84104814
11087	5	82556511	84105175
11088	5	82556511	84251635
11089	5	82556511	84252180
11090	5	82556511	84253030

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11091	5	82556511	84254208
11092	5	82556511	84314930
11093	5	82556511	84340523
11094	5	82556511	84516340
11095	5	82556511	84706916
11096	5	82556511	84799488
11097	5	82556511	84801081
11098	5	82556511	84824103
11099	5	82556511	84824203
11100	5	82556511	84824816
11101	5	82556511	84825422
11102	5	82556511	84825763
11103	5	82556511	84825942
11104	5	82556511	84843411
11105	5	82556511	84936441
11106	5	82556511	84936493
11107	5	82556511	84943705
11108	5	82556511	169454950
11109	5	82556511	181522829
11110	5	82556511	204759879
11111	5	82556511	209874191
11112	5	82609175	82610100
11113	5	82609175	82676822
11114	5	82609175	82676901
11115	5	82609175	82883691
11116	5	82609175	82954942
11117	5	82609175	82971688

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11118	5	82609175	83023965
11119	5	82609175	83094205
11120	5	82609175	83146355
11121	5	82609175	83280630
11122	5	82609175	83281412
11123	5	82609175	83400242
11124	5	82609175	83405797
11125	5	82609175	83437132
11126	5	82609175	83522252
11127	5	82609175	83560095
11128	5	82609175	83560204
11129	5	82609175	83572400
11130	5	82609175	83607661
11131	5	82609175	83745342
11132	5	82609175	83861275
11133	5	82609175	83861633
11134	5	82609175	83865653
11135	5	82609175	83865914
11136	5	82609175	83865920
11137	5	82609175	83868010
11138	5	82609175	84019752
11139	5	82609175	84065912
11140	5	82609175	84086632
11141	5	82609175	84089603
11142	5	82609175	84104814
11143	5	82609175	84105175
11144	5	82609175	84251635

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11145	5	82609175	84252180
11146	5	82609175	84253030
11147	5	82609175	84254208
11148	5	82609175	84314930
11149	5	82609175	84340523
11150	5	82609175	84516340
11151	5	82609175	84706916
11152	5	82609175	84799488
11153	5	82609175	84801081
11154	5	82609175	84824103
11155	5	82609175	84824203
11156	5	82609175	84824816
11157	5	82609175	84825422
11158	5	82609175	84825763
11159	5	82609175	84825942
11160	5	82609175	84843411
11161	5	82609175	84936441
11162	5	82609175	84936493
11163	5	82609175	84943705
11164	5	82609175	169454950
11165	5	82609175	181522829
11166	5	82609175	204759879
11167	5	82609175	209874191
11168	5	82675654	82676822
11169	5	82675654	82676901
11170	5	82675654	82883691
11171	5	82675654	82954942

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11172	5	82675654	82971688
11173	5	82675654	83023965
11174	5	82675654	83094205
11175	5	82675654	83146355
11176	5	82675654	83280630
11177	5	82675654	83281412
11178	5	82675654	83400242
11179	5	82675654	83405797
11180	5	82675654	83437132
11181	5	82675654	83522252
11182	5	82675654	83560095
11183	5	82675654	83560204
11184	5	82675654	83572400
11185	5	82675654	83607661
11186	5	82675654	83745342
11187	5	82675654	83861275
11188	5	82675654	83861633
11189	5	82675654	83865653
11190	5	82675654	83865914
11191	5	82675654	83865920
11192	5	82675654	83868010
11193	5	82675654	84019752
11194	5	82675654	84065912
11195	5	82675654	84086632
11196	5	82675654	84089603
11197	5	82675654	84104814
11198	5	82675654	84105175

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11199	5	82675654	84251635
11200	5	82675654	84252180
11201	5	82675654	84253030
11202	5	82675654	84254208
11203	5	82675654	84314930
11204	5	82675654	84340523
11205	5	82675654	84516340
11206	5	82675654	84706916
11207	5	82675654	84799488
11208	5	82675654	84801081
11209	5	82675654	84824103
11210	5	82675654	84824203
11211	5	82675654	84824816
11212	5	82675654	84825422
11213	5	82675654	84825763
11214	5	82675654	84825942
11215	5	82675654	84843411
11216	5	82675654	84936441
11217	5	82675654	84936493
11218	5	82675654	84943705
11219	5	82675654	169454950
11220	5	82675654	181522829
11221	5	82675654	204759879
11222	5	82675654	209874191
11223	5	82675825	82676822
11224	5	82675825	82676901
11225	5	82675825	82883691

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11226	5	82675825	82954942
11227	5	82675825	82971688
11228	5	82675825	83023965
11229	5	82675825	83094205
11230	5	82675825	83146355
11231	5	82675825	83280630
11232	5	82675825	83281412
11233	5	82675825	83400242
11234	5	82675825	83405797
11235	5	82675825	83437132
11236	5	82675825	83522252
11237	5	82675825	83560095
11238	5	82675825	83560204
11239	5	82675825	83572400
11240	5	82675825	83607661
11241	5	82675825	83745342
11242	5	82675825	83861275
11243	5	82675825	83861633
11244	5	82675825	83865653
11245	5	82675825	83865914
11246	5	82675825	83865920
11247	5	82675825	83868010
11248	5	82675825	84019752
11249	5	82675825	84065912
11250	5	82675825	84086632
11251	5	82675825	84089603
11252	5	82675825	84104814

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11253	5	82675825	84105175
11254	5	82675825	84251635
11255	5	82675825	84252180
11256	5	82675825	84253030
11257	5	82675825	84254208
11258	5	82675825	84314930
11259	5	82675825	84340523
11260	5	82675825	84516340
11261	5	82675825	84706916
11262	5	82675825	84799488
11263	5	82675825	84801081
11264	5	82675825	84824103
11265	5	82675825	84824203
11266	5	82675825	84824816
11267	5	82675825	84825422
11268	5	82675825	84825763
11269	5	82675825	84825942
11270	5	82675825	84843411
11271	5	82675825	84936441
11272	5	82675825	84936493
11273	5	82675825	84943705
11274	5	82675825	169454950
11275	5	82675825	181522829
11276	5	82675825	204759879
11277	5	82675825	209874191
11278	5	82882273	82883691
11279	5	82882273	82954942



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11280	5	82882273	82971688
11281	5	82882273	83023965
11282	5	82882273	83094205
11283	5	82882273	83146355
11284	5	82882273	83280630
11285	5	82882273	83281412
11286	5	82882273	83400242
11287	5	82882273	83405797
11288	5	82882273	83437132
11289	5	82882273	83522252
11290	5	82882273	83560095
11291	5	82882273	83560204
11292	5	82882273	83572400
11293	5	82882273	83607661
11294	5	82882273	83745342
11295	5	82882273	83861275
11296	5	82882273	83861633
11297	5	82882273	83865653
11298	5	82882273	83865914
11299	5	82882273	83865920
11300	5	82882273	83868010
11301	5	82882273	84019752
11302	5	82882273	84065912
11303	5	82882273	84086632
11304	5	82882273	84089603
11305	5	82882273	84104814
11306	5	82882273	84105175

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11307	5	82882273	84251635
11308	5	82882273	84252180
11309	5	82882273	84253030
11310	5	82882273	84254208
11311	5	82882273	84314930
11312	5	82882273	84340523
11313	5	82882273	84516340
11314	5	82882273	84706916
11315	5	82882273	84799488
11316	5	82882273	84801081
11317	5	82882273	84824103
11318	5	82882273	84824203
11319	5	82882273	84824816
11320	5	82882273	84825422
11321	5	82882273	84825763
11322	5	82882273	84825942
11323	5	82882273	84843411
11324	5	82882273	84936441
11325	5	82882273	84936493
11326	5	82882273	84943705
11327	5	82882273	169454950
11328	5	82882273	181522829
11329	5	82882273	204759879
11330	5	82882273	209874191
11331	5	82953053	82954942
11332	5	82953053	82971688
11333	5	82953053	83023965

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11334	5	82953053	83094205
11335	5	82953053	83146355
11336	5	82953053	83280630
11337	5	82953053	83281412
11338	5	82953053	83400242
11339	5	82953053	83405797
11340	5	82953053	83437132
11341	5	82953053	83522252
11342	5	82953053	83560095
11343	5	82953053	83560204
11344	5	82953053	83572400
11345	5	82953053	83607661
11346	5	82953053	83745342
11347	5	82953053	83861275
11348	5	82953053	83861633
11349	5	82953053	83865653
11350	5	82953053	83865914
11351	5	82953053	83865920
11352	5	82953053	83868010
11353	5	82953053	84019752
11354	5	82953053	84065912
11355	5	82953053	84086632
11356	5	82953053	84089603
11357	5	82953053	84104814
11358	5	82953053	84105175
11359	5	82953053	84251635
11360	5	82953053	84252180

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11361	5	82953053	84253030
11362	5	82953053	84254208
11363	5	82953053	84314930
11364	5	82953053	84340523
11365	5	82953053	84516340
11366	5	82953053	84706916
11367	5	82953053	84799488
11368	5	82953053	84801081
11369	5	82953053	84824103
11370	5	82953053	84824203
11371	5	82953053	84824816
11372	5	82953053	84825422
11373	5	82953053	84825763
11374	5	82953053	84825942
11375	5	82953053	84843411
11376	5	82953053	84936441
11377	5	82953053	84936493
11378	5	82953053	84943705
11379	5	82953053	169454950
11380	5	82953053	181522829
11381	5	82953053	204759879
11382	5	82953053	209874191
11383	5	82971168	82971688
11384	5	82971168	83023965
11385	5	82971168	83094205
11386	5	82971168	83146355
11387	5	82971168	83280630

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11388	5	82971168	83281412
11389	5	82971168	83400242
11390	5	82971168	83405797
11391	5	82971168	83437132
11392	5	82971168	83522252
11393	5	82971168	83560095
11394	5	82971168	83560204
11395	5	82971168	83572400
11396	5	82971168	83607661
11397	5	82971168	83745342
11398	5	82971168	83861275
11399	5	82971168	83861633
11400	5	82971168	83865653
11401	5	82971168	83865914
11402	5	82971168	83865920
11403	5	82971168	83868010
11404	5	82971168	84019752
11405	5	82971168	84065912
11406	5	82971168	84086632
11407	5	82971168	84089603
11408	5	82971168	84104814
11409	5	82971168	84105175
11410	5	82971168	84251635
11411	5	82971168	84252180
11412	5	82971168	84253030
11413	5	82971168	84254208
11414	5	82971168	84314930

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11415	5	82971168	84340523
11416	5	82971168	84516340
11417	5	82971168	84706916
11418	5	82971168	84799488
11419	5	82971168	84801081
11420	5	82971168	84824103
11421	5	82971168	84824203
11422	5	82971168	84824816
11423	5	82971168	84825422
11424	5	82971168	84825763
11425	5	82971168	84825942
11426	5	82971168	84843411
11427	5	82971168	84936441
11428	5	82971168	84936493
11429	5	82971168	84943705
11430	5	82971168	169454950
11431	5	82971168	181522829
11432	5	82971168	204759879
11433	5	82971168	209874191
11434	5	83023500	83023965
11435	5	83023500	83094205
11436	5	83023500	83146355
11437	5	83023500	83280630
11438	5	83023500	83281412
11439	5	83023500	83400242
11440	5	83023500	83405797
11441	5	83023500	83437132

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11442	5	83023500	83522252
11443	5	83023500	83560095
11444	5	83023500	83560204
11445	5	83023500	83572400
11446	5	83023500	83607661
11447	5	83023500	83745342
11448	5	83023500	83861275
11449	5	83023500	83861633
11450	5	83023500	83865653
11451	5	83023500	83865914
11452	5	83023500	83865920
11453	5	83023500	83868010
11454	5	83023500	84019752
11455	5	83023500	84065912
11456	5	83023500	84086632
11457	5	83023500	84089603
11458	5	83023500	84104814
11459	5	83023500	84105175
11460	5	83023500	84251635
11461	5	83023500	84252180
11462	5	83023500	84253030
11463	5	83023500	84254208
11464	5	83023500	84314930
11465	5	83023500	84340523
11466	5	83023500	84516340
11467	5	83023500	84706916
11468	5	83023500	84799488

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11469	5	83023500	84801081
11470	5	83023500	84824103
11471	5	83023500	84824203
11472	5	83023500	84824816
11473	5	83023500	84825422
11474	5	83023500	84825763
11475	5	83023500	84825942
11476	5	83023500	84843411
11477	5	83023500	84936441
11478	5	83023500	84936493
11479	5	83023500	84943705
11480	5	83023500	169454950
11481	5	83023500	181522829
11482	5	83023500	204759879
11483	5	83023500	209874191
11484	5	83093332	83094205
11485	5	83093332	83146355
11486	5	83093332	83280630
11487	5	83093332	83281412
11488	5	83093332	83400242
11489	5	83093332	83405797
11490	5	83093332	83437132
11491	5	83093332	83522252
11492	5	83093332	83560095
11493	5	83093332	83560204
11494	5	83093332	83572400
11495	5	83093332	83607661



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11496	5	83093332	83745342
11497	5	83093332	83861275
11498	5	83093332	83861633
11499	5	83093332	83865653
11500	5	83093332	83865914
11501	5	83093332	83865920
11502	5	83093332	83868010
11503	5	83093332	84019752
11504	5	83093332	84065912
11505	5	83093332	84086632
11506	5	83093332	84089603
11507	5	83093332	84104814
11508	5	83093332	84105175
11509	5	83093332	84251635
11510	5	83093332	84252180
11511	5	83093332	84253030
11512	5	83093332	84254208
11513	5	83093332	84314930
11514	5	83093332	84340523
11515	5	83093332	84516340
11516	5	83093332	84706916
11517	5	83093332	84799488
11518	5	83093332	84801081
11519	5	83093332	84824103
11520	5	83093332	84824203
11521	5	83093332	84824816
11522	5	83093332	84825422

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11523	5	83093332	84825763
11524	5	83093332	84825942
11525	5	83093332	84843411
11526	5	83093332	84936441
11527	5	83093332	84936493
11528	5	83093332	84943705
11529	5	83093332	169454950
11530	5	83093332	181522829
11531	5	83093332	204759879
11532	5	83093332	209874191
11533	5	83145879	83146355
11534	5	83145879	83280630
11535	5	83145879	83281412
11536	5	83145879	83400242
11537	5	83145879	83405797
11538	5	83145879	83437132
11539	5	83145879	83522252
11540	5	83145879	83560095
11541	5	83145879	83560204
11542	5	83145879	83572400
11543	5	83145879	83607661
11544	5	83145879	83745342
11545	5	83145879	83861275
11546	5	83145879	83861633
11547	5	83145879	83865653
11548	5	83145879	83865914
11549	5	83145879	83865920

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11550	5	83145879	83868010
11551	5	83145879	84019752
11552	5	83145879	84065912
11553	5	83145879	84086632
11554	5	83145879	84089603
11555	5	83145879	84104814
11556	5	83145879	84105175
11557	5	83145879	84251635
11558	5	83145879	84252180
11559	5	83145879	84253030
11560	5	83145879	84254208
11561	5	83145879	84314930
11562	5	83145879	84340523
11563	5	83145879	84516340
11564	5	83145879	84706916
11565	5	83145879	84799488
11566	5	83145879	84801081
11567	5	83145879	84824103
11568	5	83145879	84824203
11569	5	83145879	84824816
11570	5	83145879	84825422
11571	5	83145879	84825763
11572	5	83145879	84825942
11573	5	83145879	84843411
11574	5	83145879	84936441
11575	5	83145879	84936493
11576	5	83145879	84943705

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11577	5	83145879	169454950
11578	5	83145879	181522829
11579	5	83145879	204759879
11580	5	83145879	209874191
11581	5	83277783	83280630
11582	5	83277783	83281412
11583	5	83277783	83400242
11584	5	83277783	83405797
11585	5	83277783	83437132
11586	5	83277783	83522252
11587	5	83277783	83560095
11588	5	83277783	83560204
11589	5	83277783	83572400
11590	5	83277783	83607661
11591	5	83277783	83745342
11592	5	83277783	83861275
11593	5	83277783	83861633
11594	5	83277783	83865653
11595	5	83277783	83865914
11596	5	83277783	83865920
11597	5	83277783	83868010
11598	5	83277783	84019752
11599	5	83277783	84065912
11600	5	83277783	84086632
11601	5	83277783	84089603
11602	5	83277783	84104814
11603	5	83277783	84105175

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11604	5	83277783	84251635
11605	5	83277783	84252180
11606	5	83277783	84253030
11607	5	83277783	84254208
11608	5	83277783	84314930
11609	5	83277783	84340523
11610	5	83277783	84516340
11611	5	83277783	84706916
11612	5	83277783	84799488
11613	5	83277783	84801081
11614	5	83277783	84824103
11615	5	83277783	84824203
11616	5	83277783	84824816
11617	5	83277783	84825422
11618	5	83277783	84825763
11619	5	83277783	84825942
11620	5	83277783	84843411
11621	5	83277783	84936441
11622	5	83277783	84936493
11623	5	83277783	84943705
11624	5	83277783	169454950
11625	5	83277783	181522829
11626	5	83277783	204759879
11627	5	83277783	209874191
11628	5	83277785	83280630
11629	5	83277785	83281412
11630	5	83277785	83400242

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11631	5	83277785	83405797
11632	5	83277785	83437132
11633	5	83277785	83522252
11634	5	83277785	83560095
11635	5	83277785	83560204
11636	5	83277785	83572400
11637	5	83277785	83607661
11638	5	83277785	83745342
11639	5	83277785	83861275
11640	5	83277785	83861633
11641	5	83277785	83865653
11642	5	83277785	83865914
11643	5	83277785	83865920
11644	5	83277785	83868010
11645	5	83277785	84019752
11646	5	83277785	84065912
11647	5	83277785	84086632
11648	5	83277785	84089603
11649	5	83277785	84104814
11650	5	83277785	84105175
11651	5	83277785	84251635
11652	5	83277785	84252180
11653	5	83277785	84253030
11654	5	83277785	84254208
11655	5	83277785	84314930
11656	5	83277785	84340523
11657	5	83277785	84516340

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11658	5	83277785	84706916
11659	5	83277785	84799488
11660	5	83277785	84801081
11661	5	83277785	84824103
11662	5	83277785	84824203
11663	5	83277785	84824816
11664	5	83277785	84825422
11665	5	83277785	84825763
11666	5	83277785	84825942
11667	5	83277785	84843411
11668	5	83277785	84936441
11669	5	83277785	84936493
11670	5	83277785	84943705
11671	5	83277785	169454950
11672	5	83277785	181522829
11673	5	83277785	204759879
11674	5	83277785	209874191
11675	5	83279034	83280630
11676	5	83279034	83281412
11677	5	83279034	83400242
11678	5	83279034	83405797
11679	5	83279034	83437132
11680	5	83279034	83522252
11681	5	83279034	83560095
11682	5	83279034	83560204
11683	5	83279034	83572400
11684	5	83279034	83607661

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11685	5	83279034	83745342
11686	5	83279034	83861275
11687	5	83279034	83861633
11688	5	83279034	83865653
11689	5	83279034	83865914
11690	5	83279034	83865920
11691	5	83279034	83868010
11692	5	83279034	84019752
11693	5	83279034	84065912
11694	5	83279034	84086632
11695	5	83279034	84089603
11696	5	83279034	84104814
11697	5	83279034	84105175
11698	5	83279034	84251635
11699	5	83279034	84252180
11700	5	83279034	84253030
11701	5	83279034	84254208
11702	5	83279034	84314930
11703	5	83279034	84340523
11704	5	83279034	84516340
11705	5	83279034	84706916
11706	5	83279034	84799488
11707	5	83279034	84801081
11708	5	83279034	84824103
11709	5	83279034	84824203
11710	5	83279034	84824816
11711	5	83279034	84825422



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11712	5	83279034	84825763
11713	5	83279034	84825942
11714	5	83279034	84843411
11715	5	83279034	84936441
11716	5	83279034	84936493
11717	5	83279034	84943705
11718	5	83279034	169454950
11719	5	83279034	181522829
11720	5	83279034	204759879
11721	5	83279034	209874191
11722	5	83397014	83400242
11723	5	83397014	83405797
11724	5	83397014	83437132
11725	5	83397014	83522252
11726	5	83397014	83560095
11727	5	83397014	83560204
11728	5	83397014	83572400
11729	5	83397014	83607661
11730	5	83397014	83745342
11731	5	83397014	83861275
11732	5	83397014	83861633
11733	5	83397014	83865653
11734	5	83397014	83865914
11735	5	83397014	83865920
11736	5	83397014	83868010
11737	5	83397014	84019752
11738	5	83397014	84065912

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11739	5	83397014	84086632
11740	5	83397014	84089603
11741	5	83397014	84104814
11742	5	83397014	84105175
11743	5	83397014	84251635
11744	5	83397014	84252180
11745	5	83397014	84253030
11746	5	83397014	84254208
11747	5	83397014	84314930
11748	5	83397014	84340523
11749	5	83397014	84516340
11750	5	83397014	84706916
11751	5	83397014	84799488
11752	5	83397014	84801081
11753	5	83397014	84824103
11754	5	83397014	84824203
11755	5	83397014	84824816
11756	5	83397014	84825422
11757	5	83397014	84825763
11758	5	83397014	84825942
11759	5	83397014	84843411
11760	5	83397014	84936441
11761	5	83397014	84936493
11762	5	83397014	84943705
11763	5	83397014	169454950
11764	5	83397014	181522829
11765	5	83397014	204759879

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11766	5	83397014	209874191
11767	5	83402967	83405797
11768	5	83402967	83437132
11769	5	83402967	83522252
11770	5	83402967	83560095
11771	5	83402967	83560204
11772	5	83402967	83572400
11773	5	83402967	83607661
11774	5	83402967	83745342
11775	5	83402967	83861275
11776	5	83402967	83861633
11777	5	83402967	83865653
11778	5	83402967	83865914
11779	5	83402967	83865920
11780	5	83402967	83868010
11781	5	83402967	84019752
11782	5	83402967	84065912
11783	5	83402967	84086632
11784	5	83402967	84089603
11785	5	83402967	84104814
11786	5	83402967	84105175
11787	5	83402967	84251635
11788	5	83402967	84252180
11789	5	83402967	84253030
11790	5	83402967	84254208
11791	5	83402967	84314930
11792	5	83402967	84340523

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11793	5	83402967	84516340
11794	5	83402967	84706916
11795	5	83402967	84799488
11796	5	83402967	84801081
11797	5	83402967	84824103
11798	5	83402967	84824203
11799	5	83402967	84824816
11800	5	83402967	84825422
11801	5	83402967	84825763
11802	5	83402967	84825942
11803	5	83402967	84843411
11804	5	83402967	84936441
11805	5	83402967	84936493
11806	5	83402967	84943705
11807	5	83402967	169454950
11808	5	83402967	181522829
11809	5	83402967	204759879
11810	5	83402967	209874191
11811	5	83435480	83437132
11812	5	83435480	83522252
11813	5	83435480	83560095
11814	5	83435480	83560204
11815	5	83435480	83572400
11816	5	83435480	83607661
11817	5	83435480	83745342
11818	5	83435480	83861275
11819	5	83435480	83861633

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11820	5	83435480	83865653
11821	5	83435480	83865914
11822	5	83435480	83865920
11823	5	83435480	83868010
11824	5	83435480	84019752
11825	5	83435480	84065912
11826	5	83435480	84086632
11827	5	83435480	84089603
11828	5	83435480	84104814
11829	5	83435480	84105175
11830	5	83435480	84251635
11831	5	83435480	84252180
11832	5	83435480	84253030
11833	5	83435480	84254208
11834	5	83435480	84314930
11835	5	83435480	84340523
11836	5	83435480	84516340
11837	5	83435480	84706916
11838	5	83435480	84799488
11839	5	83435480	84801081
11840	5	83435480	84824103
11841	5	83435480	84824203
11842	5	83435480	84824816
11843	5	83435480	84825422
11844	5	83435480	84825763
11845	5	83435480	84825942
11846	5	83435480	84843411

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11847	5	83435480	84936441
11848	5	83435480	84936493
11849	5	83435480	84943705
11850	5	83435480	169454950
11851	5	83435480	181522829
11852	5	83435480	204759879
11853	5	83435480	209874191
11854	5	83521923	83522252
11855	5	83521923	83560095
11856	5	83521923	83560204
11857	5	83521923	83572400
11858	5	83521923	83607661
11859	5	83521923	83745342
11860	5	83521923	83861275
11861	5	83521923	83861633
11862	5	83521923	83865653
11863	5	83521923	83865914
11864	5	83521923	83865920
11865	5	83521923	83868010
11866	5	83521923	84019752
11867	5	83521923	84065912
11868	5	83521923	84086632
11869	5	83521923	84089603
11870	5	83521923	84104814
11871	5	83521923	84105175
11872	5	83521923	84251635
11873	5	83521923	84252180

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11874	5	83521923	84253030
11875	5	83521923	84254208
11876	5	83521923	84314930
11877	5	83521923	84340523
11878	5	83521923	84516340
11879	5	83521923	84706916
11880	5	83521923	84799488
11881	5	83521923	84801081
11882	5	83521923	84824103
11883	5	83521923	84824203
11884	5	83521923	84824816
11885	5	83521923	84825422
11886	5	83521923	84825763
11887	5	83521923	84825942
11888	5	83521923	84843411
11889	5	83521923	84936441
11890	5	83521923	84936493
11891	5	83521923	84943705
11892	5	83521923	169454950
11893	5	83521923	181522829
11894	5	83521923	204759879
11895	5	83521923	209874191
11896	5	83557023	83560095
11897	5	83557023	83560204
11898	5	83557023	83572400
11899	5	83557023	83607661
11900	5	83557023	83745342

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11901	5	83557023	83861275
11902	5	83557023	83861633
11903	5	83557023	83865653
11904	5	83557023	83865914
11905	5	83557023	83865920
11906	5	83557023	83868010
11907	5	83557023	84019752
11908	5	83557023	84065912
11909	5	83557023	84086632
11910	5	83557023	84089603
11911	5	83557023	84104814
11912	5	83557023	84105175
11913	5	83557023	84251635
11914	5	83557023	84252180
11915	5	83557023	84253030
11916	5	83557023	84254208
11917	5	83557023	84314930
11918	5	83557023	84340523
11919	5	83557023	84516340
11920	5	83557023	84706916
11921	5	83557023	84799488
11922	5	83557023	84801081
11923	5	83557023	84824103
11924	5	83557023	84824203
11925	5	83557023	84824816
11926	5	83557023	84825422
11927	5	83557023	84825763



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11928	5	83557023	84825942
11929	5	83557023	84843411
11930	5	83557023	84936441
11931	5	83557023	84936493
11932	5	83557023	84943705
11933	5	83557023	169454950
11934	5	83557023	181522829
11935	5	83557023	204759879
11936	5	83557023	209874191
11937	5	83560204	83567769
11938	5	83560204	83572400
11939	5	83560204	83607661
11940	5	83560204	83745342
11941	5	83560204	83861275
11942	5	83560204	83861633
11943	5	83560204	83865653
11944	5	83560204	83865914
11945	5	83560204	83865920
11946	5	83560204	83868010
11947	5	83560204	84019752
11948	5	83560204	84065912
11949	5	83560204	84086632
11950	5	83560204	84089603
11951	5	83560204	84104814
11952	5	83560204	84105175
11953	5	83560204	84251635
11954	5	83560204	84252180

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11955	5	83560204	84253030
11956	5	83560204	84254208
11957	5	83560204	84314930
11958	5	83560204	84340523
11959	5	83560204	84516340
11960	5	83560204	84706916
11961	5	83560204	84799488
11962	5	83560204	84801081
11963	5	83560204	84824103
11964	5	83560204	84824203
11965	5	83560204	84824816
11966	5	83560204	84825422
11967	5	83560204	84825763
11968	5	83560204	84825942
11969	5	83560204	84843411
11970	5	83560204	84936441
11971	5	83560204	84936493
11972	5	83560204	84943705
11973	5	83560204	169454950
11974	5	83560204	181522829
11975	5	83560204	204759879
11976	5	83560204	209874191
11977	5	83567769	83572400
11978	5	83567769	83607661
11979	5	83567769	83745342
11980	5	83567769	83861275
11981	5	83567769	83861633

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
11982	5	83567769	83865653
11983	5	83567769	83865914
11984	5	83567769	83865920
11985	5	83567769	83868010
11986	5	83567769	84019752
11987	5	83567769	84065912
11988	5	83567769	84086632
11989	5	83567769	84089603
11990	5	83567769	84104814
11991	5	83567769	84105175
11992	5	83567769	84251635
11993	5	83567769	84252180
11994	5	83567769	84253030
11995	5	83567769	84254208
11996	5	83567769	84314930
11997	5	83567769	84340523
11998	5	83567769	84516340
11999	5	83567769	84706916
12000	5	83567769	84799488
12001	5	83567769	84801081
12002	5	83567769	84824103
12003	5	83567769	84824203
12004	5	83567769	84824816
12005	5	83567769	84825422
12006	5	83567769	84825763
12007	5	83567769	84825942
12008	5	83567769	84843411

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12009	5	83567769	84936441
12010	5	83567769	84936493
12011	5	83567769	84943705
12012	5	83567769	169454950
12013	5	83567769	181522829
12014	5	83567769	204759879
12015	5	83567769	209874191
12016	5	83606990	83607661
12017	5	83606990	83745342
12018	5	83606990	83861275
12019	5	83606990	83861633
12020	5	83606990	83865653
12021	5	83606990	83865914
12022	5	83606990	83865920
12023	5	83606990	83868010
12024	5	83606990	84019752
12025	5	83606990	84065912
12026	5	83606990	84086632
12027	5	83606990	84089603
12028	5	83606990	84104814
12029	5	83606990	84105175
12030	5	83606990	84251635
12031	5	83606990	84252180
12032	5	83606990	84253030
12033	5	83606990	84254208
12034	5	83606990	84314930
12035	5	83606990	84340523

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12036	5	83606990	84516340
12037	5	83606990	84706916
12038	5	83606990	84799488
12039	5	83606990	84801081
12040	5	83606990	84824103
12041	5	83606990	84824203
12042	5	83606990	84824816
12043	5	83606990	84825422
12044	5	83606990	84825763
12045	5	83606990	84825942
12046	5	83606990	84843411
12047	5	83606990	84936441
12048	5	83606990	84936493
12049	5	83606990	84943705
12050	5	83606990	169454950
12051	5	83606990	181522829
12052	5	83606990	204759879
12053	5	83606990	209874191
12054	5	83743980	83745342
12055	5	83743980	83861275
12056	5	83743980	83861633
12057	5	83743980	83865653
12058	5	83743980	83865914
12059	5	83743980	83865920
12060	5	83743980	83868010
12061	5	83743980	84019752
12062	5	83743980	84065912

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12063	5	83743980	84086632
12064	5	83743980	84089603
12065	5	83743980	84104814
12066	5	83743980	84105175
12067	5	83743980	84251635
12068	5	83743980	84252180
12069	5	83743980	84253030
12070	5	83743980	84254208
12071	5	83743980	84314930
12072	5	83743980	84340523
12073	5	83743980	84516340
12074	5	83743980	84706916
12075	5	83743980	84799488
12076	5	83743980	84801081
12077	5	83743980	84824103
12078	5	83743980	84824203
12079	5	83743980	84824816
12080	5	83743980	84825422
12081	5	83743980	84825763
12082	5	83743980	84825942
12083	5	83743980	84843411
12084	5	83743980	84936441
12085	5	83743980	84936493
12086	5	83743980	84943705
12087	5	83743980	169454950
12088	5	83743980	181522829
12089	5	83743980	204759879

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12090	5	83743980	209874191
12091	5	83859479	83861275
12092	5	83859479	83861633
12093	5	83859479	83865653
12094	5	83859479	83865914
12095	5	83859479	83865920
12096	5	83859479	83868010
12097	5	83859479	84019752
12098	5	83859479	84065912
12099	5	83859479	84086632
12100	5	83859479	84089603
12101	5	83859479	84104814
12102	5	83859479	84105175
12103	5	83859479	84251635
12104	5	83859479	84252180
12105	5	83859479	84253030
12106	5	83859479	84254208
12107	5	83859479	84314930
12108	5	83859479	84340523
12109	5	83859479	84516340
12110	5	83859479	84706916
12111	5	83859479	84799488
12112	5	83859479	84801081
12113	5	83859479	84824103
12114	5	83859479	84824203
12115	5	83859479	84824816
12116	5	83859479	84825422

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12117	5	83859479	84825763
12118	5	83859479	84825942
12119	5	83859479	84843411
12120	5	83859479	84936441
12121	5	83859479	84936493
12122	5	83859479	84943705
12123	5	83859479	169454950
12124	5	83859479	181522829
12125	5	83859479	204759879
12126	5	83859479	209874191
12127	5	83860797	83865653
12128	5	83860797	83865914
12129	5	83860797	83865920
12130	5	83860797	83868010
12131	5	83860797	84019752
12132	5	83860797	84065912
12133	5	83860797	84086632
12134	5	83860797	84089603
12135	5	83860797	84104814
12136	5	83860797	84105175
12137	5	83860797	84251635
12138	5	83860797	84252180
12139	5	83860797	84253030
12140	5	83860797	84254208
12141	5	83860797	84314930
12142	5	83860797	84340523
12143	5	83860797	84516340



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12144	5	83860797	84706916
12145	5	83860797	84799488
12146	5	83860797	84801081
12147	5	83860797	84824103
12148	5	83860797	84824203
12149	5	83860797	84824816
12150	5	83860797	84825422
12151	5	83860797	84825763
12152	5	83860797	84825942
12153	5	83860797	84843411
12154	5	83860797	84936441
12155	5	83860797	84936493
12156	5	83860797	84943705
12157	5	83860797	169454950
12158	5	83860797	181522829
12159	5	83860797	204759879
12160	5	83860797	209874191
12161	5	83861275	83861394
12162	5	83861275	83865653
12163	5	83861275	83865914
12164	5	83861275	83865920
12165	5	83861275	83868010
12166	5	83861275	84019752
12167	5	83861275	84065912
12168	5	83861275	84086632
12169	5	83861275	84089603
12170	5	83861275	84104814

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12171	5	83861275	84105175
12172	5	83861275	84251635
12173	5	83861275	84252180
12174	5	83861275	84253030
12175	5	83861275	84254208
12176	5	83861275	84314930
12177	5	83861275	84340523
12178	5	83861275	84516340
12179	5	83861275	84706916
12180	5	83861275	84799488
12181	5	83861275	84801081
12182	5	83861275	84824103
12183	5	83861275	84824203
12184	5	83861275	84824816
12185	5	83861275	84825422
12186	5	83861275	84825763
12187	5	83861275	84825942
12188	5	83861275	84843411
12189	5	83861275	84936441
12190	5	83861275	84936493
12191	5	83861275	84943705
12192	5	83861275	169454950
12193	5	83861275	181522829
12194	5	83861275	204759879
12195	5	83861275	209874191
12196	5	83861394	83865653
12197	5	83861394	83865914

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12198	5	83861394	83865920
12199	5	83861394	83868010
12200	5	83861394	84019752
12201	5	83861394	84065912
12202	5	83861394	84086632
12203	5	83861394	84089603
12204	5	83861394	84104814
12205	5	83861394	84105175
12206	5	83861394	84251635
12207	5	83861394	84252180
12208	5	83861394	84253030
12209	5	83861394	84254208
12210	5	83861394	84314930
12211	5	83861394	84340523
12212	5	83861394	84516340
12213	5	83861394	84706916
12214	5	83861394	84799488
12215	5	83861394	84801081
12216	5	83861394	84824103
12217	5	83861394	84824203
12218	5	83861394	84824816
12219	5	83861394	84825422
12220	5	83861394	84825763
12221	5	83861394	84825942
12222	5	83861394	84843411
12223	5	83861394	84936441
12224	5	83861394	84936493

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12225	5	83861394	84943705
12226	5	83861394	169454950
12227	5	83861394	181522829
12228	5	83861394	204759879
12229	5	83861394	209874191
12230	5	83864692	83865653
12231	5	83864692	83865914
12232	5	83864692	83865920
12233	5	83864692	83868010
12234	5	83864692	84019752
12235	5	83864692	84065912
12236	5	83864692	84086632
12237	5	83864692	84089603
12238	5	83864692	84104814
12239	5	83864692	84105175
12240	5	83864692	84251635
12241	5	83864692	84252180
12242	5	83864692	84253030
12243	5	83864692	84254208
12244	5	83864692	84314930
12245	5	83864692	84340523
12246	5	83864692	84516340
12247	5	83864692	84706916
12248	5	83864692	84799488
12249	5	83864692	84801081
12250	5	83864692	84824103
12251	5	83864692	84824203

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12252	5	83864692	84824816
12253	5	83864692	84825422
12254	5	83864692	84825763
12255	5	83864692	84825942
12256	5	83864692	84843411
12257	5	83864692	84936441
12258	5	83864692	84936493
12259	5	83864692	84943705
12260	5	83864692	169454950
12261	5	83864692	181522829
12262	5	83864692	204759879
12263	5	83864692	209874191
12264	5	83867332	83868010
12265	5	83867332	84019752
12266	5	83867332	84065912
12267	5	83867332	84086632
12268	5	83867332	84089603
12269	5	83867332	84104814
12270	5	83867332	84105175
12271	5	83867332	84251635
12272	5	83867332	84252180
12273	5	83867332	84253030
12274	5	83867332	84254208
12275	5	83867332	84314930
12276	5	83867332	84340523
12277	5	83867332	84516340
12278	5	83867332	84706916

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12279	5	83867332	84799488
12280	5	83867332	84801081
12281	5	83867332	84824103
12282	5	83867332	84824203
12283	5	83867332	84824816
12284	5	83867332	84825422
12285	5	83867332	84825763
12286	5	83867332	84825942
12287	5	83867332	84843411
12288	5	83867332	84936441
12289	5	83867332	84936493
12290	5	83867332	84943705
12291	5	83867332	169454950
12292	5	83867332	181522829
12293	5	83867332	204759879
12294	5	83867332	209874191
12295	5	84018779	84019752
12296	5	84018779	84065912
12297	5	84018779	84086632
12298	5	84018779	84089603
12299	5	84018779	84104814
12300	5	84018779	84105175
12301	5	84018779	84251635
12302	5	84018779	84252180
12303	5	84018779	84253030
12304	5	84018779	84254208
12305	5	84018779	84314930

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12306	5	84018779	84340523
12307	5	84018779	84516340
12308	5	84018779	84706916
12309	5	84018779	84799488
12310	5	84018779	84801081
12311	5	84018779	84824103
12312	5	84018779	84824203
12313	5	84018779	84824816
12314	5	84018779	84825422
12315	5	84018779	84825763
12316	5	84018779	84825942
12317	5	84018779	84843411
12318	5	84018779	84936441
12319	5	84018779	84936493
12320	5	84018779	84943705
12321	5	84018779	169454950
12322	5	84018779	181522829
12323	5	84018779	204759879
12324	5	84018779	209874191
12325	5	84061561	84065912
12326	5	84061561	84086632
12327	5	84061561	84089603
12328	5	84061561	84104814
12329	5	84061561	84105175
12330	5	84061561	84251635
12331	5	84061561	84252180
12332	5	84061561	84253030

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12333	5	84061561	84254208
12334	5	84061561	84314930
12335	5	84061561	84340523
12336	5	84061561	84516340
12337	5	84061561	84706916
12338	5	84061561	84799488
12339	5	84061561	84801081
12340	5	84061561	84824103
12341	5	84061561	84824203
12342	5	84061561	84824816
12343	5	84061561	84825422
12344	5	84061561	84825763
12345	5	84061561	84825942
12346	5	84061561	84843411
12347	5	84061561	84936441
12348	5	84061561	84936493
12349	5	84061561	84943705
12350	5	84061561	169454950
12351	5	84061561	181522829
12352	5	84061561	204759879
12353	5	84061561	209874191
12354	5	84083388	84086632
12355	5	84083388	84089603
12356	5	84083388	84104814
12357	5	84083388	84105175
12358	5	84083388	84251635
12359	5	84083388	84252180



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12360	5	84083388	84253030
12361	5	84083388	84254208
12362	5	84083388	84314930
12363	5	84083388	84340523
12364	5	84083388	84516340
12365	5	84083388	84706916
12366	5	84083388	84799488
12367	5	84083388	84801081
12368	5	84083388	84824103
12369	5	84083388	84824203
12370	5	84083388	84824816
12371	5	84083388	84825422
12372	5	84083388	84825763
12373	5	84083388	84825942
12374	5	84083388	84843411
12375	5	84083388	84936441
12376	5	84083388	84936493
12377	5	84083388	84943705
12378	5	84083388	169454950
12379	5	84083388	181522829
12380	5	84083388	204759879
12381	5	84083388	209874191
12382	5	84088707	84089603
12383	5	84088707	84104814
12384	5	84088707	84105175
12385	5	84088707	84251635
12386	5	84088707	84252180

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12387	5	84088707	84253030
12388	5	84088707	84254208
12389	5	84088707	84314930
12390	5	84088707	84340523
12391	5	84088707	84516340
12392	5	84088707	84706916
12393	5	84088707	84799488
12394	5	84088707	84801081
12395	5	84088707	84824103
12396	5	84088707	84824203
12397	5	84088707	84824816
12398	5	84088707	84825422
12399	5	84088707	84825763
12400	5	84088707	84825942
12401	5	84088707	84843411
12402	5	84088707	84936441
12403	5	84088707	84936493
12404	5	84088707	84943705
12405	5	84088707	169454950
12406	5	84088707	181522829
12407	5	84088707	204759879
12408	5	84088707	209874191
12409	5	84101452	84104814
12410	5	84101452	84105175
12411	5	84101452	84251635
12412	5	84101452	84252180
12413	5	84101452	84253030

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12414	5	84101452	84254208
12415	5	84101452	84314930
12416	5	84101452	84340523
12417	5	84101452	84516340
12418	5	84101452	84706916
12419	5	84101452	84799488
12420	5	84101452	84801081
12421	5	84101452	84824103
12422	5	84101452	84824203
12423	5	84101452	84824816
12424	5	84101452	84825422
12425	5	84101452	84825763
12426	5	84101452	84825942
12427	5	84101452	84843411
12428	5	84101452	84936441
12429	5	84101452	84936493
12430	5	84101452	84943705
12431	5	84101452	169454950
12432	5	84101452	181522829
12433	5	84101452	204759879
12434	5	84101452	209874191
12435	5	84103364	84104814
12436	5	84103364	84105175
12437	5	84103364	84251635
12438	5	84103364	84252180
12439	5	84103364	84253030
12440	5	84103364	84254208

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12441	5	84103364	84314930
12442	5	84103364	84340523
12443	5	84103364	84516340
12444	5	84103364	84706916
12445	5	84103364	84799488
12446	5	84103364	84801081
12447	5	84103364	84824103
12448	5	84103364	84824203
12449	5	84103364	84824816
12450	5	84103364	84825422
12451	5	84103364	84825763
12452	5	84103364	84825942
12453	5	84103364	84843411
12454	5	84103364	84936441
12455	5	84103364	84936493
12456	5	84103364	84943705
12457	5	84103364	169454950
12458	5	84103364	181522829
12459	5	84103364	204759879
12460	5	84103364	209874191
12461	5	84248220	84251635
12462	5	84248220	84252180
12463	5	84248220	84253030
12464	5	84248220	84254208
12465	5	84248220	84314930
12466	5	84248220	84340523
12467	5	84248220	84516340

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12468	5	84248220	84706916
12469	5	84248220	84799488
12470	5	84248220	84801081
12471	5	84248220	84824103
12472	5	84248220	84824203
12473	5	84248220	84824816
12474	5	84248220	84825422
12475	5	84248220	84825763
12476	5	84248220	84825942
12477	5	84248220	84843411
12478	5	84248220	84936441
12479	5	84248220	84936493
12480	5	84248220	84943705
12481	5	84248220	169454950
12482	5	84248220	181522829
12483	5	84248220	204759879
12484	5	84248220	209874191
12485	5	84248224	84251635
12486	5	84248224	84252180
12487	5	84248224	84253030
12488	5	84248224	84254208
12489	5	84248224	84314930
12490	5	84248224	84340523
12491	5	84248224	84516340
12492	5	84248224	84706916
12493	5	84248224	84799488
12494	5	84248224	84801081

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12495	5	84248224	84824103
12496	5	84248224	84824203
12497	5	84248224	84824816
12498	5	84248224	84825422
12499	5	84248224	84825763
12500	5	84248224	84825942
12501	5	84248224	84843411
12502	5	84248224	84936441
12503	5	84248224	84936493
12504	5	84248224	84943705
12505	5	84248224	169454950
12506	5	84248224	181522829
12507	5	84248224	204759879
12508	5	84248224	209874191
12509	5	84252053	84252180
12510	5	84252053	84253030
12511	5	84252053	84254208
12512	5	84252053	84314930
12513	5	84252053	84340523
12514	5	84252053	84516340
12515	5	84252053	84706916
12516	5	84252053	84799488
12517	5	84252053	84801081
12518	5	84252053	84824103
12519	5	84252053	84824203
12520	5	84252053	84824816
12521	5	84252053	84825422

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12522	5	84252053	84825763
12523	5	84252053	84825942
12524	5	84252053	84843411
12525	5	84252053	84936441
12526	5	84252053	84936493
12527	5	84252053	84943705
12528	5	84252053	169454950
12529	5	84252053	181522829
12530	5	84252053	204759879
12531	5	84252053	209874191
12532	5	84253581	84254208
12533	5	84253581	84314930
12534	5	84253581	84340523
12535	5	84253581	84516340
12536	5	84253581	84706916
12537	5	84253581	84799488
12538	5	84253581	84801081
12539	5	84253581	84824103
12540	5	84253581	84824203
12541	5	84253581	84824816
12542	5	84253581	84825422
12543	5	84253581	84825763
12544	5	84253581	84825942
12545	5	84253581	84843411
12546	5	84253581	84936441
12547	5	84253581	84936493
12548	5	84253581	84943705

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12549	5	84253581	169454950
12550	5	84253581	181522829
12551	5	84253581	204759879
12552	5	84253581	209874191
12553	5	84314151	84314930
12554	5	84314151	84340523
12555	5	84314151	84516340
12556	5	84314151	84706916
12557	5	84314151	84799488
12558	5	84314151	84801081
12559	5	84314151	84824103
12560	5	84314151	84824203
12561	5	84314151	84824816
12562	5	84314151	84825422
12563	5	84314151	84825763
12564	5	84314151	84825942
12565	5	84314151	84843411
12566	5	84314151	84936441
12567	5	84314151	84936493
12568	5	84314151	84943705
12569	5	84314151	169454950
12570	5	84314151	181522829
12571	5	84314151	204759879
12572	5	84314151	209874191
12573	5	84338664	84340523
12574	5	84338664	84516340
12575	5	84338664	84706916



Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12576	5	84338664	84799488
12577	5	84338664	84801081
12578	5	84338664	84824103
12579	5	84338664	84824203
12580	5	84338664	84824816
12581	5	84338664	84825422
12582	5	84338664	84825763
12583	5	84338664	84825942
12584	5	84338664	84843411
12585	5	84338664	84936441
12586	5	84338664	84936493
12587	5	84338664	84943705
12588	5	84338664	169454950
12589	5	84338664	181522829
12590	5	84338664	204759879
12591	5	84338664	209874191
12592	5	84516113	84516340
12593	5	84516113	84706916
12594	5	84516113	84799488
12595	5	84516113	84801081
12596	5	84516113	84824103
12597	5	84516113	84824203
12598	5	84516113	84824816
12599	5	84516113	84825422
12600	5	84516113	84825763
12601	5	84516113	84825942
12602	5	84516113	84843411

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12603	5	84516113	84936441
12604	5	84516113	84936493
12605	5	84516113	84943705
12606	5	84516113	169454950
12607	5	84516113	181522829
12608	5	84516113	204759879
12609	5	84516113	209874191
12610	5	84706267	84706916
12611	5	84706267	84799488
12612	5	84706267	84801081
12613	5	84706267	84824103
12614	5	84706267	84824203
12615	5	84706267	84824816
12616	5	84706267	84825422
12617	5	84706267	84825763
12618	5	84706267	84825942
12619	5	84706267	84843411
12620	5	84706267	84936441
12621	5	84706267	84936493
12622	5	84706267	84943705
12623	5	84706267	169454950
12624	5	84706267	181522829
12625	5	84706267	204759879
12626	5	84706267	209874191
12627	5	84796405	84799488
12628	5	84796405	84801081
12629	5	84796405	84824103

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12630	5	84796405	84824203
12631	5	84796405	84824816
12632	5	84796405	84825422
12633	5	84796405	84825763
12634	5	84796405	84825942
12635	5	84796405	84843411
12636	5	84796405	84936441
12637	5	84796405	84936493
12638	5	84796405	84943705
12639	5	84796405	169454950
12640	5	84796405	181522829
12641	5	84796405	204759879
12642	5	84796405	209874191
12643	5	84799805	84801081
12644	5	84799805	84824103
12645	5	84799805	84824203
12646	5	84799805	84824816
12647	5	84799805	84825422
12648	5	84799805	84825763
12649	5	84799805	84825942
12650	5	84799805	84843411
12651	5	84799805	84936441
12652	5	84799805	84936493
12653	5	84799805	84943705
12654	5	84799805	169454950
12655	5	84799805	181522829
12656	5	84799805	204759879

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12657	5	84799805	209874191
12658	5	84821810	84824103
12659	5	84821810	84824203
12660	5	84821810	84824816
12661	5	84821810	84825422
12662	5	84821810	84825763
12663	5	84821810	84825942
12664	5	84821810	84843411
12665	5	84821810	84936441
12666	5	84821810	84936493
12667	5	84821810	84943705
12668	5	84821810	169454950
12669	5	84821810	181522829
12670	5	84821810	204759879
12671	5	84821810	209874191
12672	5	84822183	84824103
12673	5	84822183	84824203
12674	5	84822183	84824816
12675	5	84822183	84825422
12676	5	84822183	84825763
12677	5	84822183	84825942
12678	5	84822183	84843411
12679	5	84822183	84936441
12680	5	84822183	84936493
12681	5	84822183	84943705
12682	5	84822183	169454950
12683	5	84822183	181522829

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12684	5	84822183	204759879
12685	5	84822183	209874191
12686	5	84822215	84824103
12687	5	84822215	84824203
12688	5	84822215	84824816
12689	5	84822215	84825422
12690	5	84822215	84825763
12691	5	84822215	84825942
12692	5	84822215	84843411
12693	5	84822215	84936493
12694	5	84822215	84943705
12695	5	84822215	169454950
12696	5	84822215	181522829
12697	5	84822215	204759879
12698	5	84822215	209874191
12699	5	84824103	84824203
12700	5	84824103	84824816
12701	5	84824103	84840183
12702	5	84824103	84843411
12703	5	84824103	84936441
12704	5	84824103	84936493
12705	5	84824103	84943705
12706	5	84824103	169454950
12707	5	84824103	181522829
12708	5	84824103	204759879
12709	5	84824103	209874191
12710	5	84824203	84934242

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12711	5	84824203	84936441
12712	5	84824203	84936493
12713	5	84824203	84943705
12714	5	84824203	169454950
12715	5	84824203	181522829
12716	5	84824203	204759879
12717	5	84824203	209874191
12718	5	84840183	84843411
12719	5	84840183	84936441
12720	5	84840183	84936493
12721	5	84840183	84943705
12722	5	84840183	169454950
12723	5	84840183	181522829
12724	5	84840183	204759879
12725	5	84840183	209874191
12726	5	84934242	84936441
12727	5	84934242	84936493
12728	5	84934242	84943705
12729	5	84934242	169454950
12730	5	84934242	181522829
12731	5	84934242	204759879
12732	5	84934242	209874191
12733	5	84938287	84943705
12734	5	84938287	169454950
12735	5	84938287	181522829
12736	5	84938287	204759879
12737	5	84938287	209874191

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12738	5	169454950	181522829
12739	5	169454950	204759879
12740	5	169454950	209874191
12741	5	181522829	204759879
12742	5	181522829	209874191
12743	5	204759879	209874191
12744	6	121671402	165317744
12745	6	121671402	165632140
12746	6	121671402	167541488
12747	6	165317744	165632140
12748	6	165317744	167541488
12749	6	165632140	167541488
12750	7	17293606	33157904
12751	7	17293606	52027945
12752	7	17293606	134050244
12753	7	33157904	52027945
12754	7	33157904	134050244
12755	7	52027945	134050244
12756	8	120061025	173714727
12757	9	23258800	128947590
12758	9	23258800	145336391
12759	9	23258800	147896266
12760	9	128947590	145336391
12761	9	128947590	147896266
12762	9	145336391	147896266
12763	10	5873450	140850928
12764	10	5873450	142092409

Segmento			
Cromossômico	Cr.	Fronteira 1	Fronteira 2
12765	10	5873450	145273700
12766	10	140850928	142092409
12767	10	140850928	145273700
12768	10	142092409	145273700

Tabela 2. Exemplos de alelos associados a fertilidade acrescida em milho.



Cr.	Posição	Alelo Desejado	Cr.	Posição	Alelo Desejado
5	77990414	A	5	80389380	C
5	77990442	C	5	80389419	C
5	77990478	T	5	80389432	A
5	77990499	A	5	80389533	C
5	77990523	G	5	80804587	G
5	77990545	A	5	80828757	C
5	77991998	G	5	80829669	T
5	77995135	C	5	81267278	G
5	77995150	A	5	81267320	T
5	77996710	T	5	81763802	G
5	78310107	A	5	81763824	C
5	78310132	T	5	81802220	A
5	78918620	G	5	81802574	C
5	79531947	A	5	81950558	T
5	79537908	G	5	81950582	T
5	79707038	C	5	82085147	C
5	79707074	A	5	82087667	A
5	79859447	A	5	82235558	A
5	79862605	G	5	82236085	T
5	79862609	A	5	82236162	A
5	79865888	T	5	82325775	C
5	79867527	A	5	82325977	C
5	80236641	G	5	82326020	G
5	80236734	T	5	82326037	G
5	80236789	T	5	82326164	C
5	80236810	T	5	82326170	T
5	80236933	T	5	82326175	T
5	80271911	A	5	82423926	A
5	80279798	C	5	82424010	G
5	80387964	C	5	82424392	A
5	80388968	T	5	82424461	C
5	80389273	A	5	82424629	G
5	80389290	C	5	82424695	C

Cr.	Posição	Alelo Desejado	Cr.	Posição	Alelo Desejado
5	82424706	C	5	82551025	C
5	82424752	G	5	82552120	T
5	82424773	G	5	82552368	G
5	82424791	A	5	82553234	G
5	82425070	C	5	82555338	A
5	82425098	C	5	83560144	T
5	82425358	G	5	83560192	A
5	82443847	T	5	83860601	T
5	82443957	T	5	83860682	T
5	82443978	A/G	5	83861161	G
5	82444245	T	5	83861215	A
5	82444266	T	5	83861266	A
5	82444716	A	5	83861344	T
5	82445340	A	5	83861361	T
5	82445493	A	5	84086015	T
5	82446188	C	5	84796702	G
5	82446660	G	5	84822534	G
5	82446684	T	5	84822543	T
5	82446704	A	5	84823992	A
5	82549380	C	5	84823998	C
5	82549409	A	5	84824103	T
5	82549517	A	5	84824205	T
5	82549554	C	5	84824447	C
5	82549629	C	5	84824473	C
5	82549650	C	5	84824495	G
5	82549724	C	5	84824561	G
5	82549867	C	5	84824603	C
5	82549995	G	5	84824951	i
5	82550364	C	5	84825014	C
5	82550459	G	5	84825020	A
5	82550498	G	5	84825024	G
5	82550853	T	5	84825087	C
5	82550983	T	5	84825264	T

		Alelo
Cr.	Posição	Desejado
5	84825276	T
5	84825303	C
5	84825469	G
5	84825471	A
5	84825480	C
5	84825497	G
5	84825510	C
5	84825512	A
5	84825527	C
5	84825551	G
5	84825588	G
5	84825642	C
5	84841805	T
5	84842085	A
5	84843056	A
5	84938414	T
5	84938476	T
5	84938528	T

Tabela 3. Exemplos de proteínas de interesse codificadas pelo cromossomo de milho 5.

Identificador de Proteína Cr. Posições	Fita	SEQ SEQ SEQ		
		ID	ID	ID
GRMZM2G435796_P01 5	78022476 - 78023096 -	1	176	351
GRMZM5G832780_P01 5	78129898 - 78131652 -	2	177	352
GRMZM2G425559_P01 5	78129898 - 78131784 +	3	178	353
GRMZM2G006937_P01 5	78255163 - 78310499 +	4	179	354
GRMZM2G102912_P01 5	78380304 - 78381593 +	5	180	355
GRMZM2G102845_P01 5	78381834 - 78389884 -	6	181	356
GRMZM5G865367_P01 5	78519893 - 78520683 +	7	182	357
GRMZM2G322493_P01 5	78758856 - 78765635 +	8	183	358
GRMZM2G167741_P01 5	78772058 - 78780292 +	9	184	359
GRMZM2G410357_P02 5	78804756 - 78813114 +	10	185	360
GRMZM2G410357_P01 5	78804756 - 78814710 +	11	186	361
GRMZM2G410357_P04 5	78805059 - 78815306 +	12	187	362
GRMZM2G410357_P03 5	78805059 - 78815306 +	13	188	363
GRMZM2G410357_P05 5	78805059 - 78815306 +	14	189	364
GRMZM2G410357_P06 5	78814424 - 78814976 +	15	190	365
GRMZM2G410393_P03 5	78819803 - 78826528 +	16	191	366
GRMZM2G410393_P04 5	78819803 - 78826528 +	17	192	367
GRMZM2G410393_P05 5	78819803 - 78826528 +	18	193	368
GRMZM2G410393_P02 5	78819803 - 78826538 +	19	194	369
GRMZM2G410393_P01 5	78819803 - 78826612 +	20	195	370
AC197118,3_FGP005	5 78820119 - 78821393 -	21	196	371
GRMZM2G133048_P01 5	78904639 - 78918850 +	22	197	372
GRMZM2G018686_P01 5	79055654 - 79056960 -	23	198	373
AC212103,3_FGP002	5 79162381 - 79163631 +	24	199	374
AC193606,2_FGP001	5 79175814 - 79176557 -	25	200	375

Identificador de Proteína Cr. Posições	Fita	SEQ	SEQ	SEQ
		ID	ID	ID
		NO:	NO:	NO:
GRMZM2G332749_P01 5	79183135 - 79188028 +	26	201	376
GRMZM2G068176_P01 5	79200056 - 79201760 -	27	202	377
GRMZM2G369391_P01 5	79229010 - 79230318 +	28	203	378
GRMZM2G369396_P01 5	79229019 - 79230005 -	29	204	379
GRMZM2G314233_P01 5	79503885 - 79505592 +	30	205	380
GRMZM5G816609_P01 5	79505757 - 79510072 +	31	206	381
GRMZM2G063942_P06 5	79531009 - 79538012 +	32	207	382
GRMZM2G063942_P03 5	79531009 - 79538048 +	33	208	383
GRMZM2G063942_P02 5	79531009 - 79538048 +	34	209	384
GRMZM2G063942_P01 5	79531009 - 79538048 +	35	210	385
GRMZM2G063942_P08 5	79531040 - 79538012 +	36	211	386
GRMZM2G063942_P07 5	79531040 - 79538012 +	37	212	387
GRMZM2G063942_P04 5	79531040 - 79538048 +	38	213	388
GRMZM2G063942_P05 5	79537564 - 79538048 +	39	214	389
GRMZM5G853950_P01 5	79666742 - 79669824 +	40	215	390
GRMZM2G472708_P01 5	79679654 - 79682242 -	41	216	391
GRMZM2G033138_P04 5	79697555 - 79699261 +	42	217	392
GRMZM2G033138_P03 5	79697555 - 79710673 +	43	218	393
GRMZM2G033138_P01 5	79697555 - 79710673 +	44	219	394
GRMZM2G033138_P02 5	79697555 - 79710673 +	45	220	395
GRMZM2G062885_P01 5	79857859 - 79861902 +	46	221	396
GRMZM2G062914_P03 5	79862405 - 79867710 -	47	222	397
GRMZM2G062914_P02 5	79862405 - 79867868 -	48	223	398
GRMZM2G062914_P01 5	79862405 - 79867873 -	49	224	399
GRMZM5G865405_P01 5	79960831 - 79961961 -	50	225	400
GRMZM2G353478_P01 5	80084956 - 80086268 -	51	226	401
GRMZM2G067313_P01 5	80187987 - 80190673 +	52	227	402

Identificador de Proteína Cr. Posições	Fita	SEQ	SEQ	SEQ
		ID	ID	ID
		NO:	NO:	NO:
GRMZM2G067313_P02 5	80188978 - 80190777 +	53	228	403
GRMZM2G367431_P01 5	80191781 - 80192546 +	54	229	404
GRMZM2G067350_P01 5	80195077 - 80199923 -	55	230	405
GRMZM2G067350_P02 5	80195714 - 80199923 -	56	231	406
GRMZM2G031850_P01 5	80236478 - 80241911 -	57	232	407
GRMZM2G031850_P02 5	80238986 - 80241911 -	58	233	408
GRMZM2G031850_P03 5	80239243 - 80241911 -	59	234	409
GRMZM2G024612_P01 5	80273499 - 80282785 -	60	235	410
GRMZM5G852229_P01 5	80344025 - 80345337 +	61	236	411
GRMZM5G829894_P01 5	80387639 - 80389787 +	62	237	412
GRMZM5G829894_P02 5	80387639 - 80389787 +	63	238	413
GRMZM5G829894_P03 5	80388596 - 80389787 +	64	239	414
AC233959,1_FGP003 5	80411337 - 80411639 -	65	240	415
GRMZM2G701675_P01 5	80446281 - 80446855 +	66	241	416
AC233959,1_FGP006 5	80491807 - 80492790 -	67	242	417
GRMZM2G392320_P02 5	80669160 - 80670554 +	68	243	418
GRMZM2G392320_P01 5	80669160 - 80674679 +	69	244	419
GRMZM2G147800_P01 5	80715081 - 80720509 +	70	245	420
GRMZM2G093490_P01 5	80795990 - 80800856 -	71	246	421
GRMZM2G482256_P01 5	80803727 - 80807409 -	72	247	422
GRMZM2G425774_P01 5	80828457 - 80835734 -	73	248	423
GRMZM2G425774_P02 5	80828945 - 80835734 -	74	249	424
GRMZM2G165945_P02 5	80969412 - 80972258 +	75	250	425
GRMZM2G165945_P01 5	80969412 - 80974450 +	76	251	426
GRMZM2G165945_P03 5	80970381 - 80974450 +	77	252	427
GRMZM2G400197_P01 5	81031951 - 81047638 +	78	253	428
GRMZM2G104425_P01 5	81076870 - 81082921 -	79	254	429

Identificador de Proteína Cr. Posições	Fita	SEQ	SEQ	SEQ
		ID	ID	ID
		NO:	NO:	NO:
GRMZM5G887054_P01 5	81155197 - 81157909 -	80	255	430
GRMZM5G887054_P02 5	81155255 - 81157909 -	81	256	431
GRMZM5G887054_P03 5	81155675 - 81157909 -	82	257	432
GRMZM5G887054_P04 5	81156713 - 81157909 -	83	258	433
GRMZM2G088880_P01 5	81265211 - 81267499 +	84	259	434
GRMZM2G088880_P02 5	81265211 - 81267499 +	85	260	435
GRMZM2G088880_P03 5	81265354 - 81267485 +	86	261	436
AC207104,3_FGP001 5	81273796 - 81274512 +	87	262	437
GRMZM2G322672_P01 5	81761119 - 81763618 +	88	263	438
GRMZM2G011888_P01 5	81793777 - 81797217 +	89	264	439
GRMZM2G085513_P01 5	81798893 - 81800186 -	90	265	440
GRMZM2G085469_P01 5	81801973 - 81806213 -	91	266	441
GRMZM5G817948_P01 5	81858527 - 81859374 +	92	267	442
GRMZM5G897067_P01 5	81859618 - 81861368 +	93	268	443
AC199577,4_FGP004 5	81863099 - 81863686 -	94	269	444
GRMZM5G823733_P01 5	81914498 - 81916850 +	95	270	445
GRMZM5G812923_P02 5	81950191 - 81954891 -	96	271	446
GRMZM5G812923_P03 5	81950191 - 81954891 -	97	272	447
GRMZM5G812923_P01 5	81951639 - 81954891 -	98	273	448
GRMZM2G464846_P01 5	81984901 - 81985250 +	99	274	449
GRMZM2G024882_P01 5	82083639 - 82101253 -	100	275	450
GRMZM5G868120_P02 5	82137780 - 82143124 -	101	276	451
GRMZM5G868120_P01 5	82139338 - 82143124 -	102	277	452
GRMZM5G867030_P01 5	82234311 - 82236318 +	103	278	453
GRMZM2G409658_P01 5	82423451 - 82427210 -	104	279	454
GRMZM2G111201_P01 5	82427780 - 82431853 +	105	280	455
GRMZM2G409726_P01 5	82443403 - 82446794 -	106	281	456

Identificador de Proteína Cr. Posições	Fita	SEQ	SEQ	SEQ
		ID	ID	ID
		NO:	NO:	NO:
GRMZM2G409726_P02 5	82443815 - 82446714 -	107	282	457
GRMZM2G409726_P03 5	82443856 - 82446714 -	108	283	458
GRMZM2G005562_P01 5	82549227 - 82555670 -	109	284	459
GRMZM2G005562_P04 5	82549246 - 82552090 -	110	285	460
GRMZM2G005562_P03 5	82549246 - 82555641 -	111	286	461
GRMZM2G005562_P02 5	82549246 - 82555641 -	112	287	462
GRMZM2G005562_P05 5	82549299 - 82551111 -	113	288	463
GRMZM2G005562_P06 5	82554608 - 82555670 -	114	289	464
GRMZM2G005562_P07 5	82554971 - 82555670 -	115	290	465
GRMZM2G006144_P01 5	82556313 - 82561535 -	116	291	466
GRMZM2G006144_P02 5	82556337 - 82559047 -	117	292	467
GRMZM2G443332_P01 5	82609175 - 82610100 -	118	293	468
GRMZM2G167578_P01 5	82675654 - 82676901 -	119	294	469
GRMZM5G844909_P01 5	82675825 - 82676822 +	120	295	470
GRMZM2G390350_P01 5	82882273 - 82883691 -	121	296	471
GRMZM2G158520_P01 5	82953053 - 82954942 +	122	297	472
GRMZM2G459142_P01 5	82971168 - 82971688 +	123	298	473
GRMZM5G844046_P01 5	83023500 - 83023965 -	124	299	474
GRMZM2G564932_P01 5	83093332 - 83094205 +	125	300	475
AC197265,3_FGP005 5	83145879 - 83146355 +	126	301	476
GRMZM2G087267_P01 5	83277783 - 83281412 +	127	302	477
GRMZM2G087267_P02 5	83277785 - 83281412 +	128	303	478
GRMZM2G087267_P03 5	83279034 - 83280630 +	129	304	479
GRMZM2G032280_P01 5	83397014 - 83400242 +	130	305	480
GRMZM2G087495_P01 5	83402967 - 83405797 -	131	306	481
GRMZM2G387127_P01 5	83435480 - 83437132 -	132	307	482
GRMZM5G889792_P01 5	83521923 - 83522252 -	133	308	483



Identificador de Proteína Cr. Posições	Fita	SEQ	SEQ	SEQ
		ID	ID	ID
		NO:	NO:	NO:
AC234515,1_FGP003 5	83557023 - 83560095 +	134	309	484
AC234515,1_FGP002 5	83567769 - 83572400 +	135	310	485
GRMZM5G894416_P01 5	83606990 - 83607661 +	136	311	486
GRMZM2G050080_P01 5	83743980 - 83745342 -	137	312	487
GRMZM2G088396_P01 5	83859479 - 83861633 +	138	313	488
GRMZM2G088235_P03 5	83860797 - 83865914 -	139	314	489
GRMZM2G088235_P02 5	83860797 - 83865920 -	140	315	490
GRMZM2G088235_P01 5	83860797 - 83865920 -	141	316	491
GRMZM2G088235_P04 5	83861394 - 83865914 -	142	317	492
GRMZM2G088235_P05 5	83864692 - 83865653 -	143	318	493
GRMZM2G387123_P01 5	83867332 - 83868010 -	144	319	494
GRMZM2G449843_P01 5	84018779 - 84019752 +	145	320	495
GRMZM2G322129_P01 5	84061561 - 84065912 +	146	321	496
GRMZM2G017741_P01 5	84083388 - 84086632 +	147	322	497
GRMZM2G017802_P01 5	84088707 - 84089603 -	148	323	498
GRMZM2G074634_P05 5	84101452 - 84104814 -	149	324	499
GRMZM2G074634_P01 5	84101452 - 84105175 -	150	325	500
GRMZM2G074634_P02 5	84101452 - 84105175 -	151	326	501
GRMZM2G074634_P04 5	84101452 - 84105175 -	152	327	502
GRMZM2G074634_P03 5	84101452 - 84105175 -	153	328	503
GRMZM2G074634_P06 5	84103364 - 84105175 -	154	329	504
GRMZM2G026117_P02 5	84248220 - 84251635 +	155	330	505
GRMZM2G026117_P01 5	84248220 - 84252180 +	156	331	506
GRMZM2G026117_P03 5	84248224 - 84252180 +	157	332	507
GRMZM2G005998_P02 5	84252053 - 84253030 -	158	333	508
GRMZM2G005998_P03 5	84252053 - 84254208 -	159	334	509
GRMZM2G005998_P01 5	84253581 - 84254208 -	160	335	510

Identificador de Proteína Cr. Posições	Fita	SEQ	SEQ	SEQ
		ID	ID	ID
		NO:	NO:	NO:
GRMZM2G107026_P01 5	84314151 - 84314930 -	161	336	511
AC211514,2_FGP003 5	84338664 - 84340523 -	162	337	512
AC208217,3_FGP001 5	84516113 - 84516340 -	163	338	513
GRMZM2G127999_P01 5	84706267 - 84706916 +	164	339	514
GRMZM2G128012_P01 5	84796405 - 84799488 -	165	340	515
GRMZM2G427468_P01 5	84799805 - 84801081 -	166	341	516
GRMZM2G382914_P05 5	84821810 - 84824816 +	167	342	517
GRMZM2G382914_P04 5	84821810 - 84825422 +	168	343	518
GRMZM2G382914_P02 5	84822183 - 84825763 +	169	344	519
GRMZM2G382914_P03 5	84822215 - 84825763 +	170	345	520
GRMZM2G382914_P01 5	84822215 - 84825942 +	171	346	521
GRMZM2G007372_P01 5	84840183 - 84843411 +	172	347	522
GRMZM2G010321_P02 5	84934242 - 84936441 +	173	348	523
GRMZM2G010321_P01 5	84934242 - 84936493 +	174	349	524
GRMZM2G010754_P01 5	84938287 - 84943705 -	175	350	525

[00498] Os exemplos acima ilustram claramente as vantagens da invenção. Apesar de a presente invenção ter sido descrita relativamente a detalhes específicos de certas modalidades da mesma, não é pretendido que tais detalhes sejam considerados limitações do escopo da invenção reivindicada com a exceção de estarem e tanto quanto estão incluídos nas reivindicações adjuntas.

## REIVINDICAÇÕES

1. Método para produzir uma planta de milho, que expressa Vip3A ou germoplasma de milho com fertilidade masculina aumentada em comparação com uma planta de milho, que expressa Vip3A ou germoplasma de milho apresentando fertilidade masculina reduzida ou é um macho infértil,

o referido método sendo caracterizado pelo fato de que compreende:

(a) fornecer uma primeira planta de milho que expressa Vip3A ou germoplasma de milho compreendendo um locus de características quantitativas (QTL) no cromossomo 5 associado ao aumento da fertilidade masculina em plantas de milho que expressam Vip3A, em que o QTL é definido por e inclui a posição do par de bases (pb) 80,804,587 para a posição de par de bases (pb) 82,325,775, conforme definido pelo Milho B73 RefGen\_V2, e compreende ainda um haplótipo compreendendo um polimorfismo G na posição de pb 80,804,587; e um polimorfismo C na posição pb 82,325,775;

(b) introgridir o QTL da etapa (a) em uma segunda planta de milho ou germoplasma de milho; e

(c) selecionar uma planta de milho que expresse Vip3 ou germoplasma de milho compreendendo o QTL, produzindo, assim, uma planta de milho, que expressa Vip3A ou germoplasma de milho apresentando fertilidade masculina aumentada em comparação com uma planta de milho, que expressa Vip3A ou germoplasma de milho sem o QTL.

2. Método, de acordo com a reivindicação 1, caracterizado pelo fato de que o QTL compreende um haplótipo compreendendo dois ou mais alelos selecionados do grupo que consiste em um C na posição pb 80,828,757, um T na posição pb 80,829,669, um G na posição pb 81,267,278, um T na posição pb 81,267,320, um G na posição pb

81,763,802, um C na posição pb 81,763,824, um A na posição pb 81,802,220, um C na posição pb 81,802,574, um T na posição pb 81,950,558, um T na posição pb 81,950,552, um C na posição pb 82,085,147, um A na posição pb 82,087,667, um A na posição pb 82,235,558, um T na posição pb 82,236,085 e um A na posição pb 82,236,162.

3. Método, de acordo com a reivindicação 1, caracterizado pelo fato de que o QTL compreende a SEQ ID NO: 259.

4. Método, de acordo com a reivindicação 1, caracterizado pelo fato de que a segunda planta de milho ou germoplasma de milho compreende uma sequência codificante de Vip3A.

5. Método, de acordo com a reivindicação 4, caracterizado pelo fato de que a primeira planta de milho ou germoplasma de milho e/ou a segunda planta de milho ou germoplasma de milho é hemizigótica ou homozigótica para uma sequência codificante de Vip3A.

6. Método, de acordo com a reivindicação 5, caracterizado pelo fato de que a primeira planta de milho ou germoplasma de milho e/ou a segunda planta de milho ou germoplasma de milho compreende o evento de milho MIR162.

7. Método, de acordo com a reivindicação 5, caracterizado pelo fato de que a planta de milho que é produzida é hemizigótica ou homozigótica para uma sequência codificante de Vip3A.

8. Método, de acordo com a reivindicação 7, caracterizado pelo fato de que a planta de milho ou germoplasma de milho que é produzido compreende o evento de milho MIR162.

9. Método para produzir uma planta de milho, que expressa Vip3A com fertilidade masculina aumentada em comparação com uma planta de milho, que expressa Vip3A apresentando fertilidade masculina reduzida ou é infértil,

o referido método sendo caracterizado pelo fato de que

compreende:

(a) cruzar uma primeira planta de milho, que expressa Vip3A com uma segunda planta de milho, sendo que a primeira planta de milho compreende dentro de seu genoma um QTL no cromossomo 5 associado ao aumento da fertilidade masculina em plantas de milho que expressam Vip3A e a segunda planta de milho não apresenta o QTL, sendo que o QTL é definido e inclui a posição 80,804,587 do par de bases (pb) e a posição 82,325,775 do par de bases (pb), conforme definido pelo Milho B73 RefGen\_V2, e compreende ainda um haplótipo compreendendo um polimorfismo G na posição pb 80,804,587 e um polimorfismo C na posição pb 82,325,775; e, opcionalmente;

(b) retrocruzar uma planta de milho da progenitura que expressa Vip3A resultante da etapa (a) compreendendo o QTL com uma planta progenitora para produzir plantas de progênie de retrocruzamento;

(c) selecionar para retrocruzar uma planta da progenitura que expressa Vip3A que compreende o QTL; e

(d) executar as etapas (b) e (c) pelo menos três vezes para fixar o QTL em um fundo genético desejado, produzindo, assim, uma planta de milho, que expressa Vip3A compreendendo o QTL e apresentando fertilidade masculina aumentada em comparação com uma planta de milho que expressa Vip3A sem o QTL.

10. Método, de acordo com a reivindicação 9, caracterizado pelo fato de que o QTL compreende um haplótipo compreendendo dois ou mais alelos selecionados do grupo que consiste em um C na posição pb 80,828,757, um T na posição pb 80,829,669, um G na posição pb 81,267,278, um T no pb posição 81,267,320, um G na posição pb 81,763,802, um C na posição pb 81,763,824, um A na posição pb 81,802,220, um C na posição pb 81,802,574, um T na posição pb 81,950,558, um T na posição pb 81,950,582, um C na posição pb

82,085,147, um A na posição pb 82,087,667, um A na posição pb 82,235,558, um T na posição pb 82,236,085 e um A na posição pb 82,236,162.

11. Método, de acordo com a reivindicação 9, caracterizado pelo fato de que o QTL compreende a SEQ ID NO: 259.

12. Método, de acordo com a reivindicação 9, caracterizado pelo fato de que a primeira planta de milho e/ou a segunda planta de milho é uma planta de milho pura ou parte de planta, ou uma linhagem de milho de elite.

13. Método, de acordo com a reivindicação 12, caracterizado pelo fato de que a linhagem de milho de elite é NP2222, NP2660, NP2276, NP2391, NP2460 ou ID3461.

14. Método, de acordo com a reivindicação 9, caracterizado pelo fato de que o QTL está associado a um ou mais de produção de pólen aumentada, formação de pendão aprimorada, formação de anteras aprimorada, aumento da fertilidade masculina em plantas cultivadas sob condições de seca, aumento da fertilidade masculina em plantas cultivadas sob condições de temperatura noturna elevada ou qualquer combinação dos mesmos.

15. Programa de melhoramento, caracterizado pelo fato de que compreende o método, como definido na reivindicação 9.

16. Método para melhorar a produção de sementes de uma planta de milho que expressa Vip3A, caracterizado pelo fato de que compreende:

(a) cruzar uma primeira planta de milho ou germoplasma de milho com uma segunda planta de milho ou germoplasma de milho, sendo que a primeira ou segunda planta de milho ou germoplasma de milho expressa Vip3A, e sendo que a primeira planta de milho ou germoplasma de milho compreende dentro de seu genoma um QTL no cromossomo 5 associado ao aumento da fertilidade masculina em

plantas de milho, que expressam Vip3A e a segunda planta de milho ou germoplasma de milho não possui o QTL, sendo que o QTL é definido e inclui a posição 80,804,587 do par base (pb) a posição 82,325,775 do par base (pb), conforme definido pelo Milho B73 RefGen\_V2, e compreende ainda um haplótipo compreendendo um polimorfismo G na posição pb 80,804,587 e um polimorfismo C na posição pb 82,325,775; e

(b) usar uma planta de milho da progenitura compreendendo o QTL como polinizador em um autocruzamento ou uma segunda planta ou germoplasma de milho, que funciona como um progenitor de semente, melhorando, assim, a produção de sementes a partir do cruzamento em comparação com um cruzamento de controle adequado.

17. Método, de acordo com a reivindicação 16, caracterizado pelo fato de que o QTL compreende (a) um haplótipo compreendendo dois ou mais alelos selecionados do grupo que consiste em um C na posição pb 80,828,757, um T na posição pb 80,829,669, um G na posição pb 81,267,278, um T na posição pb 81,267,320, a G na posição pb 81,763,802, a C na posição pb 81,763,824, um A na posição pb 81,802,220, um C na posição pb 81,802,574, um T na posição pb 81,950,558, um T na posição pb 81,950,582, um C em posição pb 82,085,147, um A na posição pb 82,087,667, um A na posição pb 82,235,558, um T na posição pb 82,236,085 e um A na posição pb 82,236,162.

18. Método, de acordo com a reivindicação 16, caracterizado pelo fato de que o QTL compreende a SEQ ID NO: 259.

19. Método, de acordo com a reivindicação 16, caracterizado pelo fato de que reduz a proporção de plantas progenitoras de pólen em relação às plantas de milho progenitoras de sementes necessárias para a produção de sementes em pelo menos cerca de 25% em comparação

com um cruzamento de controle.

20. Método, de acordo com a reivindicação 19, caracterizado pelo fato de que aumenta o número de sementes produzidas por planta progenitora de pólen e/ou planta progenitora de sementes em pelo menos cerca de 25% em comparação com um cruzamento de controle.

21. Método, de acordo com a reivindicação 19, caracterizado pelo fato de que as progenituras são identificadas pela detecção da presença do QTL em uma amostra de ácido nucleico ou produto de amplificação da mesma a partir da progenitura.

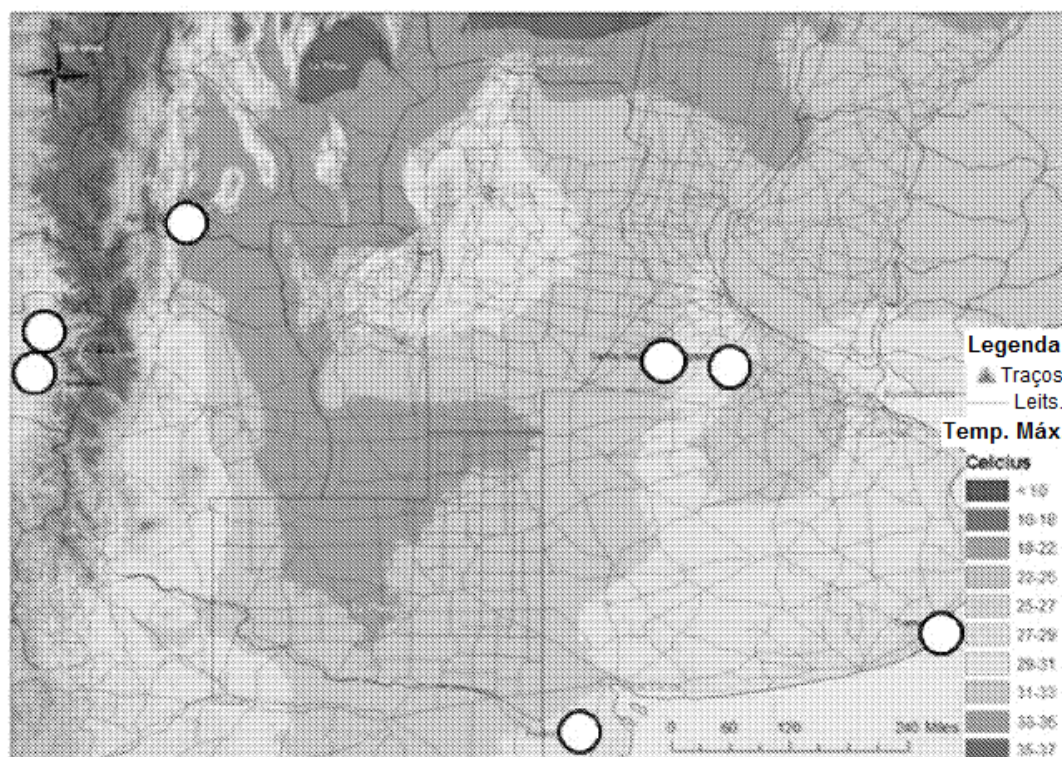
22. Programa de produção de sementes, caracterizado pelo fato de que compreende o método, como definido na reivindicação 16.



Temperatura (°F)	Umidade Relativa (%)	Vip3 Homozigótica	Vip3 Hemizigótica	Vip Nula
85	49	6,0	4,4	2,3
80	51	5,8	3,2	1,7
74	61	4,9	1,6	1,0

<b>Escala Final de Anteras</b>	
1 =	extrusão de anteras excepcional
2 =	boa extrusão de anteras, normal
3 =	extrusão de anteras reduzida, abaixo do normal
4 =	anteras escassas, disseminadas
5 =	anteras muito escassas, mas mais de 15 no total
6 =	15 ou menos anteras totais extrudadas

Fig. 1



Variáveis Ambientais	Traços de Campo					
	Antera_N	Antera_Q	Comprim. Espiga Central	Peso Final	Peso Inicial	Número Ramos Laterais
Temp	-0,00975	0,00257	0,04046	0,01973	-0,03029	0,02788
Temp_Dif	0,01356	-0,00037	-0,08704	-0,0258	0,04125	-0,0562
Alt. Total no Traço	0,02331	0,00294	0,1275	0,04556	0,07154	0,08408
Unidade	escala 1-4	escala 1-4	mms	grs	grs	contagem

Fig. 2