

(19) 日本国特許庁(JP)

(12) 公開特許公報(A)

(11) 特許出願公開番号

特開2020-58385

(P2020-58385A)

(43) 公開日 令和2年4月16日(2020.4.16)

(51) Int.Cl.	F I	テーマコード (参考)
C 1 2 N 5/0775 (2010.01)	C 1 2 N 5/0775	4 B 0 6 5
C 1 2 N 5/077 (2010.01)	C 1 2 N 5/077	4 C 0 8 7
A 6 1 K 35/545 (2015.01)	A 6 1 K 35/545	
A 6 1 P 1/04 (2006.01)	A 6 1 P 1/04	
A 6 1 P 1/16 (2006.01)	A 6 1 P 1/16	

審査請求 有 請求項の数 18 O L (全 46 頁) 最終頁に続く

(21) 出願番号	特願2019-239248 (P2019-239248)	(71) 出願人	511131789 出澤 真理 宮城県仙台市青葉区一番町1-9-2-1 507
(22) 出願日	令和1年12月27日 (2019.12.27)	(71) 出願人	511132063 藤吉 好則 京都府宇治市宇治塔川115-31
(62) 分割の表示	特願2018-188234 (P2018-188234) の分割	(71) 出願人	511132074 綱島 陽一 京都府京都市中京区東洞院通三条下る三文 字町205-3-1302
原出願日	平成22年7月15日 (2010.7.15)	(71) 出願人	511132085 若尾 昌平 宮城県仙台市青葉区木町通1-3-7-3 12
(31) 優先権主張番号	61/213,788		
(32) 優先日	平成21年7月15日 (2009.7.15)		
(33) 優先権主張国・地域又は機関	米国 (US)		
(31) 優先権主張番号	61/290,159		
(32) 優先日	平成21年12月24日 (2009.12.24)		
(33) 優先権主張国・地域又は機関	米国 (US)		

最終頁に続く

(54) 【発明の名称】 生体組織から単離できる多能性幹細胞

(57) 【要約】

【課題】本発明は、生体組織から多能性幹細胞を直接得る方法の提供及びそのようにして得られた多能性幹細胞の提供を目的とする。

【解決手段】生体組織からSSEA-3の発現が陽性であることを指標に得られる、SSEA-3陽性の多能性幹細胞を含む、損傷あるいは障害を受けた組織または器官を再生するための医薬組成物。

【選択図】なし

【特許請求の範囲】

【請求項 1】

生体組織からSSEA-3の発現が陽性であることを指標に得られる、SSEA-3陽性の多能性幹細胞の派生細胞又は誘導細胞である多能性幹細胞。

【請求項 2】

生体組織からSSEA-3の発現が陽性であることを指標に得られる、SSEA-3陽性及びCD105陽性の多能性幹細胞の派生細胞又は誘導細胞である多能性幹細胞。

【請求項 3】

生体組織が中胚葉系組織または間葉系組織である請求項 1 又は 2 に記載の多能性幹細胞の派生細胞又は誘導細胞である多能性幹細胞。

10

【請求項 4】

生体の間葉系組織又は培養間葉系細胞からSSEA-3の発現が陽性であることを指標に得られる、以下の性質のすべてを有する、SSEA-3陽性及びCD105陽性の多能性幹細胞の派生細胞又は誘導細胞である多能性幹細胞：

- (i) SSEA-3陽性；
- (ii) CD105陽性；
- (iii) テロメラーゼ活性が低いか又は無い；
- (iv) 三胚葉に分化する能力を持つ；
- (v) 腫瘍性増殖を示さない；及び
- (vi) セルフリニューアル能を持つ。

20

【請求項 5】

生体の間葉系組織又は培養間葉系細胞からSSEA-3の発現が陽性であること及び胚様体様細胞塊の形成を指標に得られる、以下の性質のすべてを有する、請求項 4 記載のSSEA-3陽性及びCD105陽性の多能性幹細胞の派生細胞又は誘導細胞である多能性幹細胞：

- (i) SSEA-3陽性；
- (ii) CD105陽性；
- (iii) テロメラーゼ活性が低いか又は無い；
- (iv) 三胚葉に分化する能力を持つ；
- (v) 腫瘍性増殖を示さない；
- (vi) セルフリニューアル能を持つ；及び
- (vii) 胚様体様細胞塊を形成する。

30

【請求項 6】

多能性幹細胞がCD117陰性及びCD146陰性である、請求項 4 又は 5 に記載の多能性幹細胞の派生細胞又は誘導細胞である多能性幹細胞。

【請求項 7】

多能性幹細胞がCD117陰性、CD146陰性、NG2陰性、CD34陰性、vWF陰性及びCD271陰性である、請求項 4 又は 5 に記載の多能性幹細胞の派生細胞又は誘導細胞である多能性幹細胞。

【請求項 8】

多能性幹細胞がCD34陰性、CD117陰性、CD146陰性、CD271陰性、NG2陰性、vWF陰性、Sox10陰性、Snail陰性、Slug陰性、Tyrp1陰性及びDct陰性である、請求項 4 又は 5 に記載の多能性幹細胞の派生細胞又は誘導細胞である多能性幹細胞。

40

【請求項 9】

生体組織からSSEA-3の発現が陽性であることを指標に得られる、SSEA-3陽性の多能性幹細胞を分化誘導して得られた、分化した細胞又は組織。

【請求項 10】

生体組織からSSEA-3の発現が陽性であることを指標に得られる、SSEA-3陽性及びCD105陽性の多能性幹細胞を分化誘導して得られた、分化した細胞又は組織。

【請求項 11】

生体組織が中胚葉系組織または間葉系組織である請求項 9 又は 10 に記載の多能性幹細胞

50

胞を分化誘導して得られた、分化した細胞又は組織。

【請求項 1 2】

生体の間葉系組織又は培養間葉系細胞からSSEA-3の発現が陽性であることを指標に得られる、以下の性質のすべてを有する、SSEA-3陽性及びCD105陽性の多能性幹細胞を分化誘導して得られた、分化した細胞又は組織：

- (i) SSEA-3陽性；
- (ii) CD105陽性；
- (iii) テロメラーゼ活性が低いか又は無い；
- (iv) 三胚葉に分化する能力を持つ；
- (v) 腫瘍性増殖を示さない；及び
- (vi) セルフリニューアル能を持つ。

10

【請求項 1 3】

生体の間葉系組織又は培養間葉系細胞からSSEA-3の発現が陽性であること及び胚様体様細胞塊の形成を指標に得られる、以下の性質のすべてを有する、請求項 1 2 記載のSSEA-3陽性及びCD105陽性の多能性幹細胞を分化誘導して得られた、分化した細胞又は組織：

- (i) SSEA-3陽性；
- (ii) CD105陽性；
- (iii) テロメラーゼ活性が低いか又は無い；
- (iv) 三胚葉に分化する能力を持つ；
- (v) 腫瘍性増殖を示さない；
- (vi) セルフリニューアル能を持つ；及び
- (vii) 胚様体様細胞塊を形成する。

20

【請求項 1 4】

多能性幹細胞がCD117陰性及びCD146陰性である、請求項 1 2 又は 1 3 に記載の多能性幹細胞を分化誘導して得られた、分化した細胞又は組織。

【請求項 1 5】

多能性幹細胞がCD117陰性、CD146陰性、NG2陰性、CD34陰性、vWF陰性及びCD271陰性である、請求項 1 2 又は 1 3 に記載の多能性幹細胞を分化誘導して得られた、分化した細胞又は組織。

【請求項 1 6】

多能性幹細胞がCD34陰性、CD117陰性、CD146陰性、CD271陰性、NG2陰性、vWF陰性、Sox10陰性、Snail陰性、Slug陰性、Tyrp1陰性及びDct陰性である、請求項 1 2 又は 1 3 に記載の多能性幹細胞を分化誘導して得られた、分化した細胞又は組織。

30

【請求項 1 7】

分化した細胞又は組織が、骨髄、脊髄、血液、脾臓、肝臓、肺、腸管、眼、脳、免疫系、循環系、骨、結合組織、筋、心臓、血管、膵臓、中枢神経系、末梢神経系、腎臓、膀胱、皮膚、上皮付属器、乳房-乳腺、脂肪組織、並びに口、食道、膣、肛門を含む粘膜からなる群から選択される、請求項 9 ~ 1 6 のいずれか 1 項に記載の分化した細胞又は組織。

【請求項 1 8】

請求項 9 ~ 1 7 のいずれか 1 項に記載の分化した細胞又は組織を含む医薬組成物。

40

【発明の詳細な説明】

【技術分野】

【0001】

本発明は生体組織由来の多能性幹細胞に関する。

【背景技術】

【0002】

プラナリアやイモリは体の一部を切断された後でも体を再生し得る。これらの、高い再生能力は、間葉系に存在する多能性幹細胞(adult pluripotent stem cell)の存在によっている。一方、ヒトなどの高等生物においては、組織再生能はこれらの動物に比較してはるかに低い。胚盤胞の内部細胞塊(ICM: Inner cell mass)は、多能性細胞の集まりと認

50

識されており、外胚葉、中胚葉、内胚葉系の細胞に分化する能力を持つ。しかしながら、発生が進むと共にこのような多能性が制限されていき、組織に特化した細胞に分化していく。

【0003】

近年、組織再生に貢献し得る成人幹細胞又は組織幹細胞が注目されている。しかし、哺乳類の成体に、プラナリアやイモリのように多能性(pluripotent)幹細胞が存在するかどうかは不明であった。

【0004】

成体から得られる分化能を有する細胞として、例えば骨、軟骨、脂肪細胞、神経細胞、骨格筋等への分化能を有する骨髄間葉系細胞画分(MSC: Bone marrow stromal cell)が報告されている(非特許文献1及び2を参照)。しかしながら、骨髄間葉系細胞画分は様々な細胞を含む細胞群であり、その分化能は多様でありながら本体がはっきりせず、また特定の細胞に分化させるために特定の化合物による刺激や遺伝子導入等が必要であり、分化誘導システムを構築する必要があった。

10

【0005】

さらに、成体由来の多能性幹細胞としてiPS細胞(induced pluripotent stem cell)(特許文献1、特許文献2、非特許文献3等を参照)が報告されていた。しかしながら、iPS細胞の樹立には、間葉系細胞である皮膚線維芽細胞画分(dermal fibroblast)に特定の遺伝子や特定の化合物を体細胞に導入するという特定の物質を用いた誘導操作が必要であった。

20

【先行技術文献】

【特許文献】

【0006】

【特許文献1】特許第4183742号公報

【特許文献2】特開2008-307007号公報

【非特許文献】

【0007】

【非特許文献1】M. DEZAWA et al., The Journal of Clinical Investigation, 113, 12, pp. 1701-1710, (2004)

【非特許文献2】M. DEZAWA et al., SCIENCE, 2005 July 8, 309, pp. 314-317, (2005)

30

【非特許文献3】Okita K. et al. SCIENCE, 2008 Nov 7, 322(5903), pp.949-953

【発明の概要】

【発明が解決しようとする課題】

【0008】

本発明は、生体組織から多能性幹細胞を直接得る方法の提供及びその方法により得られた多能性幹細胞の提供を目的とする。

【課題を解決するための手段】

【0009】

本発明者らは、骨髄間葉系細胞画分(MSC: Bone marrow stromal cell)についての研究過程において、無処理のヒトMSC細胞から極めて低い頻度で特徴的な細胞塊が形成されることを見出した。初期の細胞塊の外見はES細胞に酷似していた。しかしながら、ES細胞とは異なり無限増殖をせず、ある一定の期間である大きさに到達すると増殖が停止し、さらに毛、色素細胞などの種々の細胞を含む不均一な集団となった。また、この細胞塊について免疫細胞化学(immunocytochemistry)を行ったところ、外胚葉、中胚葉及び内胚葉マーカーにそれぞれ陽性の細胞が細胞塊内に混在して検出された。本発明者らは、この結果より、無処理の通常に維持・培養されている(naive)ヒトMSC細胞画分中に多能性細胞に相当する細胞が存在する可能性を考え、さらに鋭意検討を行った。

40

【0010】

生体がストレスに曝されたり、傷害を受けると休眠状態の組織幹細胞が活性化され、組織再生に寄与することが知られている。本発明者は、骨髄間葉系細胞画分や皮膚線維芽細胞

50

胞画分等の間葉系細胞又は中胚葉系細胞を培養している際に種々の方法でストレス刺激を与え（例えば、無血清培養、Hank's Balanced Salt Solution(HBSS)による培養、低酸素培養、トータル3時間の間欠的短時間トリプシン培養、8時間若しくは16時間の長時間のトリプシン培養等）、生存している細胞を集め、メチルセルロース(MC)含有培地中で浮遊培養(MC培養という)を行った。その結果、最大直径150 μ mまでの種々の大きさの胚様体様(embryoid body-like)細胞塊の形成が認められた。特に長時間のトリプシン処理を行ったヒト皮膚線維芽細胞画分及びヒトMSC画分において、最も多くの胚様体様細胞塊の形成率が認められた。

【0011】

本発明者らは、得られた胚様体様細胞塊中の細胞の特性を調べ、該細胞が多能性幹細胞の特性を有していることを見出した。さらに、本発明者らは、得られた胚様体様細胞塊中の細胞が従来報告されていた多能性幹細胞が有しない特性を有することを見出し、さらに、得られた細胞塊中の細胞の発現タンパク質を調べ、従来報告されていたES細胞、iPS細胞などの多能性幹細胞とは異なる発現パターンを示すことを見出した。

10

【0012】

本発明者らは、さらに上記多能性幹細胞の表面抗原としてSSEA-3が発現していることを見出し、SSEA-3の発現を指標に上記多能性幹細胞を生体組織からも単離し得ることを見出した。

【0013】

本発明者らは、上記多能性幹細胞は、新規な多能性幹細胞であり、従来報告されていたES細胞やiPS細胞などの多能性幹細胞と異なり、生体組織から誘導操作なしに、直接得られる多能性幹細胞であることを見出し、本発明を完成させるに至った。本発明者らは、該多能性幹細胞をMuse細胞(Multilineage-differentiating Stress Enduring cells)と名付けた。

20

【0014】

すなわち、本発明は以下のとおりである。

[1] 生体組織から単離できるSSEA-3陽性の多能性幹細胞。

該多能性幹細胞は、培養線維芽細胞や骨髄幹細胞等の生体組織の培養物からも単離することができ、また単一細胞として単離することができる。

[2] CD105陽性の[1]の多能性幹細胞。

30

【0015】

[3] CD117(c-Kit)陰性及びCD146陰性の[1]又は[2]の多能性幹細胞。

[4] CD117陰性、CD146陰性、NG2陰性、CD34陰性、vWF陰性及びCD271陰性の[1]又は[2]の多能性幹細胞。

【0016】

[5] CD34陰性、CD117陰性、CD146陰性、CD271陰性、NG2陰性、vWF陰性、Sox10陰性、Snail陰性、Slug陰性、Tyrp1陰性及びDct陰性の[1]又は[2]の多能性幹細胞。

[6] テロメラゼ活性が低いか又は無い、[1]~[5]のいずれかの多能性幹細胞。

【0017】

[7] 三胚葉に分化する能力を持つ、[1]~[6]のいずれかの多能性幹細胞。

40

本発明の多能性幹細胞は、in vitroの接着培養で三胚葉に分化する能力を有し、in vitroで誘導培養することにより、皮膚、肝、神経、筋、骨、脂肪等に分化し得る。また、in vivoで精巣に移植した場合にも三胚葉に分化する能力を有する。さらに、静注により生体に移植することで損傷を受けた臓器(皮膚、脊髄、肝、筋肉等)に生着し分化する能力を有する。

【0018】

[8] 腫瘍性増殖を示さない、[1]~[7]のいずれかの多能性幹細胞。

本発明の多能性幹細胞は、浮遊培養で増殖速度約1.3日で増殖するが10日間程度で増殖が止まるという性質を有し、さらに精巣に移植した場合少なくとも半年間は癌化しないという性質を有する。

50

【 0 0 1 9 】

[9] セルフリニューアル能を持つ、[1] ~ [8] のいずれかの多能性幹細胞。

本発明の多能性幹細胞は、浮遊培養と接着培養の操作を繰り返すことにより増殖させることができる。また、本発明の多能性幹細胞は他の体性幹細胞と同じく、非対称分裂をする。

[1 0] ストレス耐性である、[1] ~ [9] のいずれかの多能性幹細胞。

[1 1] 貪食能が高い、[1] ~ [1 0] のいずれかの多能性幹細胞。

【 0 0 2 0 】

[1 2] 以下に示す 2 2 個のオドラント受容体の少なくとも一つが陽性の [1] ~ [1 1] のいずれかの多能性幹細胞：

olfactory receptor, family 8, subfamily G, member 2 (OR8G2) ;

olfactory receptor, family 7, subfamily G, member 3 (OR7G3) ;

olfactory receptor, family 4, subfamily D, member 5 (OR4D5) ;

olfactory receptor, family 5, subfamily AP, member 2 (OR5AP2) ;

olfactory receptor, family 10, subfamily H, member 4 (OR10H4) ;

olfactory receptor, family 10, subfamily T, member 2 (OR10T2) ;

olfactory receptor, family 2, subfamily M, member 2 (OR2M2) ;

olfactory receptor, family 2, subfamily T, member 5 (OR2T5) ;

olfactory receptor, family 7, subfamily D, member 4 (OR7D4) ;

olfactory receptor, family 1, subfamily L, member 3 (OR1L3) ;

olfactory receptor, family 4, subfamily N, member 4 (OR4N4) ;

olfactory receptor, family 2, subfamily A, member 7 (OR2A7) ;

guanine nucleotide binding protein (G protein), alpha activating activity polypeptide, olfactory type (GNAL) ;

olfactory receptor, family 6, subfamily A, member 2 (OR6A2) ;

olfactory receptor, family 2, subfamily B, member 6 (OR2B6) ;

olfactory receptor, family 2, subfamily C, member 1 (OR2C1) ;

olfactory receptor, family 52, subfamily A, member 1 (OR52A1) ;

olfactory receptor, family 10, subfamily H, member 3 (OR10H3) ;

olfactory receptor, family 10, subfamily H, member 2 (OR10H2) ;

olfactory receptor, family 51, subfamily E, member 2 (OR51E2) ;

olfactory receptor, family 5, subfamily P, member 2 (OR5P2) ; 及び

olfactory receptor, family 10, subfamily P, member 1 (OR10P1)。

【 0 0 2 1 】

[1 3] 以下に示す 5 個のケモカイン受容体の少なくとも一つが陽性の [1] ~ [1 2] のいずれかの多能性幹細胞：

chemokine (C-C motif) receptor 5 (CCR5) ;

chemokine (C-X-C motif) receptor 4 (CXCR4) ;

chemokine (C-C motif) receptor 1 (CCR1) ;

Duffy blood group, chemokine receptor (DARC) ; 及び

chemokine (C-X-C motif) receptor 7 (CXCR7)。

【 0 0 2 2 】

[1 4] 中胚葉系組織または間葉系組織由来である、[1] ~ [1 3] のいずれかの多能性幹細胞。

[1 5] [1] ~ [1 4] のいずれかの多能性幹細胞を含む細胞塊または細胞画分。

【 0 0 2 3 】

[1 6] 生体組織から、以下の (i) ~ (vi) の特性の少なくとも一つの特性を指標に多能性幹細胞又は多能性細胞画分を単離する方法：

(i) SSEA-3陽性；

(ii) CD105陽性；

10

20

30

40

50

- (iii) CD117陰性及びCD146陰性；
- (iv) CD117陰性、CD146陰性、NG2陰性、CD34陰性、vWF陰性及びCD271陰性；
- (v) CD34陰性、CD117陰性、CD146陰性、CD271陰性、NG2陰性、vWF陰性、Sox10陰性、Snail陰性、Slug陰性、Tyrp1陰性及びDct陰性；並びに
- (vi) テロメラーゼ活性が低いか又は無い。

【0024】

[17] 生体組織由来細胞を細胞ストレスに暴露し生き残った細胞を回収することを含む多能性幹細胞又は多能性細胞画分を単離する方法。

[18] 細胞ストレスが、プロテアーゼ処理、低酸素条件下での培養、低リン酸条件下での培養、血清飢餓状態での培養、糖飢餓状態での培養、放射線曝露下での培養、熱ショックへの曝露下での培養、有害物質存在下での培養、活性酸素存在下での培養、機械的刺激下での培養及び圧力処理下での培養から選択される、[17]の多能性幹細胞又は多能性細胞画分を単離する方法。

[19] 細胞ストレスが、トリプシン処理である、[18]の多能性幹細胞又は多能性細胞画分を単離する方法。

【0025】

[20] [1]~[14]のいずれかの多能性幹細胞の派生細胞又は誘導細胞である多能性幹細胞。

該派生細胞又は誘導細胞として、例えば、遺伝子の導入や、化合物を添加により誘導した細胞が挙げられる。また、本発明の幹細胞由来のiPS細胞が挙げられる。

[21] [1]~[14]のいずれかの多能性幹細胞の派生細胞又は誘導細胞である分化した細胞。

[22] [1]~[14]及び[20]のいずれかの多能性幹細胞を含む医薬組成物。

【0026】

[23] [21]の分化した細胞を含む医薬組成物。

本明細書は本願の優先権の基礎である米国仮出願61/213,788号及び米国仮出願61/290,159号の明細書および/または図面に記載される内容を包含する。

【発明の効果】

【0027】

本発明により、生殖細胞や初期胚を利用することなく、かつ外来遺伝子の導入や特定の化合物の導入等の人為的な誘導操作を経ずに、生体組織から多能性幹細胞を得ることができる。外来遺伝子の導入等の人為的操作を経ないために、本発明の多能性幹細胞は効率的に作製することが可能であり、治療に用いる場合であっても安全に用いることができる。また、本発明の多能性幹細胞は、再生医療や機能不全組織の治療等に用いることができ、さらに、細胞分化や組織再生の研究等に用いることができる。

【図面の簡単な説明】

【0028】

【図1-1】図1-1は、間葉系細胞画分、Muse細胞及びMuse細胞由来の胚様体様細胞塊の関係を示す図である。図1に示すように、SSEA-3陽性細胞を直接分離し、長時間のストレスをかけることなく浮遊培養することによりMuse細胞由来の胚様体様細胞塊を得ることができる。

【図1-2】図1-2は、Muse細胞を大量に増殖させる方法を示す図である。

【図2】図2は、Muse細胞由来の胚様体様細胞塊/無処理細胞画分での発現量の比が高い因子を示す図である。

【図3】図3は、Muse細胞由来の胚様体様細胞塊/ヒトES細胞での発現量の比が高い因子を示す図である。

【図4】図4は、MACSソーティングのプロトコールを示す図である。

【図5】図5は、ヒト線維芽細胞(H-fibroblast)画分の16時間の長時間トリプシン処理後(図5a)及び1800~2200rpm/分で3分間ボルテックス処理を行った後(図5b)のトリパンブルー染色像にて死細胞の除去を示す写真である。

10

20

30

40

50

【図6】図6は、各種細胞の写真である。図6aは富Muse細胞画分の中の1細胞(バーは10 μ m)、図6bはヒトES細胞由来の胚様体細胞塊(バーは25 μ m)、図6cは直径約25 μ mのMuse細胞由来の胚様体様細胞塊(バーは25 μ m)、図6dはヒトES細胞由来細胞塊4日目のアルカリフォスファターゼ染色像(バーは25 μ m)、図6e~gはMuse細胞由来の胚様体様細胞塊のOct3/4(e)、Sox2(f)及びPAR4(g)の免疫染色像を示す写真である。

【図7-1】図7-1は、H-fibroblast画分及びヒトMSC(H-MSC)画分由来の細胞塊の特徴を示す写真である。図7-1a及びbは無処理ヒトMSC画分の通常の接着培養において自発的に生じた細胞塊(バーは100 μ m)を示す。図7-1c及びdは0日目(c)及び7日目(d)のH-fibroblast-1画分の長時間トリプシン処理後のMC培養の状態を示し(バーは100 μ m)、図7-1dの矢印はMuse細胞由来胚様体様細胞塊を示す。図7-1e及びfはMC培養7日後のH-fibroblast-1画分から形成されたMuse細胞由来胚様体様細胞塊を示す(バーは50 μ m)。

【図7-2】図7-2は、H-fibroblast画分及びヒトMSC(H-MSC)画分由来の細胞塊の特徴を示す写真である。図7-2g-lはH-fibroblast画分から形成されたMuse細胞由来胚様体様細胞塊(図7-2g、i及びk)及びH-MSC画分から形成されたMuse細胞由来胚様体様細胞塊(図7-2h、j及びl)のNanog(図7-2g及びj)、Oct3/4(図7-2h)、SSEA-3(図7-2i)、PAR4(図7-2k)及びSox2(図7-2l)の局在を示す免疫染色の結果を示す(バーは50 μ m)。

【図7-3】図7-3は、H-fibroblast画分及びヒトMSC(H-MSC)画分由来の細胞塊の特徴を示す写真である。図7-3m-oはヒトES細胞(図7-3m)、H-fibroblast画分由来のMuse細胞由来胚様体様細胞塊(図7-3n)及び無処理H-fibroblast-1画分(図7-3o)のアルカリフォスファターゼ染色の結果を示す(バーは50 μ m)。

【図7-4】図7-4は、H-fibroblast画分及びヒトMSC(H-MSC)画分由来の細胞塊の特徴を示す電子顕微鏡写真である。図7-4p-rはヒトES細胞胚様体(図7-4p、MC培養3日目)、H-fibroblast-1画分由来のMuse細胞由来胚様体様細胞塊(図7-4q及びr、MC培養5日目)の電子顕微鏡像を示す(バーは5 μ m)。

【図8-1】図8-1は、Muse細胞由来胚様体様細胞塊(M-cluster)のクローナリティー及びセルフリニューアルを示す図であり、Muse細胞のクローナリティー及びセルフリニューアルを決定するために行った実験の概要を示す図である。

【図8-2】図8-2は、Muse細胞の浮遊培養における増殖速度を示す図である。

【図8-3】図8-3は単一のMuse細胞由来胚様体様細胞塊(H-fibroblast-1由来、第1世代(サイクル))から増殖した細胞(clonally expanded cells)の正常核型を示す図である。

【図9-1】図9-1は、Muse細胞由来胚様体様細胞塊の分化を示す図である。a-cはH-fibroblast-1画分由来の分化細胞の塊の平滑筋アクチン及び神経フィラメント(図9-1a及びb)並びに α -フェトプロテイン(図9-1c)の局在を示す免疫染色像である(バーは図9-1aが500 μ m、図9-1b及びcが50 μ m)。図9-1aの矢頭は接着したMuse細胞由来胚様体様細胞塊を示す。

【図9-2】図9-2は無処理細胞画分、H-fibroblast画分由来の第1及び第3世代のMuse細胞由来胚様体様細胞塊(Cluster)をゲラチン上で培養し自発的分化を誘導した細胞群における α -フェトプロテイン(α -FP)、GATA6、MAP-2及びNkx2.5発現のRT-PCR分析の結果を示す。陽性コントロールとしては α -FPに対してヒト胎児肝臓を、GATA6、MAP-2及びNkx2.5に対してはヒト胚全体を用いた。

【図9-3】図9-3e-lは富Muse細胞画分を投与した免疫不全マウスの精巣を示す。図9-3eはコントロール(intact)となる無傷の精巣並びにマウスES細胞(mES cells)(8週)、MEF(フィーダー細胞)(8週)、Muse細胞由来胚様体様細胞塊(M-cluster)(6ヶ月)及び富Muse細胞画分(Muse)(6ヶ月)を投与した精巣を示す。図9-3f-iは富Muse細胞画分又はMuse細胞由来胚様体様細胞塊を投与した精巣組織の神経フィラメントM(図9-3f、写真では緑に染色)、 α -フェトプロテイン(図9-3g、写真では緑に染色)及び平滑筋アクチン(図9-3h、図では赤に染色)の免疫染色像を示す(バーは50 μ m)。図9-3iの3枚のパネルはヒトミトコンドリア(緑に染色)及び平滑筋アクチン(赤に染色)の

10

20

30

40

50

二重染色像を示す(バーは20 μ m)。図9-3j-lは富Muse細胞画分を投与した精巢の組織像を示す(図9j及びk)。図9kに認められるチューブ様の構造はヒトミトコンドリアに対する抗体で染色されている(バーは図9-3jが500 μ m、図9-3k-lが50 μ m)。

【図10a】図10aは、H-fibroblast(Fibro-1, Fibro-2)及びH-MSC(MSC-1, MSC-2)のpluripotency及び未分化細胞状態に関する因子の定量PCRの結果を示す図である(その2)。図中のカラムの様子は富Muse細胞画分及びMuse細胞由来胚様体様細胞塊(7日目)の無処理細胞画分に比較した遺伝子発現レベルを示す。白は富Muse細胞群又はMuse細胞由来胚様体様細胞塊/無処理細胞画分の比が1/3より大きく3より小さいものを示し、グレーは富Muse細胞画分又はMuse細胞由来胚様体様細胞塊/無処理細胞画分の比が3より大きいものを示し、斜線は富Muse細胞画分又はMuse細胞由来胚様体様細胞塊/無処理細胞画分の比が1/3より小さいものを示す。

10

【図10b】図10bは、H-MSC由来の無処理細胞画分(Naive)、富Muse細胞画分(Muse)及びMuse細胞由来胚様体様細胞塊(M-cluster)(7日目)のテロメラーゼ活性を示す図である。熱不活性化サンプル(Heat)を陰性コントロールとして用いた。

【図11】図11は、H-fibroblast画分及びH-MSC画分由来の無処理細胞画分、富Muse細胞画分及びMuse細胞由来胚様体様細胞塊のDNAマイクロアレイ分析の結果を示す図である。

【図12】図12は、ヒト骨髄の単核球成分からSSEA-3/CD105二重陽性細胞として直接採取したMuse細胞をMC培養し、形成された胚様体様細胞塊を示す写真である。図12aはヒト骨髄から単離し8時間の長時間トリプシン処理を行った単核細胞画分をMC培養し(8hr-hBM-MC、7日)形成されたMuse細胞由来胚様体様細胞塊を示す(バーは100 μ m)。図12bは8hr-hBM-MC(7日)により形成されたMuse細胞由来胚様体様細胞塊のアルカリフォスファターゼ染色像を示す(バーは50 μ m)。

20

【図13】図13は、無処理H-MSC-1画分(naive 1)、無処理H-MSC-2画分(naive 2)(いずれもネガティブコントロール)、並びに8時間のトリプシン処理を行ったヒト骨髄由来単核細胞画分(8hr-hBM)あるいはトリプシン処理を行わないヒト骨髄由来単核細胞画分(naive hBM)から形成されたMuse細胞由来胚様体様細胞塊をゲラチンの上で培養し自発的分化を誘導した細胞群における α -フェトプロテイン(α -FP)、GATA6、MAP-2及びNkx2.5のRT-PCR分析の結果を示す図である。

【図14】図14は、H-fibroblast画分(無処理細胞)及びH-MSC画分(無処理細胞)のFACS分析の結果を示す図である。

30

【図15-1】図15-1は、無処理細胞画分中のSSEA-3陽性細胞(15-1a左)、及びACSソーティングにより採取したSSEA-3陽性細胞由来の単一Muse細胞由来胚様体様細胞塊からクローン増殖したSSEA-3陽性細胞(15-1a右)の染色像を示す写真である。図中のバーは100 μ mである。

【図15-2】図15-2は、Muse細胞(H-fibroblast)の細胞分裂中の非対称分裂に関わる因子であるNumblike(緑色)の局在を示す染色像を示す写真である。図中のバーは10 μ mである。

【図15-3】図15-3は、H-fibroblast由来のSSEA-3陰性細胞(図15-3c)及びSSEA-3陽性細胞(図15-3d)の電子顕微鏡写真である。図中のバーは5 μ mである。

40

【図15-4】図15-4は、H-fibroblast由来Muse細胞のOct3/4(緑色)(図15-4e)、Sox2(緑色)(図15-4f)及びSSEA-3(赤色)(図15-4g)の染色像を示す写真である。

【図16-1】図16-1は、超免疫不全マウス(Nog マウス)損傷組織におけるGFP標識SSEA-3陽性Muse細胞画分の分化を示す写真である。図16-1N及びOは圧迫損傷脊髄(4週間後)におけるGFP陽性細胞であり、ニューロフィラメント(赤色)及びヒトゴルジ複合体(白色)を発現している。OはNの四角で囲んだ部分の拡大像である。図16-1Pは損傷肝臓(4週間後)のGFP陽性標識細胞であり、ヒトアルブミン(赤色)及びヒトゴルジ複合体(白色)を発現している。

【図16-2】図16-2は、RT-PCRで調べた、SSEA-3陽性Muse細胞を移植した肝臓にお

50

けるヒトアルブミンの発現を示す写真である。

【図16-3】図16-3は、超免疫不全マウス(Nog マウス)損傷組織におけるGFP標識SS EA-3陽性Muse細胞画分の分化を示す写真であり、ヒトジストロフィン(赤色)を発現している筋肉(3週間後)のGFP陽性細胞を示す写真である。

【図17-1】図17-1は、単一Muse細胞から形成されたMuse細胞由来胚様体様細胞塊から増殖させた細胞の分化を示す写真である。図17-1A~Dは、神経誘導の結果を示し、Aは形成されたsphereを示し、さらにsphereの免疫染色データとしてBはネスチン、CはMusashi、DはNuroDの発現を示す。Eはこれらのsphereをさらに神経系細胞への分化をさせたものであり、MAP-2陽性細胞を示す。図17-1F~Gは、骨細胞誘導の結果を示し、オステオカルシン(F)及びALP(G)の発現を示す。図17-1H及びIは、脂肪細胞誘導の結果を示し、Hは油滴を含む細胞を示し、Iはオイルレッド染色の結果を示す。図17-1Jは、肝臓細胞誘導の結果を示し、 α -フェトプロテイン陽性細胞を示す。

10

【図17-2】図17-2は、RT-PCRで調べた、肝臓細胞誘導した細胞におけるヒトアルブミン及びヒト α -フェトプロテインの発現を示す写真である。

【図18-1】図18-1は、RT-PCRで調べた、SSEA-3陽性Muse細胞におけるSox10、Snail1、Slug、Tyrp1及びDctの発現を示す写真である。

【図18-2】図18-2は、FACSで分析したNG2、CD34、vWF、CD117、CD146及びCD271の発現を示す図である。無処理ヒト皮膚線維芽細胞において、周皮細胞(pericyte)マーカーであるNG2、内皮前駆細胞マーカーであるCD34及びvWFは陰性であり、SSEA-3陽性細胞でも陰性であった。メラノblastマーカーであるCD117、周皮細胞(pericyte)マーカーであるCD146、NCSCマーカーであるCD271は、無処理ヒト皮膚線維芽細胞では、わずかに陽性細胞が認められたが(それぞれ0.2%、0.2%及び0.8%)、それらはSSEA-3陰性細胞であったためMuse細胞ではないと考えられる。

20

【図18-3】図18-3は、Muse細胞がフェライトを貪食したことを示す図である。

【図19】図19は、Muse細胞から作製したiPS細胞の形成を示す写真であり、図19aは、皮膚線維芽細胞(NHDF)由来Muse細胞から誘導されたヒトiPS細胞の形態を示し、図19b~fは、多能性細胞マーカー(bがNonog、cがOct3/4、dがSox2、eがSSEA-3、fがTra-1-60)の発現を示す。

【図20】図20は、Nonog(E)、Oct3/4(F)、Sox2(G)及びTra-1-81(H)の免疫組織化学の結果を示す写真である。

30

【図21】図21は、Muse由来iPS細胞(Mi-1, Mi-2)及びSSEA-3陰性細胞から増殖したコロニー((-)-1, (-)-2)のRT-PCRにより調べた多能性マーカーの発現を示す写真である。

【図22-1】図22-1は、Oct3/4、Sox2、Klf4、c-Myseをレトロウイルスで導入し、その後フィーダー細胞MEF上で培養した30日後のSSEA-3陽性及び陰性細胞から形成されたコロニーのTra-1-81免疫染色の結果を示す写真である。ヒトES細胞をコントロールとして用いている。SSEA-3陽性細胞からのコロニー(a1)及びヒトES細胞(a2)はTra-1-81陽性であるが、SSEA-3陰性細胞からのコロニーはすべて陰性である。

【図22-2】図22-2は、22-1と同じくMEFで30日培養した段階におけるSSEA-3陽性及び陰性細胞の多能性マーカー(内因性Oct3/4(endo Oct)、内因性Sox2(endo Sox2)、Nanog、内因性Klf4(endo Klf4)、Rex1及びUTF1)の発現を示す写真である。SSEA-3陰性細胞群ではSox2、Nanogのシグナルが見られない。

40

【図22-3】図22-3は、Muse細胞から誘導したiPS細胞(Muse細胞由来iPS細胞)(図22-3C及びC1)及びSSEA-3陰性細胞から増殖したコロニー(図22-3D及びD1)のコロニーを示す写真である。

【図23-1】図23-1は、皮膚線維芽細胞(NHDF)由来Muse細胞から誘導されたiPS細胞のin vitroでの分化の様子を示す写真である。図23-1iは、内胚葉マーカーである α -フェトプロテイン(緑色)及び中胚葉マーカーである平滑筋アクチン(赤色、青色はDNA)の発現を示し、図23-1jは、外胚葉マーカーである神経フィラメント(緑色)の発現を示す。

【図23-2】図23-2は、Muse細胞から誘導されたiPS細胞のin vitroでの分化のRT-P

50

CR分析結果を示す図であり、3胚葉マーカーの発現を示す。

【図23-3】図23-3は、皮膚線維芽細胞(NHDF)由来Muse細胞から誘導されたiPS細胞から形成されたテラトーマの組織構造を示す写真であり、HE(Hematoxylin及びeosin)染色により、iPS細胞が種々の組織に分化していることを示している。図23-3mは、軟骨(cartilage)、図23-3nは筋肉(Muscle)、図23-3oは神経上皮(neural epithelium)、図23-3pは色素上皮(pigmented epithelium)、図23-3qは円柱上皮(columnar epithelium)を示す。

【図24】図24は、SSEA-3陰性細胞画分、Muse細胞由来胚様体様細胞塊及びMuse由来iPS細胞のNanog遺伝子及びOct3/4遺伝子のBisulfite(亜硫酸水素塩)シーケンスの結果を示す図である。それぞれのカラムの数値は、転写開始部位(TSS)の下流に対すCpGの位置を示す。白丸はメチル化されていないシトシンを、黒丸は、メチル化されたシトシンを示す。

10

【図25】図25は、無処理線維芽細胞(Naive)、Muse細胞由来胚様体様細胞塊(Cluster)及びiPS細胞中の細胞周期に関連した因子の定量PCRの結果を示す図である。「/Naive」で示されるカラム中、白カラムは、無処理細胞に対するMuse画分又はMuse細胞由来胚様体様細胞塊との比が2未満で1/2より大きいことを示す。また、塗りつぶされたカラムは比が2より大きいことを示し、斜線が引かれたカラムは、比が1/2より小さいことを示す。「/iPS」で示されるカラム中、「*」は、発現された遺伝子の量がiPSよりMuse細胞由来胚様体様細胞塊で大きいことを示し、「**」は、発現された遺伝子の量がMuse細胞由来胚様体様細胞塊よりiPSで大きいことを示す。

20

【図26】図26は、無処理線維芽細胞(Naive)、Muse細胞由来胚様体様細胞塊(Cluster)及びiPS細胞中の多能性及び未分化細胞状態に関連した因子の定量PCRの結果を示す図である。各カラムの意味は図25と同じである。

【図27】図27は、ヒト及びマウスモデルにおいて作製されたiPS細胞株の誘導効率に関する論文報告をまとめた図である。図27は核のリプログラミングを誘導する転写因子の組合せを示している。

【発明を実施するための形態】

【0029】

以下、本発明を詳細に説明する。

本発明は、生体の生体組織から直接得ることができる多能性(pluripotent)幹細胞又は多能性幹細胞画分及び該多能性幹細胞又は該多能性幹細胞画分を単離する方法、並びに該方法により得られた生体組織由来の多能性幹細胞又は多能性幹細胞画分である。本発明の多能性幹細胞をMuse細胞(multilineage differentiating stress enduring cells)という。

30

【0030】

本発明において、細胞画分というときは、単離したい細胞を少なくとも一定量含む細胞群のことをいう。例えば、多能性幹細胞画分とは、多能性幹細胞を1%以上、10%以上、30%以上、50%以上、70%以上、90%以上、又は95%以上含む細胞群が挙げられ、多能性幹細胞の培養によって得られる細胞塊や多能性幹細胞を濃縮した細胞群を含む。また、前記細胞画分を実質的に均一な細胞画分ということもある。

40

【0031】

生体は、哺乳動物の生体をいい、ある程度発生が進んだ動物体をいう。本発明において、生体には、受精卵や胞胚期より発生段階が前の胚は含まれないが、胎児や胞胚を含む胞胚期以降の発生段階の胚は含まれる。哺乳動物は限定されないが、例えばヒト、サル等の霊長類、マウス、ラット、ウサギ、モルモット等のげっ歯類、ネコ、イヌ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ウマ、ロバ、ヤギ、フェレット等が含まれる。本発明の多能性幹細胞は、生体の組織由来である点で、胚性幹細胞(ES細胞)や胚性生殖幹細胞(EG細胞)と明確に区別される。

【0032】

中胚葉系組織とは、動物の初期発生途上で現れる中胚葉起源の組織をいい、筋肉系組織

50

、結合組織、循環系組織、排泄系組織、生殖系組織等が含まれる。例えば、本発明の多能性幹細胞は、骨髄液や真皮結合組織等の皮膚組織から得ることができる。

【0033】

間葉系組織とは、骨、軟骨、脂肪、血液、骨髄、骨格筋、真皮、靭帯、腱、心臓、などの組織をいう。例えば、本発明の多能性幹細胞は、骨髄や皮膚から得ることができる。また、臍帯から得ることもできる。

【0034】

細胞が組織から直接得ることができるとは、組織から単離することができ、外来遺伝子や外来タンパク質の導入又は化合物の投与などの化合物処理等の人為的な誘導操作を経ずに得られることを意味する。ここで、外来遺伝子は、限定されないが、例えば体細胞の核を初期化し得る遺伝子をいい、例えば、Oct3/4遺伝子等のOctファミリー遺伝子、Klf遺伝子等のKlfファミリー遺伝子、c-Myc遺伝子等のMycファミリー遺伝子、Sox2遺伝子等のSoxファミリー遺伝子が挙げられる。また、外来タンパク質としてはこれらの遺伝子がコードするタンパク質やサイトカインが挙げられる。さらに、化合物としては、例えば、上記の体細胞の核を初期化し得る遺伝子の発現を誘導する低分子化合物やDMSO、還元剤として機能する化合物、DNAメチル化剤等が挙げられる。本発明の多能性幹細胞は、生体あるいは組織から直接得ることができるという点で、iPS(induced pluripotent stem cell)細胞及びES細胞とは明確に区別される。なお、本発明においては、細胞の培養、細胞の表面マーカーを指標に細胞又は細胞画分を単離すること、細胞を細胞ストレスに曝露すること、及び細胞に物理的衝撃を与えることは、人為的な誘導操作には含まれない。また、本発明の多能性細胞は、リプログラミング又は脱分化の誘導を必要とせずに行われることを特徴としてもよい。

【0035】

本発明の多能性幹細胞は、生体の中胚葉系組織又は間葉系組織等に存在していると考えられ、本発明においては、これらの組織に存在している細胞又は細胞画分を単離する。本発明の多能性幹細胞は、例えば、骨髄に存在しており、骨髄から血液等を介して生体の各組織に供給される可能性がある。このため骨髄や、皮膚等の生体の各組織、さらには血液から単離することが可能である。

【0036】

多能性幹細胞とは、pluripotencyを有している細胞をいい、以下の特性を有する。

- (1) Nanog、Oct3/4、SSEA-3、PAR-4及びSox2等の多能性マーカー(Pluripotent marker)を発現する。
- (2) 1細胞から増殖し、自己のクローンを作り続けるクローナリティー(Clonality)を有する。
- (3) 自己複製(セルフリニューアル)能を有する。
- (4) 3胚葉系(内胚葉系、中胚葉系及び外胚葉系)へin vitro及びin vivoで分化し得る。
- (5) マウスの精巣や皮下に移植した場合、3胚葉系への分化を呈する。
- (6) アルカリフォスファターゼ染色で陽性となる。

【0037】

本発明の多能性幹細胞は、pluripotencyを有している点で、成人幹細胞、組織幹細胞とは明確に区別される。また、本発明の多能性幹細胞は、pluripotencyを有している単一の又は複数の細胞として単離されている点で、骨髄間葉系細胞等の細胞画分とは明確に区別される。

【0038】

さらに、本発明の多能性幹細胞は、以下の特性を有する。

- (i) 増殖速度が比較的緩やかで、分裂周期が1日以上、例えば1.2~1.5日である。ただし、ES細胞やiPS細胞が示すような無限増殖は示さない。
- (ii) 免疫不全マウスに移植した場合に内胚葉系、中胚葉系及び外胚葉系への分化を示す。ES細胞やiPS細胞ではテラトーマが短期間で癌化するのに比べ、半年以上癌化しない

10

20

30

40

50

ことを特徴とする。

- (iii) 浮遊培養により胚様体様細胞塊を形成する。
- (iv) 浮遊培養にて胚様体様細胞塊を形成し、10日程度で増殖が停止する。その後、接着培養に移動させることにより再増殖する。
- (v) 増殖の際に非対称分裂を伴う。

【0039】

- (vi) 核型は正常である。
- (vii) テロメラーゼ活性が無いか又は低い。ここで、テロメラーゼ活性が無いか又は低いとは、例えばTRAPEZE XL telomerase detection kit (Millipore社)を用いてテロメラーゼ活性を検出した場合に検出できないか又は低いことをいう。テロメラーゼ活性が低いとは、例えば、ヒト線維芽細胞と同程度のテロメラーゼ活性を有しているか、あるいはHela細胞に比べて1/5以下、好ましくは1/10以下のテロメラーゼ活性を有していることをいう。
- (viii) メチル化の状態については、Muse細胞から誘導したiPS細胞に関してはNanogおよびOct3/4のプロモータ領域のメチル化レベルが低い。

- (ix) 貪食能が高い。
- (x) 腫瘍性増殖を示さない。ここで、腫瘍性増殖を示さないとは、浮遊培養を行った場合、一定の大きさの細胞塊(クラスター)に達すると増殖が止まり、無限増殖しないことをいう。また免疫不全マウスの精巣に移植しても奇形腫を形成しないことである。なお、上記(i)~(iv)等も腫瘍性増殖を示さないことに関連する。

【0040】

すなわち、本発明の細胞は、例えば以下の多能性幹細胞である。

- (A) 生体の中胚葉系組織又は間葉系組織等から得られる細胞であって、当該細胞内に化学物質、外来遺伝子又は外来タンパク質を導入することなく直接得ることができる多能性幹細胞。
- (B) 生体の中胚葉系組織又は間葉系組織等が、骨髄、皮膚、血液、臍帯、脂肪などからなる群から選択される上記(1)の特性を有する多能性幹細胞。
- (C) リプログラミングまたは脱分化を誘導することなく得ることができる、上記(A)又は(B)の多能性幹細胞。
- (D) 精巣へ移植した場合に、少なくとも半年間は癌化しない、上記(A)又は(B)の多能性幹細胞。
- (E) ES細胞、iPS細胞のように無限増殖を示さない、上記(A)又は(B)の多能性幹細胞。
- (F) 生体の中胚葉系組織又は間葉系組織等由来の多能性幹細胞であって、生体の中胚葉系組織又は間葉系組織等の細胞をプロテアーゼで処理したときに生き残る、プロテアーゼに耐性である多能性幹細胞。

【0041】

さらに、本発明の多能性幹細胞は、生体の中胚葉系組織又は間葉系組織等の細胞に細胞ストレスをかけ、生き残った細胞を回収することにより単離することができる。ここで、細胞ストレスとは外的ストレスをいい、プロテアーゼ処理、低酸素条件下での培養、低リン酸条件下での培養、血清飢餓状態での培養、糖飢餓状態での培養、放射線曝露下での培養、熱ショックへの曝露下での培養、有害物質存在下での培養、活性酸素存在下での培養、機械的刺激下での培養、圧力処理下での培養等によりストレスに曝露することをいう。この中でもプロテアーゼ処理、すなわちプロテアーゼ存在下での培養が好ましい。プロテアーゼは限定されず、トリプシン、キモトリプシン等のセリンプロテアーゼ、ペプシン等のアスパラギン酸プロテアーゼ、パパイン、キモパパイン等のシステインプロテアーゼ、サーモリシン等の金属プロテアーゼ、グルタミン酸プロテアーゼ、N-末端スレオニンプロテアーゼなどを用いることができる。プロテアーゼを培養に添加する際の添加濃度は限定されず、一般的にシャーレ等で培養した付着細胞を剥がすときに用いる濃度で用いればよい。本発明の多能性幹細胞は、上記外的ストレスに耐性を有する幹細胞、例えば、トリブ

シンに耐性を有する細胞ということができる。

【0042】

生体の中胚葉系組織又は間葉系組織等は限定されず、骨髄単核細胞、皮膚細胞等の線維芽細胞画分、歯髄組織、眼球組織、毛根組織等が含まれる。細胞としては、培養細胞も組織から採取した細胞も用いることもできる。この中でも、骨髄細胞、皮膚細胞が望ましく、例えば、ヒト骨髄間葉系細胞(MSC)画分又はヒト皮膚線維芽細胞画分が挙げられる。骨髄間葉系細胞画分は、骨髄穿刺液を2~3週間培養することにより得ることができる。

【0043】

上記の各種のストレスを受けた組織の細胞の大部分は死滅し、生き残った細胞中に本発明の多能性幹細胞が含まれる。細胞にストレスをかけたのち、死細胞を除去する必要があるが、プロテアーゼを用いた場合は、これらの死細胞はプロテアーゼの作用により分解される。

【0044】

また、細胞にストレスをかけた後に、細胞に物理的衝撃を与え壊れ易くなった細胞を除去してもよい。物理的衝撃は、例えば激しいピペッティング、激しい攪拌、ボルテックス等により与えることができる。

【0045】

細胞に細胞ストレスをかけ、必要に応じて物理的衝撃を与えた後に、細胞群を遠心分離にかけ、生き残った細胞をペレットとして得て回収することにより、本発明の多能性幹細胞を単離することができる。また、このようにして得られた細胞からさらに、下記の表面マーカーを指標に本発明の多能性幹細胞又は多能性細胞画分を単離することもできる。

【0046】

また、外傷や火傷等のストレスを受けた生体の中胚葉系組織又は間葉系組織等を培養し、遊走した細胞を回収しても本発明の多能性幹細胞又は多能性細胞画分を単離することができる。傷害を受けた組織の細胞はストレスに曝露されるので、本発明においては、傷害を受けた生体の中胚葉系組織又は間葉系組織等を培養することも生体の中胚葉系組織又は間葉系組織細胞等に細胞ストレスをかけるという。

【0047】

一例として、これらの細胞をトリプシン処理する方法について説明する。このときのトリプシン濃度は、限定されないが、例えば接着細胞の通常の培養において、培養容器に接着した接着培養を剥がすときに用いられる濃度範囲で用いればよく、0.1~1%、好ましくは0.1~0.5%が例示される。例えば、10~50万個の細胞を含む生体の中胚葉系組織又は間葉系組織等由来の細胞を上記濃度のトリプシン溶液5ml中でインキュベーションすることにより外的ストレスに曝すことができる。トリプシン処理時間は、5~24時間、好ましくは5~20時間程度である。本発明においては、8時間以上のトリプシン処理、例えば8時間又は16時間の処理を長時間トリプシン処理という。

【0048】

トリプシン処理後、上記のように、ピペッティング、攪拌、ボルテックス等により物理的衝撃を与えることが望ましい。それは死んだ細胞あるいは死にかけている細胞を除去するためである。

【0049】

トリプシン処理後の浮遊培養の際には細胞同士の凝集を防ぐために、例えば、メチルセルロースゲル等のゲル中でインキュベーションするのが望ましい。また、細胞の培養容器への付着を防ぎ浮遊状態を維持するために、容器をPoly(2-hydroxyethyl methacrylate)等でコートしておくことが望ましい。

【0050】

外的ストレスに曝した細胞を遠心分離により集め培養を行うと細胞塊(細胞クラスター)を形成する。この細胞塊の大きさは直径25µmから150µm程度である。本発明の多能性幹細胞(Muse細胞)は、この外的ストレスに曝して生き残った細胞集団中に濃縮した状態で含まれる。この細胞集団を富Muse細胞画分(Muse enriched population)と呼ぶ。富Mus

10

20

30

40

50

e細胞画分中のMuse細胞の存在割合は、ストレス処理の方法により異なる。

【0051】

このように本発明の多能性幹細胞又は多能性幹細胞画分がストレスをかけた後も生存することは、本発明の多能性幹細胞又は多能性幹細胞画分がストレス耐性であることを示している。

【0052】

生体の中胚葉系組織又は間葉系組織等由来の細胞の培養に用いる培地、培養条件は通常の動物細胞の培養で用いる培地、培養条件を採用すればよい。また、公知の幹細胞培養用培地を用いてもよい。培地には、適宜ウシ胎児血清等の血清やペニシリン、ストレプトマイシン等の抗生物質及び種々の生理活性物質を添加してもよい。

10

【0053】

さらに、本発明は、本発明の生体の中胚葉系組織又は間葉系組織等から直接得ることができる多能性幹細胞の派生細胞又は誘導細胞である多能性幹細胞も含む。派生細胞又は誘導細胞とは前記多能性幹細胞を培養して得られる細胞又は細胞群、あるいは前記多能性幹細胞に外来遺伝子の導入等の人為的な誘導操作を行い得られる細胞をいい、子孫細胞も含む。なお、本発明時点において報告されているiPS細胞は、皮膚線維芽細胞などの生体組織の分化した細胞に外来遺伝子導入等することによりリプログラミングした結果、多能性幹細胞に誘導された細胞といわれており、本発明の組織から直接得ることができ、すでに多能性幹細胞としての性質を有する細胞に外来遺伝子導入等の人為的な誘導操作を行い得られた細胞は、iPS細胞と区別される。

20

【0054】

本発明の多能性幹細胞を浮遊培養することにより、胚様体様(Embryoid body(EB body)-like)細胞塊が得られるが、本発明はこの胚様体様細胞塊及び胚様体様細胞塊に含まれる細胞も包含する。胚様体は、本発明の多能性幹細胞を浮遊培養することにより、細胞塊として形成される。この際、本発明においては、本発明の多能性幹細胞を培養することにより得られる胚様体をMuse細胞由来胚様体様細胞塊と呼ぶことがある(Mクラスター(M-cluster)と呼ぶこともある)。胚様体様細胞塊を形成するための浮遊培養の方法として、メチルセルロース等の水溶性ポリマーを含有した培地を用いた培養(Nakahata, T. et al., Blood 60, 352-361 (1982))やハンギングドロップ培養(Keller, J. Physiol. (Lond) 168: 131-139, 1998)等が挙げられる。本発明は前記胚様体様細胞塊からセルフリニューアルして得られる胚様体様細胞塊及び胚様体様細胞塊に含まれる細胞及び多能性幹細胞も包含する。ここで、セルフリニューアルとは、胚様体様細胞塊に含まれる細胞を培養し、再度胚様体様細胞塊を形成させることをいう。セルフリニューアルは1~複数回のサイクルを繰り返せばよい。また、本発明は前記いずれかの胚様体様細胞塊及び胚様体様細胞塊に含まれる細胞から分化した細胞及び組織も包含する。

30

【0055】

図1-1に間葉系細胞(ヒト線維芽細胞、ヒト骨髄間葉系細胞、新鮮骨髄液)画分とMuse細胞及びMuse細胞由来の胚様体様細胞塊の関連を示す。間葉系細胞様細胞塊に長時間トリプシン処理(Long term trypsin incubation; LTT)等のストレス刺激を与えると、Muse細胞が濃縮されMuse細胞を多く含む細胞画分が得られ(富Muse細胞画分と呼ぶ)、該細胞画分中のMuse細胞を浮遊培養すると胚様体様細胞塊(Muse細胞由来胚様体様細胞塊)が得られる。胚様体様細胞塊をゼラチンでコートした培養皿で培養すると3胚葉の細胞に分化する。また、図1-1に示すように、SSEA-3陽性細胞を直接分離し、長時間のストレスをかけることなく浮遊培養することによりMuse細胞由来の胚様体様細胞塊を得ることができる。

40

【0056】

Muse細胞は、浮遊培養で一旦増殖が停止しても、接着培養に移すことにより増殖を開始する。浮遊培養-接着培養-SSEA-3発現を指標にした分離を繰り返すことにより、Muse細胞を大量に増殖させることが可能である(図1-2)。

【0057】

50

さらに、本発明の多能性幹細胞又は多能性細胞画分は、生体組織から細胞ストレスに暴露せずに直接単離することもできる。すなわち、本発明の多能性幹細胞又は多能性幹細胞画分は、生体の中胚葉系組織又は間葉系組織等から外来遺伝子を導入することなく、誘導操作なしに以下の方法で単離することができる。

【0058】

生体組織は、限定されないが、生体の中胚葉系組織又は間葉系組織、例えば、骨髄、皮膚、臍帯等が挙げられる。骨髄を用いる場合、骨髄の単核球分画を用いることができる。単離は、Muse細胞の表面に多く発現している細胞表面マーカーを利用して行うことができ、例えばSSEA-3の発現を指標に単離することができる。本発明の多能性幹細胞をSSEA-3陽性Muse細胞ということもある。さらに、Muse細胞は間葉系細胞マーカーであるCD105を発現しており、SSEA-3陽性であり、CD105陽性である。従って、SSEA-3及びCD105の両方の発現を指標に単離することができる。これらの細胞表面マーカーを利用することにより、本発明の多能性幹細胞を単一細胞として単離でき、単離した単一細胞を、培養により増殖させることができる。なお、本発明は、ヒト以外の哺乳動物の生体組織からSSEA-3に相当するマーカーによって単離できる多能性幹細胞をも含むものとする。

10

【0059】

一方、Muse細胞は、NG2、CD34、vWF（フォンビルブランド因子）、c-kit（CD117）、CD146、CD271（NGFR）が陰性である。さらに、Sox10、Snai1、Slug、Tyrp1、Dctが陰性である。

【0060】

NG2、CD34、vWF、CD117、CD146、CD271などの表面抗原が陰性かどうか、発現が弱いかどうかはこれらの抗原に対する抗体であって、発色酵素、蛍光化合物等で標識した抗体を用いて細胞が染色されたか否かを顕微鏡観察等により決定することができる。例えば、これらの抗体を用いて細胞を免疫染色して、表面抗原の有無を決定することができ、また該抗体を結合させた磁性ビーズを用いても決定することができる。また、FACS又はフローサイトメーターを用いても表面抗原があるかどうか決定することができる。フローサイトメーターとしては例えばFACSAria（ベクトン・ディッキンソン社製）、FACS vantage（ベクトン・ディッキンソン社製）、FACS Calibur（ベクトン・ディッキンソン社製）等を用いることができる。

20

【0061】

また、Sox10、Snai1、Slug、Tyrp1、Dctなどの転写因子に関してはRT-PCR等の手法により発現を調べることができる。

30

【0062】

これらの表面抗原が陰性とは、上記のようにFACSを用いて分析した場合に、陽性細胞としてソーティングされないこと、あるいはRT-PCRにより発現を調べた場合に、発現が認められないことをいい、これらの手法により検出できない程度発現していたとしても、本発明においては陰性とする。また、上記マーカーが陽性であることが公知の造血幹細胞等の細胞と同時に測定を行い、これらの陽性細胞と比較して、ほとんど検出されないか、あるいは有意に発現量が低い場合に陰性としてもよい。

本発明の細胞は、これらの細胞表面の抗原特性に基づいて単離することができる。

40

【0063】

上記のように、Muse細胞は、SSEA-3陽性を指標に単離することができ、さらにCD105の発現を指標に単離することができるが、さらに、NG2、CD34、vWF（フォンビルブランド因子）、c-kit（CD117）、CD146、CD271（NGFR）、Sox10、Snai1、Slug、Tyrp1及びDctからなる群から選択される11個のマーカーのうち少なくとも1個、例えば、2個、3個、4個、5個、6個、7個、8個、9個、10個又は11個のマーカーの非発現を指標に単離することができる。例えば、CD117及びCD146の非発現を指標に単離することができ、さらに、CD117、CD146、NG2、CD34、vWF及びCD271の非発現を指標に単離することができ、さらに、上記の11個のマーカーの非発現を指標に単離することができる。

【0064】

50

表面マーカーを用いて単離する場合、生体の中胚葉系組織又は間葉系組織等から1個又は複数個の本発明の多能性幹細胞を、培養等を経ることなく直接単離することが可能である。また、本発明の多能性幹細胞を、細胞形態を顕微鏡等を使って目視することにより同定して単離することが可能である。

【0065】

生体の中胚葉系組織又は間葉系組織等に細胞ストレスをかけた後に、生存した細胞群から表面マーカーを用いて単離してもよい。

【0066】

また、上記のマーカーに加えて、本発明の多能性幹細胞又は多能性細胞画分は、他の特定の因子の高発現によっても特徴付けられる。

10

【0067】

無処理の骨髄間葉系細胞画分又は皮膚線維芽細胞画分から本発明の多能性幹細胞であるMuse細胞が得られ、さらにMuse細胞を培養することによりMuse細胞由来の胚様体(EB)様細胞塊が得られる。Muse細胞、無処理細胞、Muse由来胚様体様細胞塊及びヒトES細胞において発現している因子を比較検討することにより、Muse細胞で高発現している因子がわかる。ここで、因子とは遺伝子転写産物、タンパク質、脂質、糖を含む。

【0068】

図2に、Muse細胞由来胚様体様細胞塊/無処理細胞での発現量の比が高い因子を示す。特に以下の18個の因子の比が高い。

- (i) SSEA-3
- (ii) v-fos FBJ murine osteosarcoma viral oncogene homolog
- (iii) solute carrier family 16, member 6 (monocarboxylic acid transporter 7)
- (iv) tyrosinase-related protein 1
- (v) Calcium channel, voltage-dependent, P/Q type, alpha 1A subunit
- (vi) chromosome 16 open reading frame 81
- (vii) chitinase 3-like 1 (cartilage glycoprotein-39)
- (viii) protease, serine, 35
- (ix) kynureninase (L-kynurenine hydrolase)
- (x) solute carrier family 16, member 6 (monocarboxylic acid transporter 7)
- (xi) apolipoprotein E
- (xii) synaptotagmin-like 5
- (xiii) chitinase 3-like 1 (cartilage glycoprotein-39)
- (xiv) ATP-binding cassette, sub-family A (ABC1), member 13
- (xv) angiopoietin-like 4
- (xvi) prostaglandin-endoperoxide synthase 2 (prostaglandin G/H synthase and cyclooxygenase)
- (xvii) stanniocalcin 1
- (xviii) coiled-coil domain containing 102B

20

30

【0069】

本発明の多能性幹細胞又は多能性幹細胞画分は、上記因子の少なくとも2つ、3つ、4つ、5つ、6つ、7つ、8つ、9つ、10、11、12、13、14、15、16、17又は18が高発現していることを特徴として、少なくとも2つの因子が高発現していることを指標に単離することができる。

40

【0070】

図3に、Muse細胞由来胚様体様細胞塊/ヒトES細胞での発現量の比が高い因子を示す。特に以下の20個の因子の比が高い。

- (a) matrix metalloproteinase 1 (interstitial collagenase)
- (b) epiregulin
- (c) chitinase 3-like 1 (cartilage glycoprotein-39)
- (d) Transcribed locus

50

- (e) chitinase 3-like 1 (cartilage glycoprotein-39)
- (f) serglycin
- (g) MRNA full length insert cDNA clone EUROIMAGE 1913076
- (h) Ras and Rab interactor 2
- (i) lumican
- (j) CLCA family member 2, chloride channel regulator
- (k) interleukin 8
- (l) Similar to LOC166075
- (m) dermatopontin
- (n) EGF, latrophilin and seven transmembrane domain containing 1
- (o) insulin-like growth factor binding protein 1
- (p) solute carrier family 16, member 4 (monocarboxylic acid transporter 5)
- (q) serglycin
- (r) gremlin 2, cysteine knot superfamily, homolog (Xenopus laevis)
- (s) insulin-like growth factor binding protein 5
- (t) sulfide quinone reductase-like (yeast)

10

20

30

40

50

【 0 0 7 1 】

本発明の多能性幹細胞又は多能性幹細胞画分は、上記因子の少なくとも2つ、3つ、4つ、5つ、6つ、7つ、8つ、9つ、10、11、12、13、14、15、16、17、18、19又は20が高発現していることを特徴として、少なくとも2つの因子が高発現していることを指標に単離することができる。

【 0 0 7 2 】

さらに、本発明の多能性幹細胞又は多能性幹細胞画分は、上記(i)~(xviii)の因子の少なくとも2つと上記(a)~(t)の因子の少なくとも2つが同時に高発現していることもよく、これらの遺伝子が高発現していることを指標に単離することができる。

【 0 0 7 3 】

さらに、本発明の多能性幹細胞又は多能性幹細胞画分は多能性マーカー以外のオドラント (odorant) 受容体 (オルファクトリーレセプター; olfactory receptor) 群及びケモカイン (chemokine) 受容体群の因子を発現していること、すなわち特定のオドラント受容体やケモカイン受容体陽性であることを特徴とする。

【 0 0 7 4 】

本発明の多能性幹細胞又は多能性幹細胞画分で発現しているオドラント受容体として例えば、以下の22個の受容体が挙げられる。

- olfactory receptor, family 8, subfamily G, member 2 (OR8G2);
- olfactory receptor, family 7, subfamily G, member 3 (OR7G3);
- olfactory receptor, family 4, subfamily D, member 5 (OR4D5);
- olfactory receptor, family 5, subfamily AP, member 2 (OR5AP2);
- olfactory receptor, family 10, subfamily H, member 4 (OR10H4);
- olfactory receptor, family 10, subfamily T, member 2 (OR10T2);
- olfactory receptor, family 2, subfamily M, member 2 (OR2M2);
- olfactory receptor, family 2, subfamily T, member 5 (OR2T5);
- olfactory receptor, family 7, subfamily D, member 4 (OR7D4);
- olfactory receptor, family 1, subfamily L, member 3 (OR1L3);
- olfactory receptor, family 4, subfamily N, member 4 (OR4N4);
- olfactory receptor, family 2, subfamily A, member 7 (OR2A7);
- guanine nucleotide binding protein (G protein), alpha activating activity polypeptide, olfactory type (GNAL);
- olfactory receptor, family 6, subfamily A, member 2 (OR6A2);
- olfactory receptor, family 2, subfamily B, member 6 (OR2B6);
- olfactory receptor, family 2, subfamily C, member 1 (OR2C1);

olfactory receptor, family 52, subfamily A, member 1 (OR52A1);
 olfactory receptor, family 10, subfamily H, member 3 (OR10H3);
 olfactory receptor, family 10, subfamily H, member 2 (OR10H2);
 olfactory receptor, family 51, subfamily E, member 2 (OR51E2);
 olfactory receptor, family 5, subfamily P, member 2 (OR5P2); 及び
 olfactory receptor, family 10, subfamily P, member 1 (OR10P1)

【 0 0 7 5 】

本発明の多能性幹細胞又は多能性幹細胞画分で発現しているケモカイン受容体としては以下の5個の受容体が挙げられる。

chemokine (C-C motif) receptor 5 (CCR5);
 chemokine (C-X-C motif) receptor 4 (CXCR4);
 chemokine (C-C motif) receptor 1 (CCR1);
 Duffy blood group, chemokine receptor (DARC); 及び
 chemokine (C-X-C motif) receptor 7 (CXCR7)

10

本発明の多能性幹細胞又は多能性幹細胞画分は、上記の嗅覚受容体の少なくとも1個を発現しており、あるいは、上記のケモカイン受容体の少なくとも1個を発現している。

【 0 0 7 6 】

これらのオドラント受容体やケモカイン受容体と受容体に結合する遊走因子の作用で本発明の多能性幹細胞は、損傷組織へ遊走し、生着し、その場で分化する。例えば、肝臓、皮膚、脊髄、筋肉が損傷した場合、特定の遊走因子と細胞表面に発現しているオドラント受容体の働きで、それぞれの組織に遊走し、生着し、肝臓（内胚葉）、皮膚（外胚葉）、脊髄（外胚葉）、筋肉（中胚葉）細胞に分化し、組織を再生することができる。

20

【 0 0 7 7 】

さらに、本発明の多能性幹細胞であるMuse細胞が豊富に含まれる富Muse細胞画分において、Rex1、Sox2、KLF-4、c-Myc、DPPA2、ERAS、GRB7、SPAG9、TDGF1等がアップレギュレートされており、Muse細胞の細胞塊において、DAZL、DDX4、DPPA4、Stella、Hoxb1、PRDM1、SPRY2等がアップレギュレートされている。

【 0 0 7 8 】

また、本発明の多能性幹細胞又は多能性幹細胞画分においては、造血幹細胞マーカーであるCD34及びCD117の発現は認められないかもしくは発現が極めて低い。

30

【 0 0 7 9 】

本発明は、Muse細胞のみならず、Muse細胞を濃縮した細胞集団、Muse細胞を増殖させた細胞集団、Muse細胞を分化させた細胞集団を含み、さらに、Muse細胞やMuse細胞由来の細胞を含む研究用キット、細胞チップ、治療用デバイスも含む。

【 0 0 8 0 】

本発明の多能性幹細胞は、pluripotencyを有しており、あらゆる組織へと分化し得る。該多能性幹細胞又は多能性細胞画分は、再生医療等に用いることができる。例えば、各種組織、各種器官等の再生に用いることができる。具体的には皮膚、脳脊髄、肝臓、筋肉等が挙げられる。本発明の多能性幹細胞又は多能性幹細胞画分を損傷あるいは障害を受けた組織、器官等に直接あるいは近傍に投与することにより、該多能性幹細胞はその組織、器官内に侵入し、その組織特有の細胞に分化し、組織、器官の再生、再建に貢献し得る。また、静脈投与等により全身投与してもよい。この場合、該多能性幹細胞は、例えば、損傷を受けた組織や器官をホーミング等により指向し、そこに到達・侵入した上で、その組織や器官の細胞に分化し、組織、器官の再生、再建に貢献し得る。

40

【 0 0 8 1 】

投与は、例えば皮下注、静注、筋注、腹腔内注等の非経口投与や経口投与、あるいは胚への子宮内注射等により行うことができる。また、局所投与でも全身投与でもよい。局所投与は例えばカテーテルを利用して行うことができる。投与量は、再生しようとする器官、組織の種類や、サイズにより適宜決定することができる。

【 0 0 8 2 】

50

再生しようとする器官は限定されず、骨髄、脊髄、血液、脾臓、肝臓、肺、腸管、眼、脳、免疫系、循環系、骨、結合組織、筋、心臓、血管、膵臓、中枢神経系、末梢神経系、腎臓、膀胱、皮膚、上皮付属器、乳房-乳腺、脂肪組織、および口、食道、膣、肛門を含む粘膜等を含む。また、治療対象となる疾患として、癌、心血管疾患、代謝疾患、肝疾患、糖尿病、肝炎、血友病、血液系疾患、脊髄損傷等の変性または外傷性神経疾患、自己免疫疾患、遺伝的欠陥、結合組織疾患、貧血、感染症、移植拒絶、虚血、炎症、皮膚や筋肉の損傷等が挙げられる。

【0083】

細胞は医薬として許容される基材と共に投与してもよい。該基材は例えばコラーゲン等できた生体親和性が高い物質や、生分解性の物質できており、粒子状、板状、筒状、容器状等の形状とすればよく、細胞を該基材に結合させあるいは該基材中に収容して投与すればよい。

10

【0084】

また、本発明の多能性幹細胞を *in vitro* で分化誘導し、さらに分化した細胞を用いて組織を構築させ、該分化した細胞又は該組織を移植してもよい。本発明の多能性幹細胞は、腫瘍化しないので、移植した前記分化した細胞又は該組織に本発明の多能性幹細胞が未分化のまま含まれていても癌化の可能性が低く安全である。これらの再生医療において、移植した細胞又は組織のレシピエントによる拒絶を避けるためには、再生医療を受けようとする患者から中胚葉系組織又は間葉系組織等を採取し、該組織から本発明の多能性幹細胞又は多能性細胞画分を単離し、利用することが望ましい。さらに、本発明の多能性幹細胞又は多能性幹細胞画分を組織の変性や機能不全を原因とする疾患の治療に用いることができる。この場合、例えば、本発明の多能性幹細胞又は多能性幹細胞画分を *ex vivo* で濃縮し、増殖させ、あるいは分化させて体内に戻せばよく、例えば、多能性幹細胞を特定の組織の細胞に分化させ、該細胞を治療しようとする組織に移植すればよい。また、細胞の移植により、*in situ* 細胞治療を行うこともできる。この場合、対象細胞の例として、肝臓細胞、神経細胞やグリア細胞などの神経系細胞、皮膚細胞、骨格筋細胞などの筋肉細胞が挙げられ、本発明の多能性幹細胞をこれらの細胞に分化させ、移植し、*in situ* で治療を行うことができる。該治療により、例えば、パーキンソン病、脳梗塞、脊髄損傷、筋変性疾患などを治療することができる。本発明の多能性幹細胞は、腫瘍化しないので、このような治療に用いても癌化の可能性が低く安全である。

20

30

【0085】

また、本発明の多能性幹細胞を、分化させて血液や血液成分を形成させることにより、血液や血液成分を *ex vivo*、*in vitro* で形成させることができる、血液成分として、赤血球、白血球、血小板等が挙げられる。このようにして形成させた血液や血液成分を、自家輸血や他家輸血に用いることができる。

【0086】

上記のように、本発明の多能性幹細胞又は多能性幹細胞画分を治療に用いる場合、*ex vivo*、*in vivo*、*in vitro* のいずれで分化させてもよい。本発明の多能性幹細胞は、例えば、骨芽細胞、軟骨細胞、脂肪細胞、線維芽細胞、骨髄間質、骨格筋、平滑筋、心筋、眼、内皮、上皮、肝、膵、造血、グリア、神経細胞、稀突起膠細胞等に分化する。本発明の多能性幹細胞の分化は、分化因子の存在下で、培養することにより達成することができる。分化因子としては、塩基性繊維芽細胞成長因子 (bFGF)、血管内皮成長因子 (VEGF)、ジメチルスルホキシド (DMSO) およびイソプロテレノール；あるいは繊維芽細胞成長因子4 (FGF4)、肝細胞成長因子 (HGF) 等が挙げられる。本発明は、本発明の多能性幹細胞から分化した細胞も包含する。

40

【0087】

本発明の多能性幹細胞を治療に用いる場合、タンパク質性の抗癌物質や生理活性物質等をコードする遺伝子を導入してもよい。これにより、本発明の多能性幹細胞は、治療薬のデリバリー機能も有することになる。このような物質として例えば、抗血管新生薬が挙げられる。

50

【0088】

本発明は、Muse細胞、Muse細胞からできた胚様体様細胞塊、及びMuse細胞や前記胚様体様細胞塊から分化させて得られた細胞若しくは組織・器官を含む、細胞移植治療用材料若しくは細胞移植治療用組成物、又は再生医療用材料若しくは再生医療用組成物を包含する。該組成物はMuse細胞、Muse細胞からできた胚様体様細胞塊、又はMuse細胞や前記胚様体様細胞塊から分化させて得られた細胞若しくは組織・器官に加えて、医薬的に許容される緩衝液や希釈液等を含む。

【0089】

さらに、患者から細胞を採取し、Muse細胞を単離し、該Muse細胞を用いて種々の診断に用いることができる。例えば、Muse細胞から患者の遺伝子を採取し、遺伝子情報を得て、該情報を反映させた正確な診断が可能になる。例えば、被験体の細胞由来のMuse細胞を分化させることで、被験者と同じ遺伝子背景などの性質を持った各組織・器官の細胞を得ることができるため、疾病の診断や病態解明、薬剤の効果や副作用の診断、などに関し、各々の被験者の性質に合わせ適切な診断を行うことができる。すなわち、Muse細胞、Muse細胞からできた胚様体様細胞塊、及びMuse細胞や前記胚様体様細胞塊から分化させて得られた細胞若しくは組織・器官は診断用材料として用いることができ、例えば、本発明は、被験体からMuse細胞を単離し、該Muse細胞又はMuse細胞から分化させて得られた、被験体と同じ遺伝子背景を有する組織や器官を用いて被験体の疾病等を診断する方法を包含する。

10

【0090】

また、Muse細胞を分化させることで体細胞を大量に得ることができるため、疾病のメカニズム解明等の基礎的研究、治療薬開発、薬剤の効果や毒性に関するスクリーニング、薬剤評価などを行うことができる。すなわち、Muse細胞、Muse細胞からできた胚様体様細胞塊、及びMuse細胞や前記胚様体様細胞塊から分化させて得られた細胞若しくは組織・器官を薬剤評価や薬剤スクリーニングの材料として用いることができる。例えば、本発明はMuse細胞を分化・増殖させ、体細胞を得て、該体細胞に候補薬剤を投与し、体細胞の応答を調べることにより、薬剤のスクリーニングや薬剤評価を行う方法を包含する。

20

【0091】

また、種々の（例えば様々なHLA型の）Muse細胞をライブラリー化したMuse細胞バンクを構築することで、上記のMuse細胞利用場面における細胞を必要に応じて提供できる体制を実現でき、例えば、上記に挙げた目的の他、緊急に要する細胞移植治療のための拒絶反応の無い（少ない）細胞提供、などを行うことができる。すなわち、本発明は種々の遺伝子特性を有するMuse細胞を単離し、集めることにより、異なる遺伝子特性を有するMuse細胞のライブラリー、すなわちMuse細胞バンクを作製する方法を包含する。また、Muse細胞だけでなく、Muse細胞からできた胚様体様細胞塊、及びMuse細胞や前記胚様体様細胞塊から分化させて得られた細胞若しくは組織・器官を得てライブラリーやバンクを構築することもできる。本発明においては、これらのMuse細胞からできた胚様体様細胞塊、及びMuse細胞や前記胚様体様細胞塊から分化させて得られた細胞若しくは組織・器官を得てライブラリーやバンクも細胞ライブラリー又は細胞バンクと称する。本発明は、このようにして作製した細胞ライブラリー又は細胞バンクを包含する。該細胞ライブラリー又は細胞バンクは例えば、異なる遺伝的特性を有する細胞等が収納された複数のチューブ等の容器からなり、該細胞は凍結されていてもよい。例えば、被験体において、組織や器官を移植し、あるいは再生する必要が生じた場合に、上記細胞ライブラリー又は細胞バンクから、前記被験体に遺伝的背景等に関して適合した細胞を選択し、該細胞を用いて移植や再生治療を行うことができる。

30

40

【0092】

本発明は、疾患の治療のために、本発明の多能性幹細胞や該細胞画分や該細胞由来の派生細胞や誘導細胞の治療上有効な量を治療を必要としている患者に投与することを含む治療方法を包含する。ここで、有効な量とは、例えば、投与する細胞数で特定することができ、疾患の種類や重篤度により適宜決定することができる。上記治療法においては、本発明の多能性幹細胞は、テラトーマ（奇形腫）を形成しないため、患者にテラトーマが形成

50

されない。また、自己細胞由来のMuse細胞を投与する場合、患者を放射線照射や化学療法等の処置により骨髄機能を欠損させる必要はないが、自己細胞ではないMuse細胞を用いる場合は、上記処置を行えばよい。

【0093】

さらに、Muse細胞は、iPS細胞(induced pluripotent stem cell)のソースとなり得る。Muse細胞をソースとしたiPS細胞の作製効率は他の細胞(例えば、SSEA-3発現を指標に分画していない皮膚線維芽細胞)をソースとした場合に比べ、はるかに(少なくとも25倍以上)高い。

【0094】

Muse細胞に特定の遺伝子を導入し、あるいは特定の化合物を導入すること等により細胞形質を変化させることによりiPS細胞を作製することができる。細胞形質の変化は、リプログラミングや癌化を含み、現在知られている方法、あるいは将来的に確立されるあらゆる方法を用いることができる。

10

【0095】

例えば、特許4182742号の記載に従って遺伝子をMuse細胞に導入し、あるいは図27の記載に従って、Muse細胞からiPS細胞を確立することができる。また、図27に記載の方法以外に、化学物質、外来遺伝子又は外来タンパク質を導入して、iPS細胞を樹立することが可能であるといえる。Muse細胞からのiPS細胞の確立は、例えば後述の実施例に記載の方法で行うことができる。

【0096】

このようにしてMuse細胞から得られたiPS細胞をMuse由来iPS細胞(Muse-iPSC)と呼ぶことがあり、本発明は該Muse由来iPS細胞をも包含する。Muse由来iPS細胞は、Muse細胞由来の増殖性を有する多能性幹細胞といえることができる。

20

【実施例】

【0097】

本発明を以下の実施例によって具体的に説明するが、本発明はこれらの実施例によって限定されるものではない。

実施例1 富Muse細胞画分及びMuse細胞由来胚様体様細胞塊の調製並びに特性分析

材料及び方法

本実施例において、以下の細胞を用いた。

30

【0098】

間葉系細胞として、2株のヒト皮膚線維芽細胞画分及び4株のヒトMSC(bone marrow stromal cell)画分を用いた。ヒト線維芽細胞画分は、(1)H-fibroblast-1(正常ヒト線維芽細胞(NHDF)、Lonza社より入手)及び(2)H-fibroblast-2(成人ヒト皮膚線維芽(HDFA)、ScienCell社より入手)を用いた。ヒトMSC画分としては、H-MSC-1、H-MSC-2、H-MSC-3及びH-MSC-4をLonza社及びALLCELLS社より入手して用いた。ヒトMSC画分については、Pittenger, M. F. et al. Science 284, 143-147 (1999); DeZawa, M. et al. J Clin Invest 113, 1701-1710 (2004); DeZawa, M. et al. Science 309, 314-317 (2005)に詳細に記載されている。

40

【0099】

細胞は10%FBS及び0.1mg/mlカナマイシン含有MEM(alpha-minimum essential medium)を用いて、37℃、5%CO₂条件下で培養した。入手したものの最初の培養を第1代とし、その後細胞が95%コンフルエントになったところで、細胞培養液:培地の比を1:2として継代し、4~10代継代したものをを用いた。

【0100】

ヒトES細胞(hESC)は京都大学より入手したkyoto hESC-1(KhES-1)を用いた。

マウスES細胞(TT2細胞)及びヒトES細胞(KhES-1)はC57BL/6マウスの12.5日胚より確立したマウス由来フィーダー細胞存在下で維持した。

【0101】

以下の方法で実験を行った。

50

1. 間葉系細胞のストレス刺激

ストレス刺激として低栄養条件での培養、低血清濃度での培養、低酸素濃度での培養、繰返しトリプシン処理、長時間トリプシン処理を行うため以下の培養条件を採用した。

(1) 無血清培地 (STEMPRO MSC SFM (Invitrogen社) を用いた 2 日間の培養 (無血清))

(2) Hanks' Balanced Salt Solution (HBSS) バッファー (Invitrogen社) を用いた 2 日間の培養 (HBSS)

(3) 10% FBS 含有 α -MEM を用いての低酸素濃度 (1%) での 2 日間の培養 (10% FBS + Low O_2)

(4) トリプシン中 (0.25% トリプシン-HBSS) での 1 時間インキュベーション 3 回の処理 (トータル 3 時間のトリプシン処理) (Try 3 × 1hr)

(5) トリプシン中での 8 時間インキュベーション (LTT 8hr)

(6) トリプシン中での 16 時間インキュベーション (LTT 16hr)

陰性対照として、ヒト末梢血単核細胞画分を用いた。

【0102】

上記 (4)、(5) 及び (6) の条件の場合、100,000 個 ~ 500,000 個の細胞を 5 ml トリプシン溶液中に浮遊させて培養を行った。上記の (1) ~ (3) のストレス刺激の場合、刺激後、細胞を 5 分間のトリプシン処理により集め、(4) ~ (6) のストレス刺激の場合、細胞を直接チューブに集めた。

【0103】

ストレス刺激後に生じる大量の死細胞はボルテックス処理することにより破壊した。すなわち、最大 500,000 個の細胞を含む 5 ml の培地を 15 ml のファルコンチューブに移し、ボルテックスミキサー (IKA Works社) を用いて 1800 ~ 2200 rpm/min で 3 分間ボルテックス処理を行った。その後、2000 rpm で 15 分間遠心分離を行い、上清を除去した。生細胞の回収率は約 70 ~ 80% であった。

【0104】

2. MC 培養

本実施例においては、細胞をメチルセルロース含有培地中で浮遊培養した。メチルセルロース含有培地中での培養を MC 培養と呼ぶ。MC 培養については、Nakahata, T. et al., Blood 60, 352-361 (1982) に記載されている。

【0105】

細胞が容器底に付着するのを防ぐために、培養ディッシュを Poly-HEMA (Poly(2-hydroxyethyl methacrylate) でコートした。すなわち、600 mg の poly-HEMA (SIGMA社) を 95% エタノール 40 ml に 37 °C で攪拌して溶解し、ディッシュに添加し (96 ウェル培養ディッシュの場合 40 μ l / ウェル、12 ウェルディッシュの場合 200 μ l / ウェル)、一晩乾燥させた。

【0106】

MC (MethoCult H4100) (StemCell technologies社より入手) を 20% FBS 含有 α -MEM に最終濃度 2% で懸濁した。ゲル状の MC 培地中の細胞濃度は細胞同士の凝集を抑える十分な細胞間距離を確保できる 8000 細胞/ml とした。細胞と MC 培地を穏やかなピペティングにより十分混合し、poly-HEMA コートした培養ディッシュに移した。乾燥を防ぐために、10% FBS 含有 α -MEM を 3 日毎に最初の MC 培養の容積の 1/10 量、ゆっくりと添加した。

【0107】

細胞塊 (細胞塊は、本発明の多能性幹細胞 Muse 細胞由来の細胞塊であるため Muse 細胞由来胚様体様細胞塊と呼ぶ) のクローニングは 7 日目に行った。0.01M の PBS を培地に添加し、2000 rpm で 20 分間遠心し、上清を捨てた。この処理を 3 回繰返し、細胞を洗浄した。回収した細胞ペレットを 10 μ l の 0.01M 含有トリパンブルー溶液に懸濁し、スライドガラスに載せ位相差顕微鏡を用いて写真を撮った。直径 25 μ m より大きい、ヒト ES 細胞と外観が似ているトリパンブルー陰性細胞塊のみを Muse 細胞由来胚様体様細胞塊として数えた。Muse 細胞由来胚様体様細胞塊の形成率は細胞塊の数 / すべての生細胞数 (すべてのトリパンブルー陰性細胞) により算出した。細胞計数の際、細胞塊はその大きさにかかわらず 1 細胞として数えた。これは、Muse 細胞由来胚様体様細胞塊中に含まれる細胞の数の正確な計測

10

20

30

40

50

は困難だからである。

【0108】

ヒトES細胞においては、細胞を注意深くフィーダー細胞が含まれないように単離し、上記の方法でMC培養を行った。培養3日目に位相差顕微鏡観察像を得た。

【0109】

3. 単一細胞浮遊培養

96ウェルディッシュを上記の方法でpoly-HEMAでコートし、10%FBS含有MEMを用いて限界希釈法にて、単一細胞をそれぞれのウェルに播き、位相差顕微鏡にてウェル中の実際の細胞数を計数し、細胞が入っていないウェル、あるいは複数入っているウェルは計測から除外した。培養10日目に胚様体(EB)(Muse細胞由来胚様体様細胞塊)形成を計数した。それぞれの細胞株に対して3回の実験を行い、一回の実験では最低250ウェル以上の観察を行った。

10

【0110】

4. アルカリフォスファターゼ染色

H-fibroblast画分及びH-MSC画分由来のMuse細胞由来胚様体様細胞塊を集め生理食塩水で数回洗浄し、Leukocyte Alkaline Phosphatase kit(sigma社)を用いて染色した。

【0111】

5. Muse細胞由来胚様体様細胞塊のin vitroでの分化

MC培養又は単一細胞浮遊培養の7~10日後、H-fibroblast画分及びH-MSC画分由来の胚様体様細胞塊をガラスマイクロピペットにより採取し、ゼラチンコート培養ディッシュ又はカバーガラス上に移しさらに7日間培養すると細胞塊から細胞が広がる。かかる細胞における分化の有無を免疫組織化学分析及びRT-PCR分析に供した。

20

【0112】

6. 免疫組織化学

細胞を0.01M PBS中4%パラホルムアルデヒドで固定し、H-fibroblast画分及びH-MSC画分由来の富Muse細胞画分又はMuse細胞由来胚様体様細胞塊を遠心分離により集め、OCTコンパウンド中に埋め込み8µmの凍結切片を作製した。細胞塊は、ゼラチンコートスライドガラス上で固定し、免疫組織化学分析に供した。

【0113】

1次抗体として、Nanog(1:500, Chemicon社)、Oct3/4(1:800, 大阪大学 Dr. H. Hamadaより入手)、Sox2(1:1000, Abcam社)、PAR4(1:100, Santa Cruz社)、SSEA-3(1:20, DSHB社)、平滑筋アクチン(1:100, Lab Vision社)、neurofilament M(1:200, Chemicon社)、 α -フェトプロテイン(1:100, DAKO社)、マウスNumblake(1:500, カリフォルニア大学サンフランシスコ校のDr. Yuh-Nung Janより入手)及びtype 1コラーゲン(1:20, Southern Biotech社)に対する抗体を用いた。2次抗体として、Alexa 488又は568とコンジュゲートした抗ウサギIgG、抗マウスIgG又は抗マウスIgM抗体(Molecular Probes社)を用いて、免疫組織化学分析を行った。

30

【0114】

7. 核型の決定

H-fibroblast画分及びH-MSC画分由来のMuse細胞由来胚様体様細胞塊(Muse細胞由来胚様体様細胞塊から単一細胞を取り再度Muse細胞由来胚様体様細胞塊を形成させることを1~3回繰り返したもの)からの増殖細胞(clonally expanded cells)の核型をquinacrine-Hoechst染色により決定した。

40

【0115】

8. 免疫不全マウス精巣への細胞の注入

無処理細胞画分、並びにH-fibroblast画分及びH-MSC画分由来の富Muse細胞画分及びMuse細胞由来胚様体様細胞塊を用いた。富Muse細胞画分の場合、長時間トリプシン処理後血清を添加し、0.01M PBSで3回洗浄した。Muse細胞由来胚様体様細胞塊もMC培養から採取後に同PBSで3回洗浄した。1×10⁵個の細胞をPBSに浮遊し、NOGマウス(登録商標)(NO D/Shi-scid, IL-2R KO Jic、8週齢、財団法人 実験動物中央研究所より入手)の精巣

50

にガラスマイクロチューブを用いて注入した。Muse細胞由来胚様体様細胞塊を用いた場合、レーザ共焦点顕微鏡の3Dグラフィック分析手法を用いて、50個のMuse細胞由来胚様体様細胞塊を取り、Muse細胞由来胚様体様細胞塊のトータル体積を測定し核の数で除することにより、それぞれの構成細胞の平均体積を測定した。測定の結果、 1.5×10^5 細胞/ μ lであることが算定され、この算定にしたがって上記数の細胞を集め、NOGマウス精巣に注入した。マウスは注入6ヵ月後に実験に供した。

【0116】

対照試験として、 1×10^6 のマウスES細胞（陽性対照）及びマイトマイシンC処理MEF（マウス胚性フィーダー細胞）（陰性対照）をSCIDマウス精巣に注入し、注入後8週後に実験に供した。

【0117】

9. 光学顕微鏡により細胞の高解像度分析

H-fibroblast画分及びH-MS C画分由来の富Muse細胞画分及びMuse細胞由来胚様体様細胞塊について、安定な高解像度光学顕微鏡を用いてヒトMSC、線維芽細胞及び神経細胞などの細胞タイプの観察を行った。

【0118】

10. 電子顕微鏡による極薄切片観察

Muse細胞由来胚様体様細胞塊、H-fibroblast画分及びH-MS C画分由来のSSEA-3陽性細胞及びSSEA-3陰性細胞、並びにヒトES細胞の細胞塊を遠心分離により集め、100mMリン酸バッファー（pH7.2）中2.5%グルタルアルデヒドで30分間固定し、1%寒天中に包埋し、1mm³に切り、PBSで洗浄後、100mMリン酸バッファー（pH7.2）中2%OsO₄で4で10分間染色した。サンプルを蒸留水で洗浄後、5滴の2%酢酸ウラニルで4で20分間染色した。蒸留水で洗浄後、染色サンプルを50%、70%又は90%エタノールを用いて4で10分間脱水し、次いで100%エタノールを3回交換することにより完全に脱水した。得られたサンプルを酸化プロピレンで5分間置換し、酸化プロピレン中50%エポキシレジン中に60分間包埋した。これを純粋なエポキシレジンに包埋し、60オーバーナイトで硬化させた。超薄切片は70~80nmの厚さで作製し、CCDカメラ付きの100kV電子顕微鏡で観察した。

【0119】

11. Muse細胞由来胚様体様細胞塊の増殖速度

H-fibroblast画分及びH-MS C画分由来のMuse細胞由来胚様体様細胞塊について細胞群の倍化時間を測定するために、それぞれのMuse細胞由来胚様体様細胞塊をひとつずつ96ウェルプレートに移し、15分間のトリプシン処理を行った後にガラスマイクロピペットを用いてピペティングを行った。細胞の数を計測し、所定の時間後ごとに少なくとも20~30個のMuse細胞由来胚様体様細胞塊について分析した。

【0120】

12. RT-PCR

無処理細胞画分（24ウェルスケール中の約10,000細胞）及びH-fibroblast画分及びH-MS C画分（24ウェルスケール中の約10,000細胞）由来のin vitroで単一Muse細胞由来胚様体様細胞塊から分化した細胞（1~3サイクル）を用いた。トータルRNAを、NucleoSpin RNA XS(Macherey-Nagel社)を用いて抽出、精製し、第1鎖cDNAをSuperScript VIL0 cDNA Synthesis Kit (Invitrogen)を用いて調製した。PCR反応は適切なプライマーを設計し、Ex Taq DNA polymerase (タカラバイオ社)を用いて行った。用いたプライマーは以下のとおりであった。

陽性対照としては、 α -フェトプロテインプライマーについてはヒト胎児肝臓 (Clonetechn社)を用い、それ以外はヒト完全胚 (Clonetechn社)を用いた。

【0121】

13. 定量的PCR (Q-PCR)

無処理細胞画分、H-fibroblast-1、H-fibroblast-2、H-MS C-1及びH-MS C-2由来の富Muse細胞画分及びMuse細胞由来胚様体様細胞塊からのトータルRNAをRneasy Mini Kit (Qiagen GmbH社)により集め、cDNAをRT² First Strand Kit (SA Biosciences社)を用いて合成し

10

20

30

40

50

た。プライマーはSA Biosciences社より特注し、7300 real time PCRシステム (Applied Biosystems社)を用いて定量的PCRを行った。得られたデータは C_T 方法 (Livak KJ et al., Methods 25: 402-408, 2001)により解析した。

【 0 1 2 2 】

1 4 . DNAマイクロアレイ分析

無処理細胞画分、H-fibroblast-1、H-fibroblast-2、H-MSC-1及びH-MSC-2由来の富Muse細胞画分及びMuse細胞由来胚様体様細胞塊、並びに4名の健常者由来ヒト末梢血単核細胞画分混合物を用いた。totalRNAをRneasy Mini Kit (Qiagen GmbH社)により集め、DNAマイクロアレイにより分析した (タカラバイオ社)。アレイシグナルは、Affimetrix Expression Console V1.1ソフトウェア)により処理しノーマライズした。Pathway Studio 6.0 (Ariadne genomics社)を用いて発現変動が認められた遺伝子を遺伝子オントロジーの機能的カテゴリーに割り当てた。階層的クラスタリングは、MeV4による群平均クラスタリングの手法を用いて、遺伝子の発現変動に基づいてユークリッド距離を用いて行った (Saeed Al et al., Biotechniques 34(2):374-378, 2003)。

10

【 0 1 2 3 】

1 5 . テロメラーゼ活性の検出

H-fibroblast画分及びH-MSC画分由来の富Muse細胞画分、Muse細胞由来胚様体様細胞塊及びHeLa細胞を用いた。テロメラーゼ活性は、TRAPEZE XL telomerase detection kit (Millipore社)とEx Taqポリメラーゼ (タカラバイオ社)を用いて検出した。蛍光強度はマイクロプレートリーダー (TECAN社)を用いて測定した。

20

【 0 1 2 4 】

1 6 . Bisulfite (亜硫酸水素塩) シーケンス

無処理細胞画分、H-fibroblast画分及びH-MSC画分由来の富Muse細胞画分及びMuse細胞由来胚様体様細胞塊由来の1 μ gのゲノムDNAをCpGenome DNA modification kit (chemicon社)で処理した。DNAをQIAquick column (Qiagen社)で精製した。ヒトOct3/4及びNanog遺伝子のプロモータ領域をPCRにより増幅し、PCR産物をpCR2.1-TOPO中にサブクローニングしそれぞれのサンプルについて10クローンまでをM13ユニバーサルプライマーを用いて配列決定し、プロモータ領域のメチル化の状態を調べた。PCR増幅には、Shimazaki T et al., EMBO J, 12:4489-4498, 1993に記載のプライマーを用いた。

30

【 0 1 2 5 】

1 7 . ヒト骨髄穿刺液からのMuse細胞由来胚様体様細胞塊形成

3人の健常人からのヒト骨髄穿刺液 (ALLCELLS社より入手) から単核細胞画分をLympho prep Tube (Axis-Shield PoC AS社)を用いて集め、8時間の長時間トリプシン処理を行った後にMC培養を行った。またトリプシン処理をせずに直接そのままMC培養にも持って行った。7日目に細胞数を測定した。

【 0 1 2 6 】

1 8 . MACSソーティング

3人の健常人からのヒト骨髄穿刺液 (ALLCELLS社より入手) 由来の単核細胞画分を抗CD105抗体とマイクロビーズのコンジュゲートと反応させ、MSカラム (Miltenyi Biotech社)を用いてソーティングした。CD105陽性細胞をフラクション1 (間葉系細胞群)として集め、さらにCD105陰性細胞を抗CD34抗体及び抗CD117抗体の混合物とマイクロビーズのコンジュゲートとインキュベートし、再度ソーティングし、CD34陽性・CD117陽性細胞 (フラクション2; 造血幹細胞群にあたる) 及びCD105陰性・CD34陰性・CD117陰性細胞 (フラクション3)を得た (図4)。集めたサンプルを8時間の長時間トリプシン処理を行った後にMuse細胞由来胚様体様細胞塊の形成を測定した。

40

【 0 1 2 7 】

1 9 . 免疫組織化学

マウス精巢を0.02MPBS中4%パラホルムアルデヒドを用いて固定した。切片は凍結切片として10 μ mの厚さで作製した。サンプルを0.02MPBSで洗浄し、20%BlockAce (雪印社)含有バッファーを用いてブロッキングした後に免疫組織化学分析用の1次抗体とインキュ

50

べートした。用いた1次抗体は、抗平滑筋アクチン抗体(1:200、Lab Vision社)、抗MAP-2抗体(1:200、Biogenesis社)及び抗-フェトプロテイン抗体(1:10、DAKO社)であった。

【0128】

2次抗体としては、Alexa488又はAlexa568を結合した抗ウサギIgG抗体、Alexa568を結合した抗マウスIgG抗体を用い、DAPI存在下で反応させた。サンプルはニコン共焦点顕微鏡システムC1si(ニコン)を用いて観察した。

【0129】

20. フローサイトメトリー及び細胞ソーティング

細胞をフィコエリトリン標識抗CD11c抗体、抗CD29抗体、抗CD34抗体、抗CD44抗体、抗CD45抗体、抗CD49f抗体、抗CD54抗体、抗CD71抗体、抗CD90抗体、抗CD105抗体、抗CD166抗体、抗CD271抗体又は抗vWF抗体(Beckton Dickinson社)又は抗SSEA-3抗体(Millipore社)とインキュベートした。抗SSEA-3抗体を用いる場合、細胞をさらにFITC結合抗ラットIgM抗体と反応させた。2mM EDTA及び0.5%ウシ血清アルブミンを添加したカルシウム及びマグネシウムを含まない0.02M PBSをFACS抗体希釈液として用いた。FACSCalibur(Becton Dickinson)によりCellQuestソフトウェア又はFACSAriaによりDIAソフトウェアを用いてデータ解析を行った。細胞をFACS抗体希釈液中で抗SSEA-3抗体とインキュベートしFACSAria(Beckton Dickinson)により低流速及び4 way purityソーティングモードでソーティングし、細胞のソーティングを行った。

10

【0130】

20

21. 統計解析

データは、平均±SEMで表す。データは、Bonferroni法による一対比較によりANOVAを用いて比較した。

【0131】

結果

A. H-fibroblast画分及びH-MSC画分のストレス刺激

H-fibroblast画分とH-MSC画分のストレス刺激の結果の一例を表1に示す。

【0132】

ストレス刺激とボルテックス処理後、トリパンブルー染色により生細胞数を計測し、生存率を計算した。生細胞を回収し、7日間のMC培養に供した。条件(2)の場合、大量の死細胞が存在し、生細胞回収効率が低かったため、Muse細胞由来胚様体様細胞塊はうまく計測できなかった。表1には「ND(not determined)」で示した。

30

【0133】

6つの条件中で、H-fibroblast画分の16時間トリプシン処理及びH-MSC画分の8時間のトリプシン処理が最も効率的な刺激であった。2株のH-fibroblast画分及び4株のH-MSC画分を用いて繰返しこの実験を行ったところ、同様の傾向が認められた。陰性対照(ヒト末梢血単核細胞画分)においては、Muse細胞由来胚様体様細胞塊は認められなかった。代表的な観察値を表1に示す。

【0134】

【表 1】

表 1

H-fibroblast、H-MSC 及びヒト末梢単核球の MC 培養におけるストレス刺激後の生存率及び Muse 細胞由来胚様体様細胞塊の形成

H-fibroblast-1

		当初細胞数	ストレス刺激後の生存率 (%)	MC 培養における細胞塊 (>25 μm) 形成(性本細胞に対する%)
1	無血清	30,000	75	7
2	HBSS	2,000,000	6	ND
3	10%FBS+LowO ₂	30,000	99	8
4	Tryp 3 x 1hr	2,000,000	0.3	6
5	LTT 8hr	2,000,000	1	15
6	LTT 16hr	500,000	5	20

H-MSC-1

1	無血清	30,000	44	5
2	HBSS	2,000,000	2	ND
3	10%FBS+LowO ₂	300,000	99	8
4	Tryp 3 x 1hr	380,000	0.9	9
5	LTT 8hr	380,000	10	21
6	LTT 16hr	500,000	3	14

ヒト末梢単核球

5	LTT 8hr	300,000	2	0
6	LTT 16hr	300,000	1	0

ND (not determined): 大量の死細胞が存在し、生細胞回収効率が低かったため、Muse 細胞由来胚様体様細胞塊を計測できなかった

【 0 1 3 5 】

Muse 細胞由来胚様体様細胞塊形成効率から判断すると、16時間 (H-fibroblast 画分) 及び 8 時間 (H-MSC 画分) のトリプシン処理が 6 つの条件の中で最も効率的であると考えられた。16時間又は 8 時間トリプシン処理、1800~2000rpm/min での 3 分間のボルテックス及び 2000rpm 15 分間の遠心分離の一連の操作を Muse 細胞の濃縮のための長時間トリプシン処理 (LTT) と名付けた。ボルテックス処理後の細胞の回収率は約 70~80% であった (図 5)。

【 0 1 3 6 】

B. Muse 細胞由来胚様体様細胞塊の判定基準

本実施例において、Muse 細胞由来胚様体様細胞塊の判定基準を設けた。H-fibroblast 画分及び H-MSC 画分由来の富 Muse 細胞画分中の単一細胞の平均直径は 10~13 μm であった (図 6a)。これらの細胞を MC 培養すると、細胞は分裂を開始した。分裂するとそれぞれの細胞のサイズは小さくなり、8~10 μm の細胞から構成される多細胞塊が徐々に形成された (

図7e及び7f)。それぞれの細胞のサイズと外観は、MC培養したヒトES細胞に類似していた(図6b及び6c)。7日目に、ほとんどの多細胞塊は25 μ mより大きくなり、直径100~150 μ mになった。該細胞塊はES細胞と類似した外観を有していた。25 μ mのフィルターを用いることにより、25 μ mより大きい塊を回収した(図6b)。H-fibroblast画分及びH-MS C画分の100個のMuse細胞由来胚様体様細胞塊までの免疫細胞化学によりほとんどのMuse細胞由来胚様体様細胞塊は多能性マーカーNanog、Oct3/4、Sox2、PAR4及びSSEA-3が陽性であることがわかり、アルカリフォスファターゼ染色でも陽性であった(図6e-g)。25 μ mより小さい細胞塊の場合、マーカーは検出される場合とされない場合があり、また多能性マーカーの局在はこれらのマーカーに典型的なパターンを示さない場合もあった。さらに、細胞の外観はむしろ富Muse細胞画分に類似している場合があった。

10

上記結果より、直径25 μ mを超える多細胞塊を、Muse細胞由来胚様体様細胞塊とした。

【0137】

C. ヒト間葉系細胞画分から形成される細胞塊の分析

生体がストレスに曝されたり、傷害を受けると休眠状態の組織幹細胞が活性化されることが知られている。本実施例において、H-MS C画分及びH-fibroblast画分に種々の方法でストレスをかけ(無血清処理、Hank's Balanced Salt Solution(HBSS)による処理、低酸素処理、トータル3時間、8時間若しくは16時間のトリプシン処理等)、生存した細胞を集め、その後メチルセルロース(MC)含有培地中で浮遊培養(MC培養という)を行い、さらに8000細胞/mLの密度で7日間MC培養を行った(図7-1d)。その結果、最大で約直径150 μ mまでの種々の大きさの細胞塊の生成が認められた(図7-1e及びf)。図7-1cはH-fibroblast-1画分のMC培養の0日目の状態を、図7-1dは7日目の状態を示す。16時間のトリプシン処理を行ったH-fibroblast画分及び8時間のトリプシン処理を行ったH-MS C画分において、最も多くの細胞塊の形成が認められた。図7-1e及びfにH-fibroblast-1画分から形成された細胞塊(Muse細胞由来胚様体様細胞塊)の状態を示す。図7-1eはMC培養7日目の状態であり、図7-1fは単一細胞の浮遊培養10日目の状態である。細胞塊をサイズごとにフィルターを用いて分画し、免疫細胞化学分析を行った。直径25 μ mを超える細胞塊中に、Nanog、Oct3/4、SSEA-3、PAR-4及びSox2の多能性幹細胞マーカーが陽性であり(図7-2g-l)、さらにアルカリフォスファターゼ染色で陽性の細胞(図7-3m-o)が検出された。これらの細胞について電子顕微鏡を用いて観察したところ、H-fibroblast画分及びH-MS C画分から形成した細胞塊において、ES細胞と同様の核/細胞質比、細胞内器官の減少、核中の1つ若しくは2つの巨大な核小体の存在という特徴が認められた(図7-4p-r)。

20

30

【0138】

生体のH-MS C画分及びH-fibroblast画分から、多能性マーカー陽性及びアルカリフォスファターゼ染色陽性を示す細胞塊を浮遊培養で形成し得る細胞を見出した。本発明者らは、これらの細胞をMuse細胞(multilineage differentiating stress enduring cells)と名付けた。16時間のトリプシン処理を行ったH-fibroblast画分及び8時間のトリプシン処理を行ったH-MS C画分から形成した細胞集団を「富Muse細胞画分(Muse-enriched population)」と呼び、該集団から得た単一細胞を浮遊培養したところ、富Muse細胞画分の9~10%において、細胞塊の形成(Muse細胞由来細胞塊:Muse細胞由来胚様体様細胞塊)が認められた。このことは、富Muse細胞画分には約9~10%のMuse細胞が含まれることを示している。

40

【0139】

単離したMuse細胞の増殖について調べたところ、培養開始後1~2日目で細胞分裂が観察され、細胞は10日目頃までは約1.3日の分裂周期で増殖した(図8-2)。しかし、11~12日目には増殖速度は低下し、14日目に直径150 μ mの大きさの細胞塊が形成された時点で増殖が停止した。Muse細胞由来胚様体様細胞塊を5分のトリプシン処理でばらばらにし単一細胞とし、単一浮遊培養を行ったところ、細胞は生存したが、増殖速度は分裂周期が5~7日と非常に低いままであり、細胞によっては細胞増殖の停止も観察された(図8-1の(1))。このことは、これらの細胞塊の増殖が制限され、一旦速度が低下すると、浮

50

遊培養において、増殖速度は再上昇しにくいことを示す。しかしながら、単一のMuse細胞由来胚様体様細胞塊を接着培養に移すと、増殖を再開した。5～7日後、比較的小規模の増殖細胞群(3000～5000細胞)を5分のトリプシン処理でばらばらにし、MC培養すると、約40%の効率で細胞塊の形成が認められた(図8-1の(2))。細胞群のスケールをさらに上げて約 $5 \sim 10 \times 10^4$ に達したところで、トリプシンで長時間処理すると、再びMuse細胞(2nd cycle)を生成し、約10%の率でMuse細胞由来胚様体様細胞塊を形成した(図8-1)。トリプシンでの長時間処理-浮遊培養-接着培養を5回繰り返したところ、それぞれの世代において、同様の特性及びMuse細胞由来胚様体様細胞塊形成率を示した。5 cycle目のMuse細胞由来胚様体様細胞塊においても、多能性マーカー及びアルカリフォスファターゼは陽性であった。

10

【0140】

これらの現象が変異などを起こした異常な細胞によるものでないことを確認するために核型検査を行った。Muse細胞由来胚様体様細胞塊由来の細胞(clonally expanded cells)においては多くは正常な核型を有し、染色体の異常は認められなかった(図8-3)。このことにより正常な細胞による現象であることを示す。

【0141】

上記の結果は、Muse細胞が自己複製(セルフリニューアル)能を有し、クローン増殖することを示している。Muse細胞は、Muse細胞-Muse細胞由来胚様体様細胞塊-クローン増殖の一連のサイクルにより増殖する。従って、間葉系細胞集団から大量のMuse細胞を得ることが可能であると予測される。

20

【0142】

D. Muse細胞由来胚様体様細胞塊の3胚葉細胞への分化

分化能を確かめるため、単一のMuse細胞由来胚様体様細胞塊をゼラチンでコートしたディッシュに移し分化させた。7日目に平滑筋アクチン(中胚葉マーカー)、デスミン(中胚葉マーカー)、神経フィラメント-M(外胚葉マーカー)、フェトプロテイン(内胚葉マーカー)及びサイトケラチン7(内胚葉マーカー)が検出された(図9-1a-c)。RT-PCRにより、1から3サイクルの培養を行ったMuse細胞由来胚様体様細胞塊(第1から3 cycle)はフェトプロテイン及びGATA6(内胚葉マーカー)、微小管結合タンパク質2:MAP-2(中胚葉マーカー)及びNkx2.5(中胚葉マーカー)を発現していることが確認されたが、無処理のH-fibroblast又はMSC群はゼラチンコートしたディッシュ上での培養でも分化が認められなかった(図9-2)。

30

【0143】

さらに、富Muse細胞画分、Muse細胞由来胚様体様細胞塊及びES細胞を免疫不全マウスの精巣に注入し、テラトーマ(奇形腫)を形成するか否かを確かめた(図9-3e)。組織学検査の結果、ES細胞ではすべてのマウスにおいて8週以内にテラトーマの形成が認められた。しかしながら、富Muse細胞画分では13頭中10頭で、Muse細胞由来胚様体様細胞塊では11頭中10頭で、図9-3eに示すように、移植されたヒト細胞の残存と、種々の細胞種への分化が認められた。テラトーマは少なくとも6ヶ月まで富Muse細胞画分及びMuse細胞由来胚様体様細胞塊の移植群において形成が全く認められなかった。移植したヒト細胞は抗ヒトミトコンドリア抗体によって標識されるが、それらの細胞は同時に外胚葉マーカー(神経フィラメント)、内胚葉マーカー(フェトプロテイン)及び中胚葉マーカー(平滑筋アクチン)を発現することが確認された(図9-3f-i)。

40

【0144】

これらのデータは、H-fibroblast画分、H-MSC画分由来Muse細胞及びMuse細胞由来胚様体様細胞塊はin vitroでも in vivoでも3胚様に分化し得ることを示している。

【0145】

E. 定量的PCR

多能性及び分化状態に関連したマーカーの発現を図10に示す。Nanogの発現は、富Muse細胞画分及び細胞クラスターにおいては、無処理細胞に比べそれほど高くなかった。多能性幹細胞の幾つかにおいては、Nanogはそれほど発現しない(Chou YF et al., Cell 13

50

5, 449-461 (2008); Bui HT et al., Development. 135(23):3935-3945 (2008)). Nanogと同様に、Q-PCRでのOct-4はマウスES細胞に比較するとリプログラミング体細胞において低い (Bui HT et al., Development. 135(23):3935-3945 (2008)). 従って、Nanog及び他の多能性 (pluripotency) マーカーの発現量はpluripotencyにとってそれほど重要ではない。

【 0 1 4 6 】

F . 富Muse細胞画分及びMuse細胞由来胚様体様細胞塊の遺伝子発現

定量PCRにより多能性及び非分化状態に関連するいくつかのマーカーが富Muse細胞画分及びMuse細胞由来胚様体様細胞塊でアップレギュレートされていることが示された。富Muse細胞画分は上記のように9~10%のMuse細胞を含んでいるに過ぎないが、Rex1 (ZFP42)、Sox2、KLF-4、c-Myc、DPPA2 (developmental pluripotency associated 2)、ERAS、GRB7 (Growth factor receptor-bound protein 7)、SPAG9 (Sperm associated antigen)、TDGF1 (teratocarcinoma-derived growth factor1が、無処理細胞画分に比べて高度に又は適度にアップレギュレートされていた。Muse細胞由来胚様体様細胞塊においては、DAZL (azoospermia-like)、DDX4 (VASA)、DPPA4 (developmental pluripotency associated 4)、Stella、Hoxb1、PRDM1及びSPRY2 (sprouty homolog2)が無処理細胞に比べてアップレギュレートされていた (図10a)。

【 0 1 4 7 】

H-fibroblast画分及びH-MSC画分由来の、無処理細胞画分、富Muse細胞画分及びMuse細胞由来胚様体様細胞塊の全体的な遺伝子発現を、ヒト末梢血単核細胞画分をコントロールとして比較したところ、無処理細胞画分、富Muse細胞画分及びMuse細胞由来胚様体様細胞塊の間で幾つかの遺伝子において発現パターンの変化が認められた (図10a)。

【 0 1 4 8 】

富Muse細胞画分及びMuse細胞由来胚様体様細胞塊におけるテロメラーゼ活性は低かった。このことは、テロメラーゼ活性がMuse細胞の増殖活性にそれほど関与していないことを示している (図10b)。

【 0 1 4 9 】

G . DNAマイクロアレイによる全体的な遺伝子発現

108プローブのピアソン相関分析を、ヒト末梢血単核細胞 (陰性対照)、無処理細胞画分、H-fibroblast画分及びH-MSC画分由来の富Muse細胞画分及びMuse細胞由来胚様体様細胞塊について行った (図11)。

また、DNAマイクロアレイにより、発現しているオドラント受容体及びケモカイン受容体をピックアップした。

【 0 1 5 0 】

H . 生体におけるMuse細胞の存在

上記に示した検討は、安定な培養細胞を用いて行った。細胞を成体から取り出して培養した場合、生体内とは異なる特性を持ち得るので、Muse細胞やMuse細胞由来胚様体様細胞塊がアーティファク的な産物である可能性は否定できない。そこで、ヒト生体すなわちヒト骨髓細胞から培養を経ないで直接Muse細胞由来胚様体様細胞塊を得ることを試みた。ヒト骨髓穿刺液から単核細胞画分を単離し、直接MC培養に供するか (naive hBM-MC)、あるいは8時間のトリプシン処理を行った後にMC培養に供した (8hr-hBM-MC、トリプシン処理後の単核細胞画分の生存率は約3.5%であった)。7日後、Muse細胞由来胚様体様細胞塊の形成が無処理のnaive hBM-MCでは約0.004%の効率で認められ、8hr-hBM-MCでは約0.3%すなわち約75倍の効率であった (図12a)。これらのMuse細胞由来胚様体様細胞塊はアルカリフォスファターゼ染色陽性であった (図12b)。無処理のnaive hBM-MC及び8hr-hBM-MC由来の単一Muse細胞由来胚様体様細胞塊からクローン増殖した細胞のRT-PCRにより、-フェトプロテイン、GATA6、MAP-2及びNkx2.5の発現が認められた (図13)。これらの結果は、ヒト骨髓中にin vivoにおいてもMuse細胞が存在し、8時間のトリプシン処理で富化しMuse細胞由来胚様体様細胞塊を形成させることができることを示している。さらに、骨髓の多くのタイプの細胞中で、Muse細胞がCD105陽性間葉系細胞画分に属してい

ることが確認された。

【0151】

上記のように、ヒト骨髄穿刺液から直接単離した単核細胞画分中の無処理hBM-MCの形成効率は0.004%と著しく低かった。培養中の細胞においては、細胞集団の構成が変化し得るため、安定的な培養を行っている細胞は、骨髄から単離した無処理単核球とは異なるMuse細胞由来胚様体様細胞塊形成傾向を示すと考えられる。これを確認するため、次いで、ヒト骨髄穿刺液を培養し、初代MSCを回収しMC培養を行ったところ、約0.2%のMuse細胞由来胚様体様細胞塊形成が認められた。これらの初代MSCをさらに2回又は5回継代培養したところ、Muse細胞由来胚様体様細胞塊形成効率は無処理細胞画分に対して約0.5%~1.0%それぞれ上昇した。無処理のH-fibroblast画分及びヒトMSC画分の約1.2%がMuse細胞由来胚様体様細胞塊を形成する。これらの結果は、Muse細胞のようなストレス耐性を有する細胞は継代培養等のin vitro培養環境で残り、このため安定な継代培養細胞画分が骨髄穿刺液から直接単離した単核細胞画分よりもより高いMuse細胞由来胚様体様細胞塊形成効率を示したことを示唆する。

10

【0152】

骨髄はMSC、造血系細胞、内皮細胞を含む多種の単核細胞を含む。どの画分がMuse細胞を含むかを調べるために、ヒト骨髄穿刺液から単離した単核細胞画分を、CD34、CD117（いずれも造血幹細胞マーカー）及びCD105（間葉系細胞のマーカー）に対する抗体を用いて直接MACSソーティングに供し、各々の画分を8時間トリプシン処理し、7日間MC培養を行った。CD34陽性、CD117陽性画分にはMuse細胞由来胚様体様細胞塊はほとんど検出されなかったが、CD34陰性、CD117陰性、CD105陽性画分にはCD34陰性、CD117陰性、CD105陰性画分の50倍のクラスターの形成が認められた。この結果は、Muse細胞は主にCD105陽性間葉系細胞画分中に存在することを示唆している。

20

【0153】

I. MACSソーティング

骨髄単核細胞画分からのそれぞれのフラクションの収率は、フラクション1（CD105陽性フラクション）で1.8%、フラクション2（CD34陽性・CD117陽性フラクション）で8.5%、フラクション3（CD34陰性・CD117陰性・CD105陰性フラクション）で89.7%であった。フラクション1、2及び3の細胞塊形成率は、それぞれ0.5%、0%及び0.01%であった。従って、フラクション1の細胞塊形成率はフラクション3の約50倍であった。

30

【0154】

J. FACSソーティング

一例として、SSEA-3をマーカーとしてFACSソーティングを行った。

H-fibroblast及びHMSCの両方について、SSEA-3陽性細胞及びSSEA-3陰性細胞をFACSソーティングにより分離し、単一細胞懸濁培養に供した。SSEA-3陽性細胞の約50~60%がMuse細胞由来胚様体様細胞塊を形成した。一方、SSEA-3陰性細胞ではMuse細胞由来胚様体様細胞塊を形成しなかった。

【0155】

K. Muse細胞の特徴

FACS分析により、無処理H-fibroblast画分及びH-MSC画分は間葉系細胞に発現するCD44、CD49f、CD54、CD90、CD105陽性の画分を含むことがわかった。しかし、CD11c、CD34、CD45、CD71、CD166、CD271及びフォンビルブランド（vWF）因子は陰性であった。富Muse細胞画分においては、CD44及びCD54が陰性となったSSEA-3陽性画分は約0.7~1.9%であった（図14）。

40

【0156】

SSEA-3は多能性のマーカーの1つであるので、無処理のH-fibroblast画分及びH-MSC画分中のMuse細胞由来胚様体様細胞塊形成率（約1.2%）及び富Muse細胞画分での形成率（9~10%）は、それぞれのSSEA-3の陽性率（無処理細胞画分は約0.7~0.9%、富Muse細胞画分では7~8.3%）に似ていた。SSEA-3の陽性率は、Muse細胞のある状態を示している可能性がある。免疫組織化学によると、無処理のH-fibroblast画分及びH-MSC画分中のSSE

50

A-3陽性細胞の数は1%未満であった。そこで、H-fibroblast画分及びH-MSC画分由来の富Muse細胞画分からSSEA-3陽性細胞をソーティングし、単一浮遊培養を行った。その結果、SSEA-3陽性細胞の50~60%がMuse細胞由来胚様体様細胞塊を形成した。これは富Muse細胞画分のMuse細胞由来胚様体様細胞塊形成の約6~7倍、無処理細胞画分のMuse細胞由来胚様体様細胞塊形成の約60倍である。一方SSEA-3陰性の細胞画分からはMuse細胞由来胚様体様細胞塊の形成は認められなかった。FACSによるソーティングにより得られたSSEA-3陽性細胞画分由来の単一細胞塊からクローン増殖により得られた細胞(3,000~5,000細胞)のSSEA-3陽性率は約45%であった(図15-1a)。このことは、Muse細胞由来胚様体様細胞塊の形成過程において、非対称性分裂が関与しており、単一Muse細胞由来胚様体様細胞塊のクローン増殖においても同様であることを示唆している。実際、非対称性分裂に関与していることが知られているNumbl-likeは、2つの細胞への分裂の過程で1つの細胞中のみ存在する(図15-2b)。これらの結果は、非対称性細胞分裂がMuse細胞の増殖に関与していることを示唆する。

10

【0157】

電子顕微鏡観察により、H-fibroblast画分及び長時間トリプシン処理後にソーティングしたH-MSC画分由来SSEA-3陰性細胞において核の変形と細胞質中の小胞が観察され、細胞が障害を受けていることが示された。しかし、SSEA-3陰性細胞と陽性細胞の間で明らかな形態的な差は認められなかった(図15-3c及びd)。

【0158】

SSEA-3陽性細胞の重要性は、移植実験においても示された。SSEA-3陰性細胞画分を移植した場合、SSEA-3陽性細胞画分を移植した場合に比べて、組織マーカーの発現はほとんどの細胞で認められなかった。

20

【0159】

富Muse細胞画分において、ほとんどのSSEA-3陽性細胞はOct3/4及びSox2を共発現しており、細胞質中に検出された(図15-4e及びg)。しかし、核中で発現している細胞は極めて少なかった(図15-4f)。この結果は、SSEA-3がMuse細胞の良いマーカーとなり得ることを示している。一方、Muse細胞由来胚様体様細胞塊の細胞においては、Oct3/4及びSox2は核中に主に局在していた(図7-2h及びi)。この2つのマーカーの細胞内局在の差異は細胞状態の差異を反映している可能性がある。

【0160】

Muse細胞が長時間のトリプシン処理により人工的に誘導された可能性も否定できない。多くのMuse細胞が骨髄中のCD105陽性細胞画分に存在する。さらに、SSEA-3陽性細胞は、Muse細胞の特性を示す。そこで、ヒト成体骨髄穿刺液からSSEA-3及びCD105の二重陽性(double positive)細胞として、Muse細胞を直接得ることを試みた。二重陽性細胞は、骨髄由来単核球中に0.025%~0.05%存在し、それを長時間のトリプシン処理なしに、直接単一細胞浮遊培養に供した。7日後、 $11.4 \pm 1.2\%$ の細胞(単核球の0.003~0.005%に相当する)が、Muse細胞由来胚様体様細胞塊を形成し、アルカリフォスファターゼ陽性であった。次いで、単一Muse細胞由来胚様体様細胞塊を接着培養により3,000細胞まで増殖させ、単一浮遊培養に供した。これらの細胞中、 $33.5 \pm 3.1\%$ の細胞が第2世代のMuse細胞由来胚様体様細胞塊を形成した。また、単一Muse細胞由来胚様体様細胞塊からゼラチンでコートした培養ディッシュで増殖させた細胞についてRT-PCRを行ったところ、 β -フェトブロテイン、GATA6、MAP-2及びNkx2.5の発現が認められた。これは、ヒト成体骨髄中にMuse細胞の特性を有する細胞が存在することを示唆する。

30

40

【0161】

上記のように、ストレス刺激により非幹細胞を除去することにより幹細胞を富化することができた。Muse細胞を長時間トリプシン処理とその後のSSEA-3陽性細胞のソーティングにより効率的に集めることができた。Muse細胞は、多能性マーカーを発現しアルカリフォスファターゼ染色陽性であり、外胚葉、中胚葉及び内胚葉系細胞に分化し得るMuse細胞由来胚様体様細胞塊を形成した。また、増殖速度の測定において腫瘍形成性増殖に関する特徴を有しておらず、テロメラーゼ活性も有していなかった。このことは、Muse細胞は爆発

50

的増殖を防ぐための多重のセキュリティシステムを有していることを示している。Muse細胞の非腫瘍形成性特性はMuse細胞をマウス精巣に注入する実験においても認められた。この特性は生体機能のバランスを維持する上で都合がよく、この特性がなければ、異常増殖や異形成により生体は破壊され、腫瘍形成やテラトーマ形成をもたらす。

【0162】

Muse細胞の多能性は接着培養系では顕在化せず、浮遊培養で観察された。

通常、Muse細胞は不活性休眠状態にあり生体が、危機的状态に陥ったり、あるいは重篤な傷害を被り、又は飢餓若しくは虚血状態等のストレス過多状態が維持されるとある種のシグナルが伝達されて活性化すると考えられる。その後、Muse細胞は組織再生に貢献し、細胞間相互作用や組織化に貢献する。

10

【0163】

実施例2 SSEA-3を利用して単離したMuse細胞の特性分析

実施例1の検討において、FACSにより得たSSEA-3陽性細胞画分が多能性幹細胞の特性を有していること、すなわちMuse細胞であることが判明したが(上記J、K等)、さらに、単離したSSEA-3陽性細胞を用いて、*in vitro*での分化能及び*in vivo*での分化能を検討し、さらにMuse由来iPS細胞の確立を行った。

【0164】

1. 損傷組織への移植による*in vivo*での分化能の検討

GFP(緑色蛍光タンパク質)-レンチウイルスで標識したSSEA-3陽性Muse細胞を単離し、脊髄(圧迫損傷)、肝臓(CCl₄を腹腔内注射、劇症肝炎モデル)又は腓腹筋(cardiotoxin注射)に損傷を与えた免疫不全マウス(NOGマウス)に静脈注射により移植した。ヒト皮膚細胞由来のMuse細胞をGFP(緑色蛍光タンパク質)-レンチウイルスで標識し(Hayase M et al., J Cereb Blood Flow Metab. 29(8): 1409-20, 2009)、Muse細胞由来胚様体様細胞塊が標識細胞由来であることをGFPにより確認した。脊髄損傷はNOGマウスに対してレベルTh9で行い(Farooque M et al., Acta Neuropathol., 100; 13-22, 2000)、NOGマウスの腓腹筋にcardiotoxinを投与し筋肉変性を誘発し、四塩化炭素をNOGマウスに腹腔内投与し、肝臓変性を誘発した。筋肉及び肝臓については2日後、脊髄については7日後に1 × 10⁵のMuse細胞を静脈注射により移植した(各6頭のマウスを使用)。コントロールとして、GFP標識MEC集団を静脈注射したマウスを用いた。移植の3又は4週間後に、マウスをパラホルムアルデヒドで固定し、免疫組織化学及び共焦点レーザー顕微鏡観察に供した。

20

30

【0165】

脊髄損傷の4週間後、GFP及びヒトゴルジ複合体陽性細胞がニューロフィラメントを形成していた。(図16-1N及びO)。また、4週間後、再生している肝臓において、GFP及びヒトゴルジ複合体陽性細胞がヒトアルブミンを発現していた(図16-1P)。RT-PCRの結果によりMuse細胞を移植したNOGマウス肝臓においてヒトアルブミンの形成が示された(図16-2)。GFP陽性細胞を再生している筋肉に注射した場合、3週間でヒトジストロフィンを発現した(図16-3)。一方、SSEA-3陰性ヒト皮膚線維芽細胞画分を移植した場合、細胞のインテグレートは顕著に少なく、組織マーカーが陽性の細胞はほとんど認められなかった。これらの結果は、Muse細胞が損傷組織に統合され、それぞれ、*in vivo*で外胚葉、中胚葉及び内胚葉に分化し得ることを示す。

40

【0166】

2. 単一Muse細胞由来のMuse細胞由来胚様体様細胞塊からの増殖細胞の分化

Muse細胞の分化調節に誘導システムが有効かどうかを検討した。単一SSEA-3陽性Muse細胞由来のMuse細胞由来胚様体様細胞塊を接着培養に供し、増殖させた。単一Muse細胞由来の増殖細胞を回収し、4つの群に分け、それぞれの群に対して、神経、骨細胞、脂肪細胞及び幹細胞への分化誘導を行った(n=5)。

【0167】

神経誘導のためには、細胞をpoly-HEMAでコートしたディッシュを用いて1 × 10⁵/mlの密度でB-27 supplementを含むNEUROBASAL1培地(Gibco社)中で7日間培養し、sphere(球状の細胞塊)を形成させた。分化させるためにsphereをポリ-L-リシンでコートしたガラ

50

ス上に移し、25ng/ml FGF及び25ng/ml BDNFを含む2% FBS中で10日間培養した。

【0168】

骨細胞誘導のためには、細胞を 4.2×10^3 細胞/cm²の密度でHuman Mesenchymal Stem Cell Functional Identification Kit (R&D Systems)の骨細胞誘導培地を用いて14日間培養した。

【0169】

脂肪細胞誘導のためには、細胞を 2.1×10^4 細胞/cm²の密度でHuman Mesenchymal Stem Cell Functional Identification Kit (R&D Systems)の脂肪細胞誘導培地を用いて14日間培養した。

【0170】

肝臓細胞誘導のためには、細胞を 2.0×10^4 細胞/cm²の密度でDMEM (10%FBS、10nMデキサメタゾン及び100ng/ml HGFを含む10×ITS (GIBCO社)、50ng/ml FGF4を含む)を用いてコラーゲンコートしたディッシュ上で14日間培養した。

【0171】

神経誘導によりsphereが形成され、sphereは神経幹細胞マーカーであるネスチン、Mushroom body 1 (Mush1)及びNeuroD陽性であることが確認された(図17-1A~D)。これらのsphereを分化培地中で培養するとMAP-2又はGFAP陽性細胞に分化した(図17-1E、MAP-2、GFAPいずれも89±5.7%の陽性率)。細胞を骨細胞誘導したとき、オステオカルシン陽性細胞(97±3.5%)及びアルカリフォスファターゼが認められた(図17-1F及びG)。脂肪細胞分化については、オイルレッドで染色される脂肪滴を有する細胞が形成された(90±4.9%)(図17-1H~I)。肝細胞誘導にヒトフェトプロテイン陽性細胞(図17-1J、87±7.6%)並びにヒトアルブミンとヒトフェトプロテイン陽性細胞(図17-2)の形成がRT-PCRにより認められた。これらの結果は、Muse細胞の3胚葉への分化が、非常に高い効率で誘導により調節できることを示している。

【0172】

3. ヒト成人皮膚からのSSEA-3陽性細胞の採取

培養細胞を培養したり、Muse細胞由来胚様体様細胞塊を形成させることなく、ヒト成人皮膚から直接Muse細胞を単離することを試みた。

【0173】

ヒト健常人(n=3)からの皮膚(BIOPREDIC Internationalより入手)の上皮及び脂肪組織を除き真皮を得、真皮を10% FBSを含むMEM中コラーゲナーゼ/ジスパーゼと共に37°Cで36時間インキュベートした。濾過により消化された皮膚細胞を回収し、1500rpmで20分間遠心分離し、MEMで洗浄し、0.25%トリプシン-HBSSで5分間インキュベートした。細胞をさらにFACSバッファーで洗浄し、SSEA-3とインキュベートし、FACSを用いてSSEA-3陽性細胞をソーティングした。約7cm²の皮膚組織から $1.3 \pm 0.3 \times 10^4$ の単一細胞を回収することができた。SSEA-3陽性細胞は、回収した単一細胞の1.7±0.2%であった。

【0174】

SSEA-3陽性細胞の21.0±1.7%が、限界希釈による単一細胞浮遊培養で7日でMuse細胞由来胚様体様細胞塊を形成した。Muse細胞由来胚様体様細胞塊はALP陽性であり、単一のMuse細胞由来胚様体様細胞塊からゼラチンでコートしたディッシュを用いて増殖させた細胞について、RT-PCRで確認したところ、MAP-2、Brachyury、Nkx2.5、GATA6及びフェトプロテインを発現していた。この結果は、Muse細胞と同じ性質を有する細胞が上述の成人ヒト骨髄液と同様に、成人ヒト皮膚にも存在することを示している。

【0175】

ヒト成人皮膚は、SKP(皮膚由来前駆細胞)、NCSC(神経堤幹細胞)、メラノブラスト(MB)、血管周囲細胞(PC)、内皮前駆細胞(EP)、脂肪由来幹細胞(ADSC)等の種々のタイプの幹細胞や前駆細胞を含んでいる。Muse細胞がこれらの幹細胞等と同じである可能性を排除するために、Muse細胞におけるSnai1(SKPのマーカー)、Slug(SKPのマーカー)、Sox10(NCSCのマーカー)、CD271(NCSCのマーカー)、Tyrp1(MBのマーカー)、Dct(MBのマーカー)、CD117(c-Kit)(MBのマーカー)、CD146(PC及びADSCのマーカー)、NG2(

10

20

30

40

50

PCのマーカ－)、CD34 (EP及びADSCのマーカ－) 及びフォンビルブランド因子 (EPのマーカ－) の発現を分析した。これらのマーカ－のいずれもSSEA-3陽性細胞において、FACS分析又はRT-PCRで認められなかった (図18-1及び図18-2)。この結果は、Muse細胞はヒト成人皮膚に存在することが公知である幹細胞や前駆細胞と異なる細胞であることを示している。

【0176】

さらに、フェライト粒子を用いてMuse細胞の貪食能を調べたところ、Muse細胞はフェライト粒子を容易に取り込み、高い貪食能を有していた (図18-3)。

【0177】

4. Muse由来iPS細胞 (Muse-iPSC) の確立

iPS細胞は、Oct3/4遺伝子、Sox2遺伝子、Klf4遺伝子、c-Myc遺伝子、Nanog遺伝子、Lin28遺伝子等を導入し作製されている。Muse細胞は、多能性(pluripotency)マーカ－を発現し、外胚葉、内胚葉及び中胚葉系細胞に分化し得るという点で、iPS細胞と類似した特性を有している。そこで、Muse細胞がiPS細胞のよい材料となり得るかを検討した。

【0178】

方法は以下のとおりであった。

H-fibroblast画分由来のSSEA-3陽性細胞及び陰性細胞に、Takahashi et al., Cell, 131, 861-872(2007)の記載に従って、レトロウイルスベクターを用いて、Nanog、Oct3/4、KLF4及びc-Mycの4つの因子を導入し、培養した。以下に、方法の詳細を示す。

【0179】

プラスミドの確立

pMXsレトロウイルスベクター(Cell Biolabs)にヒトOct3/4、Sox2、Klf4、c-Mycのopen reading frameを組み込んだ。

【0180】

レトロウイルスの感染及びiPS細胞の確立

PLAT-A細胞を100mm dishに 5×10^6 細胞の密度でまき、一晚培養した。次の日に、Fugene HDを用いてトランスフェクションを行った。トランスフェクションから24時間後、新しい培地に交換した。3日後に上清を回収し、 $0.45 \mu\text{m}$ のフィルターに通し、 $4 \mu\text{g/ml}$ のポリブレンを加えた。60mm dishに 1×10^5 細胞の密度でまいたNHDF (皮膚線維芽細胞) にウイルス溶液を感染させた。24時間後、ウイルスの入っていない新しい培地に交換した。ウイルス感染から4日後にトリプシンにより剥がした細胞を、MEF (フィーダー細胞) の上に 3×10^4 細胞の密度でまいた。翌日、培地を 4ng/ml bFGFを加えたPrimate ES mediumに交換した。その後2日に1回培地交換を行い、30日後、コロニーをピックアップし、24ウェルプレートにまいた。

【0181】

PCR分析

RNeasy mini kit(QIAGEN)によりRNAを精製した。500ngのRNAをSuperScriptIIを用いて逆転写した。内因性のOct、Sox2、Klf4、Myc、NanogのプライマーとPCRの条件等はTakahashi et al., Cell, 131, 861-872(2007)に記載の通りで行った。

【0182】

in vitroにおけるiPS細胞の分化

コラゲナーゼによりiPS細胞を採取した。細胞の塊をPoly-HEMAでコーティングしたdishに、20% Knockout serum replacement (Invitrogen)、2mM L-Glutamine、 $1 \times 10^{-4}\text{M}$ nonessential amino acid、 $1 \times 10^{-4}\text{M}$ 2-mercaptoethanol (Nacalai)、0.5% Penicillin/Streptomycinを含むDMEM/F12培地にて培養した。培地は2日に一回交換した。7日後、EBをゼラチンコートしたdishにまき、同じ培地で一週間培養した。

【0183】

テラトーマの形成

60mm dishのiPS細胞をRock inhibitorにより処理し、Accutase (登録商標) により採取しチューブに集めて遠心後、PBSに浮遊させた。これをNOG mouse (登録商標) (財団法人

10

20

30

40

50

実験動物中央研究所)の精巢に注射した。12週後に4%パラホルムアルデヒドにより固定した。パラフィン切片はHE (Hematoxylin & Eosin)染色を行った。

【0184】

以下の結果が得られた。

H-fibroblast画分由来のSSEA-3陽性細胞及び陰性細胞に、Takahashi et al., Cell, 131, 861-872(2007)の記載に従って、レトロウイルスベクターを用いて、Nanog、Oct3/4、KLF4及びc-Mycの4つの因子を導入し、5日後にMEF上に再度まきなおし、培養した。colony pickupを行う直前、すなわちMEF上での培養30日目においては、SSEA-3陰性細胞中で形成されたコロニーは非ES細胞様コロニーであり、ES細胞のマーカであるTra-1-80陽性のコロニーはまったく見られなかった。一方、多くのSSEA-3陽性細胞においては陰性の細胞群の約7倍ほどの数のコロニーを形成し、それらはTra-1-80は陽性であった。注目すべきは、SSEA-3陰性細胞(コロニーやコロニーを形成していない細胞すべてを回収)では、RT-PCRで測定したところ、MEF上30日目のcolony pick up直前でもNonog、Sox2などの多能性に密接に関連した重要な遺伝子は陰性であった。一方、SSEA-3陽性細胞において、内因性のOct3/4、KLF4及びRex1がアップレギュレーションされており、さらにNanog、Sox2が発現していた。予測されていたとおり、SSEA-3陽性細胞をcolony pickupし、新たなMEF(フィーダー細胞)上に移した場合、無処理H-fibroblast画分細胞を用いた場合よりも30倍ほど高い効率でiPSを作製することができた。これらのiPS細胞において、免疫細胞化学、RT-PCR及びQ-PCRにより、Tra-1-60、Tra-a-80、Rex1、UTF-1、テロメラーゼ逆転写酵素(TERT)及びヒトES細胞において発現している因子がアップレギュレーションしており、あるいは新たに発現していた(図19、21)。また、得られたMuse細胞由来iPS細胞において、Nanog、Oct3/4、Sox2及びTRA-1-81が発現していた(図19)。RT-PCRにより、Muse細胞由来iPS細胞ではNanog、Oct3/4及びSox2が発現しているが、SSEA-3陰性細胞由来コロニーでは発現していないことがわかった(図21)。

10

20

30

40

50

【0185】

SSEA-3陽性細胞とSSEA-3陰性細胞画分とで、Oct3/4遺伝子、Sox2遺伝子、Klf4遺伝子およびc-Myc遺伝子の導入効率はほとんど同じであった。導入した細胞をマウスフィーダー細胞上でディッシュ当たり 1×10^5 の密度で培養した。両方の各群でコロニーを形成したが、SSEA-3陰性細胞画分から形成されたコロニー数は、SSEA-3陽性細胞画分の7分の1程度であった。さらに、SSEA-3陽性細胞画分と異なり、SSEA-3陰性細胞画分では、ヒト多能性幹細胞マーカであるTRA-1-81陽性コロニーは、コロニーを採取する直前の培養30日後でも認められなかった(図22-1)。RT-PCRにより、内因性Sox2及びNanogはSSEA-3陽性細胞由来画分のみで発現しており、SSEA-3陰性細胞画分では発現していなかった(図22-2)。

【0186】

さらに、SSEA-3陽性及び陰性細胞画分をそれぞれ継代し、iPS細胞株を確立した。3継代後、ヒトES細胞様の形態(平らなコロニー)を示したそれぞれのコロニー(図22-3C及びC1)についてRT-PCRを行い、内因性oct3/4、Sox2及びNanogを発現しているコロニーをiPSコロニーとしてカウントした。その結果、iPS細胞は、SSEA-3陽性細胞由来コロニーのみから形成され、効率は0.03%であった。SSEA-3陰性細胞由来コロニーからは形成されなかった(図22-3D及びD1)。

【0187】

さらに、Muse細胞から確立したiPS細胞は、外胚葉、内胚葉及び中胚葉系細胞に分化し、マウス精巢にてテラトーマを形成した(図23-1~23-3)。

【0188】

Muse細胞の増殖活性は、増殖速度及びテロメラーゼ活性の観点からそれほど高くない。このことは、Muse細胞は、マウス精巢中で3胚葉性の細胞に分化するが、テラトーマは形成しないことと対応している。もし、Muse細胞が皮膚や骨髄等のヒト成人組織において維持されている場合、その増殖は厳密に調節されているはずであり、そうでなければ、Muse細胞は生体のすべての部分で腫瘍を形成してしまうであろうことを考えても妥当である。

さらに、ある条件下で培養した杯盤葉上層 (epiblast) 幹細胞がマウス精巢中でテラトーマを形成しないことが示されていることを考慮すると (Chou et al., Cell, 135, 449-461(2008))、多能性細胞が常にテラトーマを形成するとは言えない。Muse細胞は、最初から多能性マーカーの発現や分化能等において多能性細胞の特性を示すので、Muse細胞は単独でiPS細胞になり、増殖活性が上昇し、マウス精巢中でテラトーマを形成するようになることが予測される。iPSの誘導メカニズムは解明されていないが、間葉系細胞中のMuse細胞における腫瘍性増殖性の獲得の可能性がある。

【0189】

無処理ヒト皮膚線維芽細胞画分から約0.001%の効率でiPS細胞が確立できたが、これは K. Takahashi et al., Cell 131, 861 (2007)の報告と一致する。従って、SSEA-3陽性細胞からのiPS細胞作製効率は、無処理線維芽細胞に対して30倍高かった。このことは、iPS細胞の形成に主にMuse細胞が寄与していることを示唆している。

10

【0190】

免疫組織化学及びRT-PCRにより、Muse由来iPS細胞から得た胚様体は、in vitroで外胚葉 (ニューロフィラメント及びMAP-2)、中胚葉 (SMA、Brachyury及びNkx2.5)、及び内胚葉細胞 (α-フェトプロテイン及びGATA-6) に分化することがわかった。さらに、免疫不全マウス精巢にMuse由来iPS細胞を投与したところ、テラトーマの形成が観察された。一方、Muse細胞由来胚様体様細胞塊を精巢に注射した場合、6ヶ月後においてもテラトーマの形成は認められず、MEFを注射したコントロールと比べて大きさもそれほど大きくならなかった。しかし、ヒトミトコンドリア並びにSMA、α-フェトプロテイン及びニューロフィラメントが陽性の細胞が同定された。この結果は、Muse由来iPS細胞と異なり、元々のMuse細胞はテラトーマを形成しないが、免疫不全マウス中で外胚葉、中胚葉及び内胚葉に分化し得ることを示す。

20

【0191】

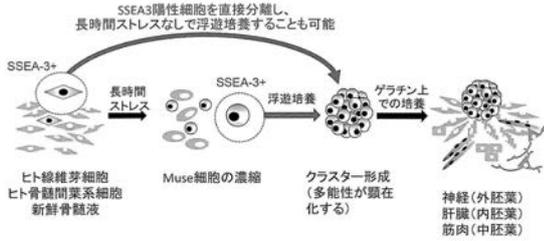
Muse細胞由来胚様体様細胞塊とMuse由来iPS細胞について定量PCR (Q-PCR) を行った。結果を図25及び26に示す。細胞周期調節に関連した遺伝子の発現パターンは、大きく異なっていた。細胞周期進行に関連した遺伝子のほとんどは、Muse細胞由来胚様体様細胞塊ではダウンレギュレートされていたが、Muse由来iPS細胞ではアップレギュレートされていた。一方、Muse細胞由来胚様体様細胞塊とMuse由来iPS細胞において、多能性及び未分化状態に関与した遺伝子の発現は同様の傾向を示した。ただし、Muse細胞由来胚様体様細胞塊におけるNanog、Oct3/4及びSox2の発現レベルはMuse由来iPS細胞よりはるかに低かった。Nanog遺伝子及びOct3/4遺伝子のプロモータ領域のシトシン・グアニンジヌクレオチド (CpG) はMuse由来iPS細胞でMuse細胞由来胚様体様細胞塊に比べてメチル化の程度は小さかった。なお、Nanog遺伝子のプロモータ領域のCpGのメチル化はSSEA-3陰性無処理細胞画分に比べて、Muse細胞由来胚様体様細胞塊で低かった (図24)。この結果は、Muse細胞とMuse由来iPS細胞の間の多能性マーカーの発現レベルの差を説明する。

30

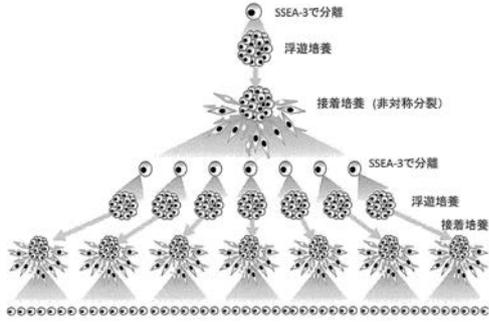
【0192】

本明細書で引用した全ての刊行物、特許および特許出願をそのまま参考として本明細書にとり入れるものとする。

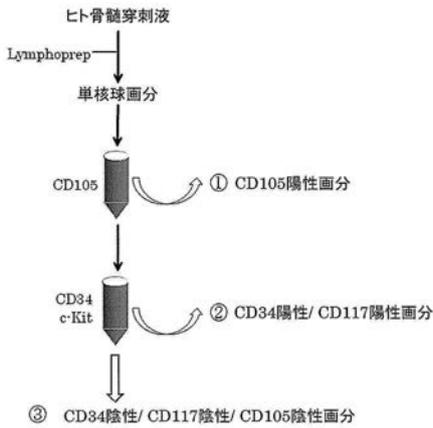
【 図 1 - 1 】



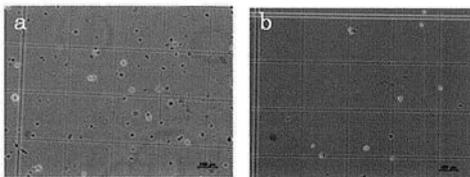
【 図 1 - 2 】



【 図 4 】



【 図 5 】



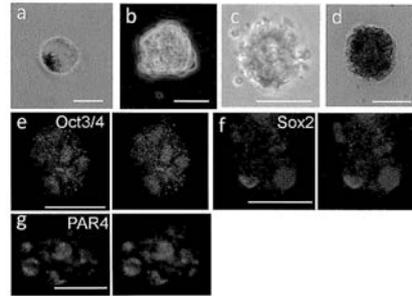
【 図 2 】

Gene Symbol	Total	D24 EB body/224 Native	NHDF EB/224 Native	Gene Title
THSD	1267, 42467	42, 96487484	1224, 459795	thrombospondin
IL1RN	860, 4457022	12, 0036553	948, 4418419	interleukin 1 receptor antagonist
FOS	954, 4074669	88, 7202031	865, 6874438	y-Fos FBJ murine osteosarcoma viral oncogene homolog
SLC16A6	849, 437506	715, 7799818	133, 6575242	solute carrier family 16, member 6 (monocarboxylic acid transporter 7)
TYRP1	768, 3374259	11, 67218252	756, 6652834	tyrosinase-related protein 1
CACNA1A	685, 5302732	3, 084442121	682, 445831	Calcium channel, voltage-dependent, P/Q type, alpha 1A subunit
C16orf81	531, 0858738	528, 3969782	2, 68895627	chromosome 16 open reading frame 81
CHI3L1	489, 824397	373, 8511267	116, 0732704	chitinase 3-like 1 (cartilage glycoprotein-39)
PRSS35	441, 7622469	371, 8403738	304, 2248284	symplectin-like 5
KYNG	420, 8523931	182, 1885786	238, 6647145	kyureninase (L-kyurenine hydrolase)
SLC16A6	407, 4159044	315, 8163678	91, 59952662	solute carrier family 16, member 6 (monocarboxylic acid transporter 7)
APOE	357, 4991884	105, 5807107	251, 0184778	apolipoprotein E
THSD	347, 7592226	34, 12473279	313, 8344898	thrombospondin
STTL5	320, 0335913	15, 8097696	304, 2248284	symplectin-like 5
CHI3L1	299, 4142542	280, 1989748	39, 21527948	chitinase 3-like 1 (cartilage glycoprotein-39)
ABCA13	290, 3969665	271, 9782856	18, 41868089	ATP-binding cassette, sub-family A (ABC1), member 13
ANGPTL4	284, 3113469	11, 53113972	272, 7802072	angiopoietin-like 4
PTGS2	273, 0706903	201, 4865123	71, 58417805	prostaglandin-endoperoxide synthase 2 (cyclooxygenase 2)
STC1	255, 0878156	29, 28287475	225, 8049409	stanniocalcin 1
CCDC102B	253, 1860755	37, 22467468	215, 9714008	coiled-coil domain containing 102B

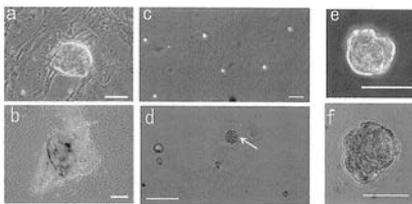
【 図 3 】

Gene Symbol	Total	D24 EB/ES	NHDF EB/ES	Gene Title
MMP1	36528, 90821	6836, 563387	29692, 34482	matrix metalloproteinase 1 (interstitial collagenase)
EREG	19813, 4402	18961, 45781	851, 9823837	epiregulin
CHI3L1	8641, 34444	8842, 305483	799, 038957	chitinase 3-like 1 (cartilage glycoprotein-39)
---	7940, 341316	7298, 64809	641, 8932288	transferrin receptor 1
CHI3L1	5714, 38927	5365, 877946	328, 4812911	chitinase 3-like 1 (cartilage glycoprotein-39)
SRGN	4655, 28423	4636, 821662	18, 46256778	serglycin
---	4397, 855874	3959, 205654	438, 6502206	BRNA full length insert cDNA clone EUROIMAGE 1913076
RIN2	3611, 379317	859, 912609	2751, 4660556	Ras and Rab interactor 2
LUM	3396, 245648	1797, 978375	1588, 269272	lumican
CLCA2	3331, 259662	747, 5657674	2583, 693695	CLCA family member 2, chloride channel regulator
IL8	3143, 388365	2638, 045747	505, 3436182	interleukin 8
LLOC401097	3012, 483659	1880, 366679	1152, 1191815	Similar to LOC186075
DPT	2907, 405266	56, 39203934	2751, 013226	dermatopontin
ELTD1	2658, 65006	1751, 976082	906, 6739784	EGF, latrophilin and seven transmembrane domain containing 1
IGFBP1	2423, 035758	2405, 299772	17, 7360356	insulin-like growth factor binding protein 1
SLC16A4	2305, 561138	1826, 823338	478, 7378001	solute carrier family 16, member 4 (monocarboxylic acid transporter 5)
SRGN	2293, 730946	2278, 537455	14, 19349126	serglycin
GREM2	2053, 928699	159, 813291	1894, 115408	gremlin 2, cysteine knot superfamily, homolog (Xenopus laevis)
IGFBP5	1960, 755393	1915, 425977	45, 3294163	insulin-like growth factor binding protein 5
SURDL	1918, 477233	1217, 387684	701, 0895492	sulfide quinone reductase-like (yeast)

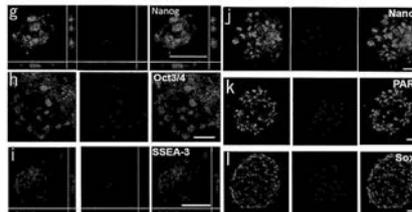
【 図 6 】



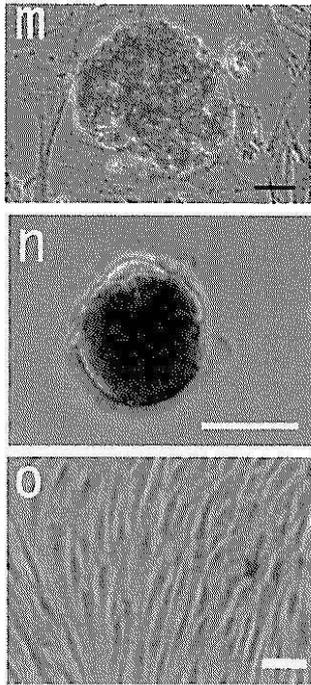
【 図 7 - 1 】



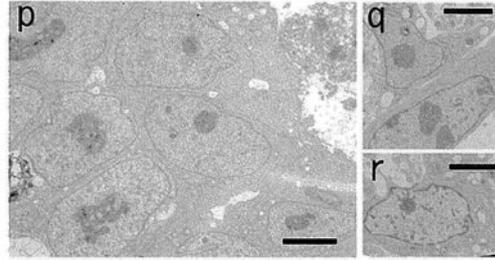
【 図 7 - 2 】



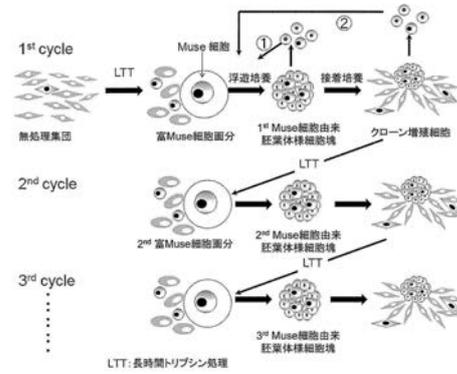
【 図 7 - 3 】



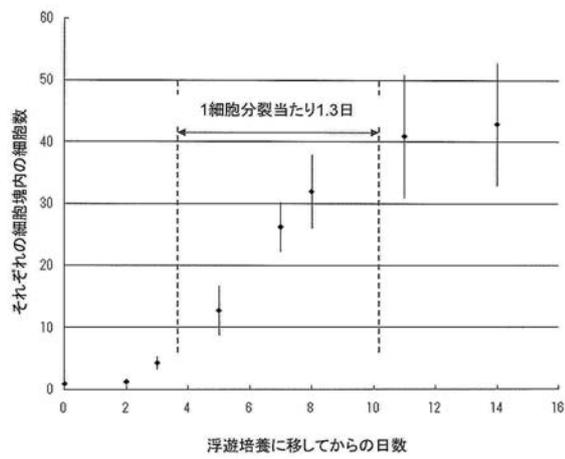
【 図 7 - 4 】



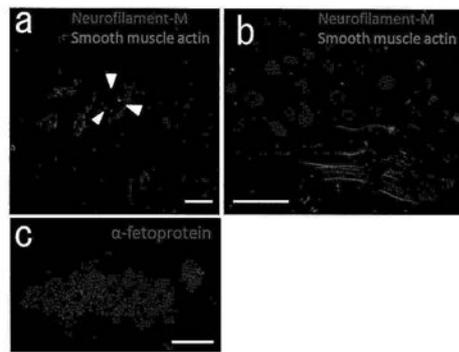
【 図 8 - 1 】



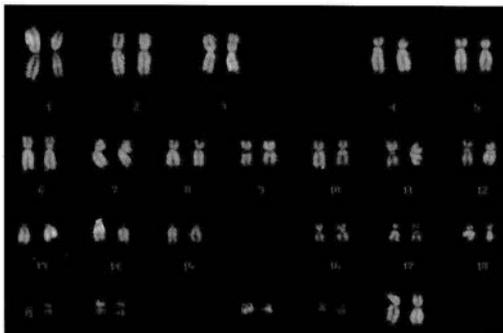
【 図 8 - 2 】



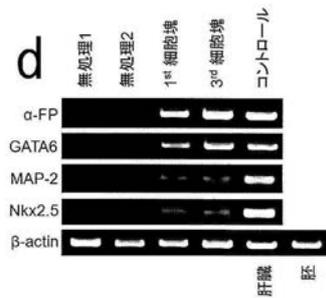
【 図 9 - 1 】



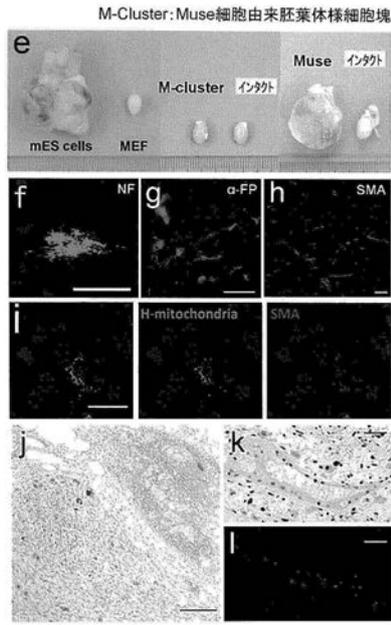
【 図 8 - 3 】



【 図 9 - 2 】



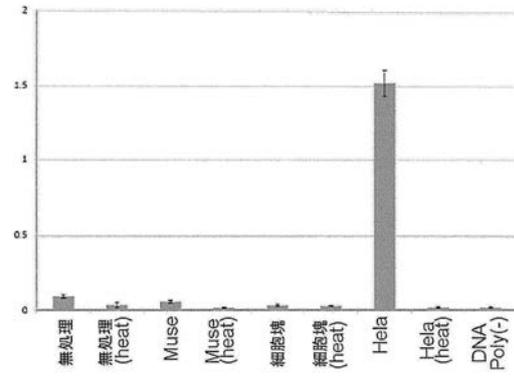
【 図 9 - 3 】



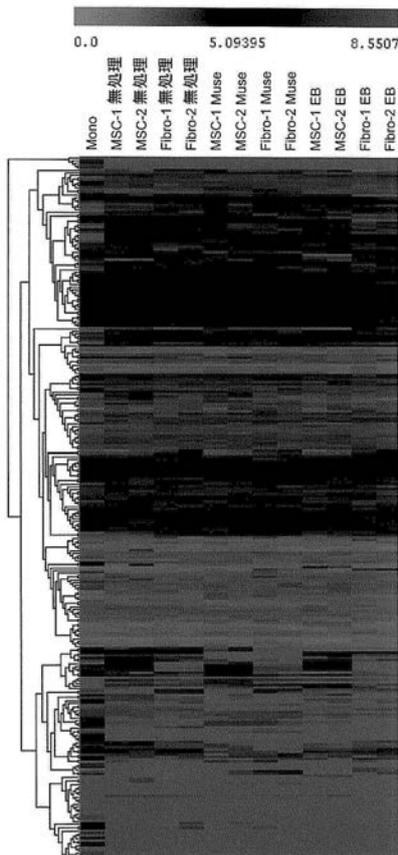
【 図 1 0 a 】

シンボルの名称	Muse/無処理				細胞塊/無処理			
	Fibro1	Fibro2	MSC-1	MSC-2	Fibro1	Fibro2	MSC-1	MSC-2
SOX2	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN3	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN4	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN5	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN6	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN7	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN8	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN9	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN10	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN11	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN12	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN13	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN14	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN15	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN16	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN17	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN18	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN19	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN20	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN21	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN22	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN23	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN24	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN25	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN26	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN27	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN28	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN29	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN30	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN31	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN32	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN33	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN34	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN35	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN36	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN37	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN38	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN39	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN40	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN41	+	+	+	+	+	+	+	+
OPN42	+	+	+	+	+	+	+	+

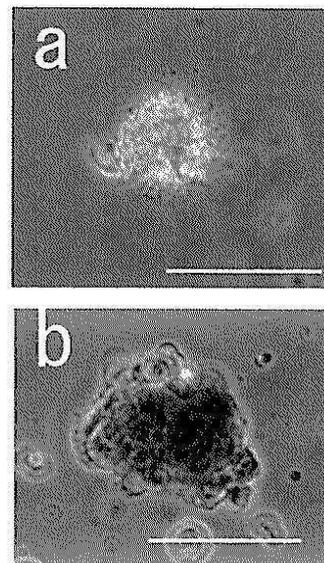
【 図 1 0 b 】



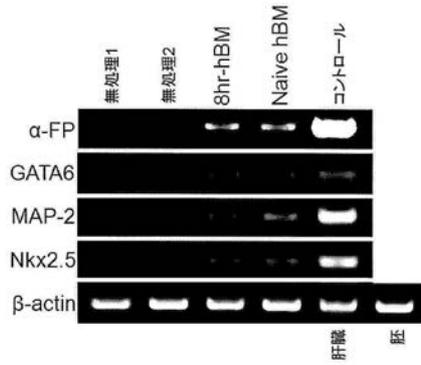
【 図 1 1 】



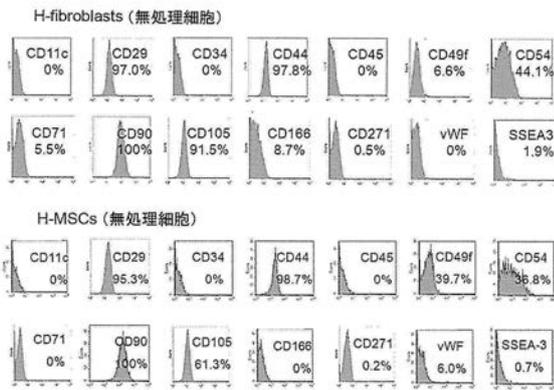
【 図 1 2 】



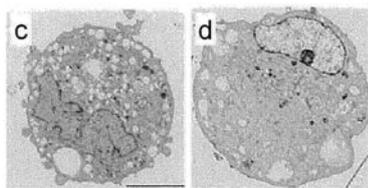
【 図 1 3 】



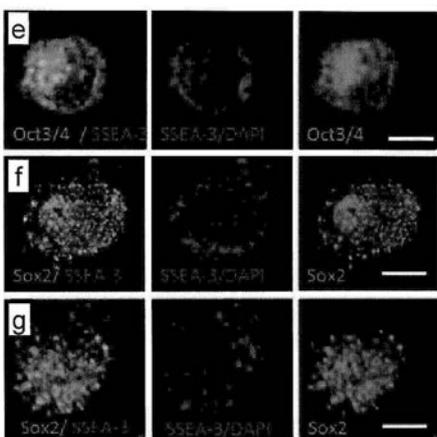
【 図 1 4 】



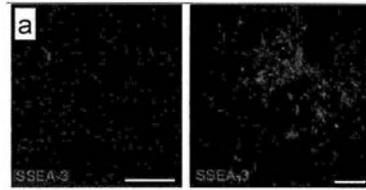
【 図 1 5 - 3 】



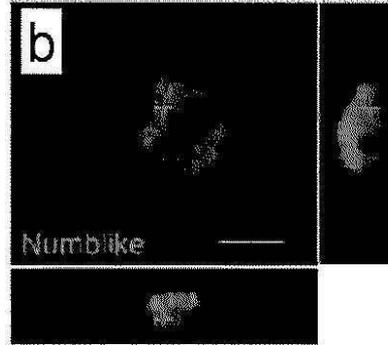
【 図 1 5 - 4 】



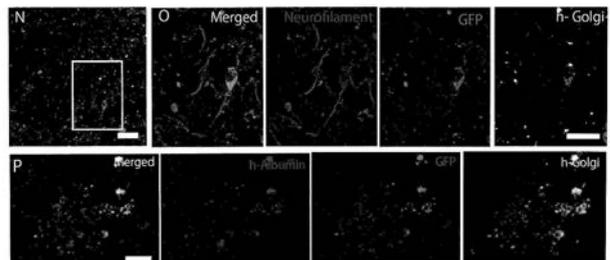
【 図 1 5 - 1 】



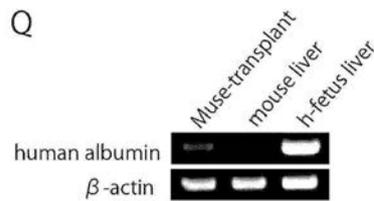
【 図 1 5 - 2 】



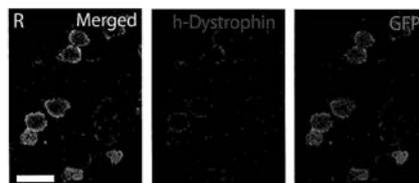
【 図 1 6 - 1 】



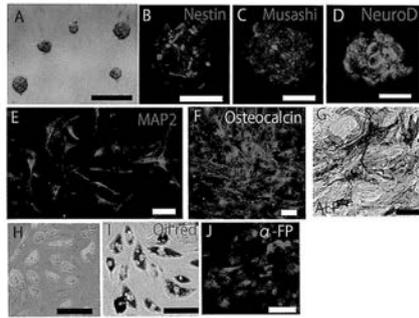
【 図 1 6 - 2 】



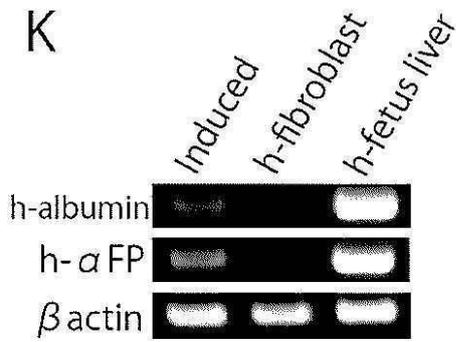
【 図 1 6 - 3 】



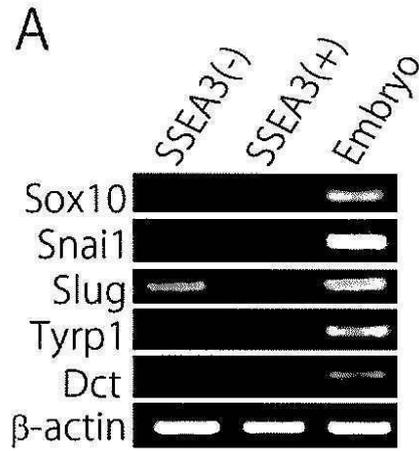
【 図 17 - 1 】



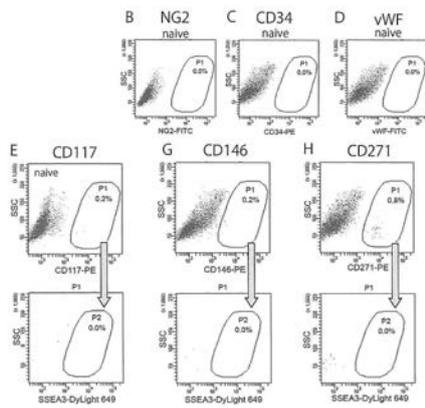
【 図 17 - 2 】



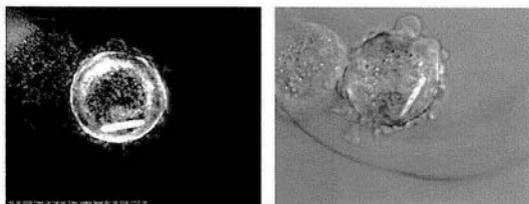
【 図 18 - 1 】



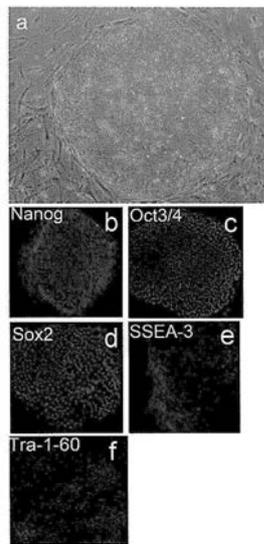
【 図 18 - 2 】



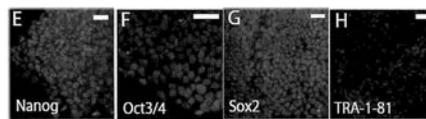
【 図 18 - 3 】



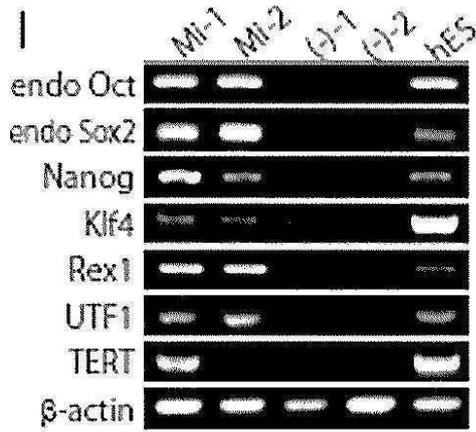
【 図 19 】



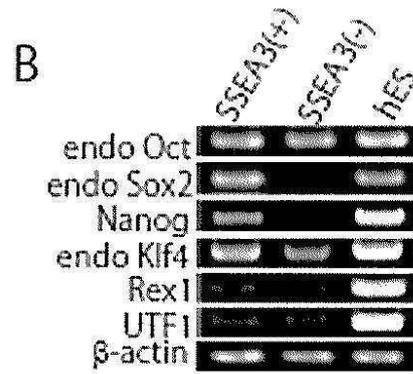
【 図 20 】



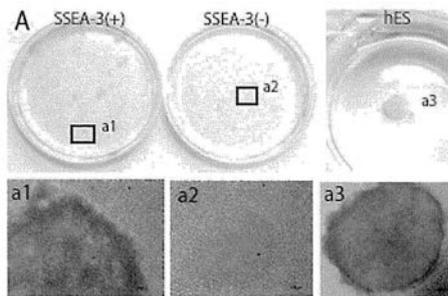
【 図 2 1 】



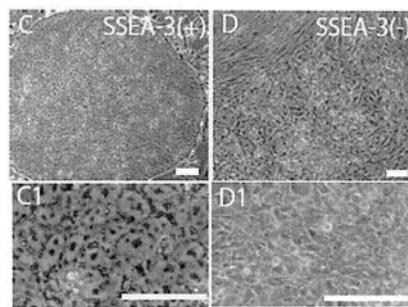
【 図 2 2 - 2 】



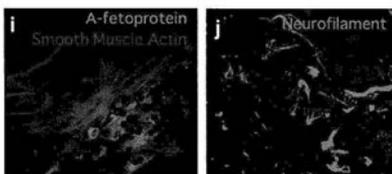
【 図 2 2 - 1 】



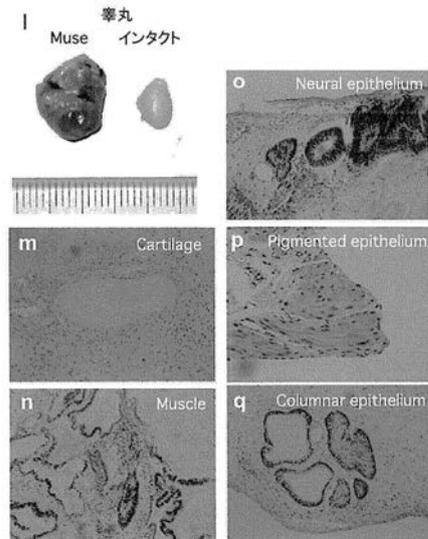
【 図 2 2 - 3 】



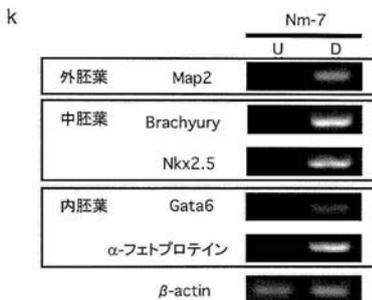
【 図 2 3 - 1 】



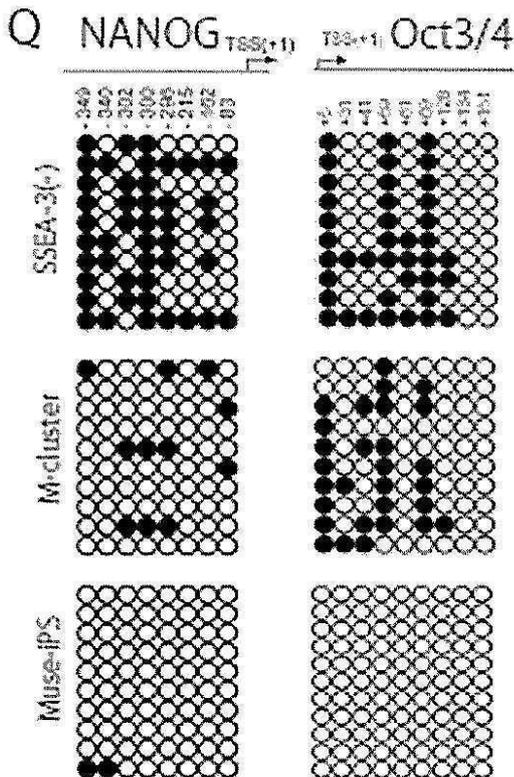
【 図 2 3 - 3 】



【 図 2 3 - 2 】



【図 2 4】



【図 2 5】

Symbol	Description	Cluster	PS	PS
ARL1	Ce1f1 integrator 1, receptor tyrosine kinase			1.2E-09
ANAPC1	Anaphase promoting complex subunit 2			8.4E-01
ANAPC4	Anaphase promoting complex subunit 4			5.8E-01
ATM	Ataxia telangiectasia mutated			1.1E-08
A18	Ataxia telangiectasia and Rad3-related			7.9E-01
BRCAL	Breast cancer 1, early onset			1.3E-07
CCNB1	Cyclin B1			6.9E-07
CCNB2	Cyclin B2			6.4E-07
CCNB3	Cyclin B3			3.2E-07
CCND1	Cyclin D1			3.7E-07
CCND2	Cyclin D2			3.7E-07
CCNE1	Cyclin E1			1.8E-07
CCNE2	Cyclin E2			1.1E-07
CCNE3	Cyclin E3			4.1E-07
CCNF	Cyclin F			1.1E-07
CCNG1	Cyclin G1			4.1E-07
CCNG2	Cyclin G2			1.1E-07
CCNH1	Cyclin H			6.4E-07
CCNT1	Cyclin T1			5.8E-01
CCNT2	Cyclin T2			4.8E-01
CDK16	Cell division cycle 16 homolog (S. cerevisiae)			3.2E-07
CDK2	Cell division cycle 2, 21 kD and G2 M phase			6.4E-07
CDK3	Cell division cycle 3B homolog (S. cerevisiae)			3.2E-07
CDK4	Cell division cycle 4 homolog (S. cerevisiae)			4.7E-01
CDK5	Cyclin-dependent kinase 5			3.8E-07
CDK6	Cyclin-dependent kinase 6			4.4E-07
CDK7	Cyclin-dependent kinase 7, regulatory subunit 1 (p30)			3.2E-07
CDK8A2	CDK1 regulatory subunit associated protein 1			3.2E-07
CDK9	Cyclin-dependent kinase 9			1.7E-01
CDK9	Cyclin-dependent kinase 9			3.8E-01
CDK9	Cyclin-dependent kinase 9			4.7E-01
CDKN1A	Cyclin-dependent kinase inhibitor 1A (p21, Cip1)			1.8E-07
CDKN1B	Cyclin-dependent kinase inhibitor 1B (p27, Cip2)			8.3E-01
CDKN2A	Cyclin-dependent kinase inhibitor 2A, transmembrane, p16, inhibits CDK4			3.7E-07
CDKN2D	Cyclin-dependent kinase inhibitor 2D (p15, inhibits CDK4)			7.9E-07
CDKN3	Cyclin-dependent kinase inhibitor 3 (CDK2-associated dual specificity phosphatase)			1.8E-07
CHK1	CHK1 checkpoint homolog (S. pombe)			1.7E-07
CHK2	CHK2 checkpoint homolog (S. pombe)			1.7E-07
CLL1	Clon1			4.2E-01
CTF1	CTF transcription factor 4, p107/p130-binding			4.8E-01
GADD45A	Growth arrest and DNA-damage-inducible, alpha			5.1E-07
MAD2L1	MAD2 mitotic arrest-defective 1 (cyclin)			6.4E-07
MAD2L2	MAD2 mitotic arrest-defective 2 (cyclin)			8.3E-07
MCM2	Minichromosome maintenance complex component 2			6.4E-07
MCM3	Minichromosome maintenance complex component 3			5.7E-07
MCM4	Minichromosome maintenance complex component 4			2.2E-07
MCM5	Minichromosome maintenance complex component 5			3.4E-07
MNAT1	Mnase 1, mitosis 1, cyclin H assembly factor (Xenopus laevis)			4.8E-01
MDM1A	MDM1 protein, chromosome 11 homolog A (S. cerevisiae)			1.7E-01
PCNA	Proliferating cell nuclear antigen			2.8E-01
RAD51	RAD51 homolog (DNA homolog, E. coli) (S. cerevisiae)			7.8E-07
REP1	Replication fork-associated protein 1			4.8E-07
REP2	Replication fork-associated protein 2			1.8E-07
REP3	Replication fork-associated protein 3			5.2E-07
REP4	Replication fork-associated protein 4			5.2E-07
REP5	Replication fork-associated protein 5			1.2E-07
REP6	Replication fork-associated protein 6			1.2E-07
REP7	Replication fork-associated protein 7			1.2E-07
REP8	Replication fork-associated protein 8			1.2E-07
REP9	Replication fork-associated protein 9			1.2E-07
REP10	Replication fork-associated protein 10			1.2E-07
REP11	Replication fork-associated protein 11			1.2E-07
REP12	Replication fork-associated protein 12			1.2E-07
REP13	Replication fork-associated protein 13			1.2E-07
REP14	Replication fork-associated protein 14			1.2E-07
REP15	Replication fork-associated protein 15			1.2E-07
REP16	Replication fork-associated protein 16			1.2E-07
REP17	Replication fork-associated protein 17			1.2E-07
REP18	Replication fork-associated protein 18			1.2E-07
REP19	Replication fork-associated protein 19			1.2E-07
REP20	Replication fork-associated protein 20			1.2E-07
REP21	Replication fork-associated protein 21			1.2E-07
REP22	Replication fork-associated protein 22			1.2E-07
REP23	Replication fork-associated protein 23			1.2E-07
REP24	Replication fork-associated protein 24			1.2E-07
REP25	Replication fork-associated protein 25			1.2E-07
REP26	Replication fork-associated protein 26			1.2E-07
REP27	Replication fork-associated protein 27			1.2E-07
REP28	Replication fork-associated protein 28			1.2E-07
REP29	Replication fork-associated protein 29			1.2E-07
REP30	Replication fork-associated protein 30			1.2E-07
REP31	Replication fork-associated protein 31			1.2E-07
REP32	Replication fork-associated protein 32			1.2E-07
REP33	Replication fork-associated protein 33			1.2E-07
REP34	Replication fork-associated protein 34			1.2E-07
REP35	Replication fork-associated protein 35			1.2E-07
REP36	Replication fork-associated protein 36			1.2E-07
REP37	Replication fork-associated protein 37			1.2E-07
REP38	Replication fork-associated protein 38			1.2E-07
REP39	Replication fork-associated protein 39			1.2E-07
REP40	Replication fork-associated protein 40			1.2E-07
REP41	Replication fork-associated protein 41			1.2E-07
REP42	Replication fork-associated protein 42			1.2E-07
REP43	Replication fork-associated protein 43			1.2E-07
REP44	Replication fork-associated protein 44			1.2E-07
REP45	Replication fork-associated protein 45			1.2E-07
REP46	Replication fork-associated protein 46			1.2E-07
REP47	Replication fork-associated protein 47			1.2E-07
REP48	Replication fork-associated protein 48			1.2E-07
REP49	Replication fork-associated protein 49			1.2E-07
REP50	Replication fork-associated protein 50			1.2E-07
REP51	Replication fork-associated protein 51			1.2E-07
REP52	Replication fork-associated protein 52			1.2E-07
REP53	Replication fork-associated protein 53			1.2E-07
REP54	Replication fork-associated protein 54			1.2E-07
REP55	Replication fork-associated protein 55			1.2E-07
REP56	Replication fork-associated protein 56			1.2E-07
REP57	Replication fork-associated protein 57			1.2E-07
REP58	Replication fork-associated protein 58			1.2E-07
REP59	Replication fork-associated protein 59			1.2E-07
REP60	Replication fork-associated protein 60			1.2E-07
REP61	Replication fork-associated protein 61			1.2E-07
REP62	Replication fork-associated protein 62			1.2E-07
REP63	Replication fork-associated protein 63			1.2E-07
REP64	Replication fork-associated protein 64			1.2E-07
REP65	Replication fork-associated protein 65			1.2E-07
REP66	Replication fork-associated protein 66			1.2E-07
REP67	Replication fork-associated protein 67			1.2E-07
REP68	Replication fork-associated protein 68			1.2E-07
REP69	Replication fork-associated protein 69			1.2E-07
REP70	Replication fork-associated protein 70			1.2E-07
REP71	Replication fork-associated protein 71			1.2E-07
REP72	Replication fork-associated protein 72			1.2E-07
REP73	Replication fork-associated protein 73			1.2E-07
REP74	Replication fork-associated protein 74			1.2E-07
REP75	Replication fork-associated protein 75			1.2E-07
REP76	Replication fork-associated protein 76			1.2E-07
REP77	Replication fork-associated protein 77			1.2E-07
REP78	Replication fork-associated protein 78			1.2E-07
REP79	Replication fork-associated protein 79			1.2E-07
REP80	Replication fork-associated protein 80			1.2E-07
REP81	Replication fork-associated protein 81			1.2E-07
REP82	Replication fork-associated protein 82			1.2E-07
REP83	Replication fork-associated protein 83			1.2E-07
REP84	Replication fork-associated protein 84			1.2E-07
REP85	Replication fork-associated protein 85			1.2E-07
REP86	Replication fork-associated protein 86			1.2E-07
REP87	Replication fork-associated protein 87			1.2E-07
REP88	Replication fork-associated protein 88			1.2E-07
REP89	Replication fork-associated protein 89			1.2E-07
REP90	Replication fork-associated protein 90			1.2E-07
REP91	Replication fork-associated protein 91			1.2E-07
REP92	Replication fork-associated protein 92			1.2E-07
REP93	Replication fork-associated protein 93			1.2E-07
REP94	Replication fork-associated protein 94			1.2E-07
REP95	Replication fork-associated protein 95			1.2E-07
REP96	Replication fork-associated protein 96			1.2E-07
REP97	Replication fork-associated protein 97			1.2E-07
REP98	Replication fork-associated protein 98			1.2E-07
REP99	Replication fork-associated protein 99			1.2E-07
REP100	Replication fork-associated protein 100			1.2E-07

【図 2 6】

Symbol	Description	Cluster	PS	PS
ACTG1	ACT-binding protein, sub-family A (ACT1), member 18			1.4E-01
ALPL	Alkaline phosphatase, liver/bone/kidney			2.9E-07
ATXN1	Ataxin-1, cerebellar ataxia type 1 (ataxia telangiectasia 1, cerebellar)			1.3E-01
BAFN1	Bone morphogenetic protein 4			1.4E-01
BMX1A	Bone morphogenetic protein receptor, type IA			6.4E-01
CSF1	Chemokine binding 2			1.3E-07
CTBP1	CTBP, POU, RNA polymerase II complex component, binding (S. cerevisiae)			6.3E-01
DAL1	Dalmin A transcription factor			3.8E-07
DCDC4	DCDC4 (Dap-Chc-Apo) box polypeptide 4			1.8E-01
DNMT1	DNA (cytosine-5-methyltransferase 1)			2.1E-07
DNMT3B	DNA (cytosine-5-methyltransferase 3, beta)			6.3E-07
DNMT3A	Developmental pluripotency associated 3			1.4E-07
DNMT3L	Developmental pluripotency associated 4			1.1E-07
DNMT3C	Developmental pluripotency associated 4			1.1E-07
EPC1	Enhancer of polycomb homolog 1 (Drosophila)			6.3E-01
EGAK	E2f cell response factor			1.1E-07
ETP1	E2f1 receptor			2.9E-07
FOXP1	Foxp1 transcription factor receptor 1 (class-restricted tyrosine kinase 2, Fliedlin syndrome)			5.8E-01
FOXP3	Foxp3 transcription factor 3			4.3E-07
FOXP4	Foxp4 transcription factor 4			6.8E-07
FOXP5	Foxp5 transcription factor 5			1.3E-07
FOXP6	Foxp6 transcription factor 6			1.4E-07
FOXP7	Foxp7 transcription factor 7			1.4E-07
FOXP8	Foxp8 transcription factor 8			1.4E-07
FOXP9	Foxp9 transcription factor 9			1.4E-07
FOXP10	Foxp10 transcription factor 10			1.4E-07
FOXP11	Foxp11 transcription factor 11			1.4E-07
FOXP12	Foxp12 transcription factor 12			1.4E-07
FOXP13	Foxp13 transcription factor 13			1.4E-07
FOXP14	Foxp14 transcription factor 14			1.4E-07
FOXP15	Foxp15 transcription factor 15			1.4E-07
FOXP16	Foxp16 transcription factor 16			1.4E-07
FOXP17	Foxp17 transcription factor 17			1.4E-07
FOXP18	Foxp18 transcription factor 18			1.4E-07
FOXP19	Foxp19 transcription factor 19			1.4E-07
FOXP20	Foxp20 transcription factor 20			1.4E-07
FOXP21	Foxp21 transcription factor 21			1.4E-07
FOXP22	Foxp22 transcription factor 22			1.4E-07
FOXP23	Foxp23 transcription factor 23			1.4E-07
FOXP24	Foxp24 transcription factor 24			1.4E-07
FOXP25	Foxp25 transcription factor 25			1.4E-07
FOXP26	Foxp26 transcription factor 26			1.4E-07
FOXP27	Foxp27 transcription factor 27			1.4E-07
FOXP28	Foxp28 transcription factor 28			1.4E-07
FOXP29	Foxp29 transcription factor 29			1.4E-07
FOXP30	Foxp30 transcription factor 30			1.4E-07
FOXP31	Foxp31 transcription factor 31			1.4E-07
FOXP32	Foxp32 transcription factor 32			1.4E-07
FOXP33	Foxp33 transcription factor 33			1.4E-07
FOXP34	Foxp34 transcription factor 34			1.4E-07
FOXP35	Foxp35 transcription factor 35			1.4E-07
FOXP36	Foxp36 transcription factor 36			1.4E-07
FOXP37	Foxp37 transcription factor 37			1.4E-07
FOXP38	Foxp38 transcription factor 38			1.4E-07
FOXP39	Foxp39 transcription factor 39			1.4E-07
FOXP40	Foxp40 transcription factor 40			1.4E-07
FOXP41	Foxp41 transcription factor 41			1.4E-07
FOXP42	Foxp42 transcription factor 42			1.4E-07
FOXP43	Foxp43 transcription factor 43			1.4E-07
FOXP44	Foxp44 transcription factor 44			1.4E-07
FOXP45	Foxp45 transcription factor 45			1.4E-07
FOXP46	Foxp46 transcription factor 46			1.4E-07
FOXP47	Foxp47 transcription factor 47			1.4E-07
FOXP48	Foxp48 transcription factor 48			1.4E-07
FOXP49	Foxp49 transcription factor 49			1.4E-07
FOXP50	Foxp50 transcription factor 50			1.4E-07
FOXP51	Foxp51 transcription factor 51			1.4E-07
FOXP52	Foxp52 transcription factor 52			1.4E-07
FOXP53	Foxp53 transcription factor 53			1.4E-07
FOXP54	Foxp54 transcription factor 54			1.4E-07
FOXP55	Foxp55 transcription factor 55			1.4E-07
FOXP56	Foxp56 transcription factor 56			1.4E-07
FOXP57	Foxp57 transcription factor 57			1.4E-07
FOXP58	Foxp58 transcription factor 58			1.4E-07
FOXP59	Foxp59 transcription factor 59			1.4E-07
FOXP60	Foxp60 transcription factor 60			1.4E-07
FOXP61	Foxp61 transcription factor 61			1.4E-07
FOXP62	Foxp62 transcription factor 62			1.4E-07
FOXP63	Foxp63 transcription factor 63			1.4E-07
FOXP64	Foxp64 transcription factor 64			1.4E-07
FOXP65	Foxp65 transcription factor 65			1.4E-07
FOXP66	Foxp66 transcription factor 66			1.4E-07
FOXP67	Foxp67 transcription factor 67			1.4E-07
FOXP68	Foxp68 transcription factor 68			1.4E-07
FOXP69	Foxp69 transcription factor 69			1.4E-07
FOXP70	Foxp70 transcription factor 70			1.4E-07
FOXP71	Foxp71 transcription factor 71			1.4E-07
FOXP72	Foxp72 transcription factor 72			1.4E-07
FOXP73	Foxp73 transcription factor 73			1.4E-07
FOXP74	Foxp74 transcription factor 74			1.4E-07
FOXP75	Foxp75 transcription factor 75			1.4E-07
FOXP76	Foxp76 transcription factor 76			1.4E-07
FOXP77	Foxp77 transcription factor 77			1.4E-07
FOXP78	Foxp78 transcription factor 78			1.4E-07
FOXP79	Foxp79 transcription factor 79			1.4E-07
FOXP80	Foxp80 transcription factor 80			1.4E-07
FOXP81	Foxp81 transcription factor 81			1.4E-07
FOXP82	Foxp82 transcription factor 82			1.4E-07
FOXP83	Foxp83 transcription factor 83			1.4E-07
FOXP84	Foxp84 transcription factor 84			1.4E-07
FOXP85	Foxp85			

フロントページの続き

(51)Int.Cl.		F I		テーマコード(参考)
A 6 1 P	1/18 (2006.01)	A 6 1 P	1/18	
A 6 1 P	1/00 (2006.01)	A 6 1 P	1/00	
A 6 1 P	7/00 (2006.01)	A 6 1 P	7/00	
A 6 1 P	9/00 (2006.01)	A 6 1 P	9/00	
A 6 1 P	27/02 (2006.01)	A 6 1 P	27/02	
A 6 1 P	37/02 (2006.01)	A 6 1 P	37/02	
A 6 1 P	17/00 (2006.01)	A 6 1 P	17/00	
A 6 1 P	19/00 (2006.01)	A 6 1 P	19/00	
A 6 1 P	15/00 (2006.01)	A 6 1 P	15/00	
A 6 1 P	11/00 (2006.01)	A 6 1 P	11/00	
A 6 1 P	13/12 (2006.01)	A 6 1 P	13/12	
A 6 1 P	13/00 (2006.01)	A 6 1 P	13/00	
A 6 1 P	15/02 (2006.01)	A 6 1 P	15/02	
A 6 1 P	21/00 (2006.01)	A 6 1 P	21/00	
A 6 1 P	25/02 (2006.01)	A 6 1 P	25/02	
A 6 1 P	25/00 (2006.01)	A 6 1 P	25/00	
A 6 1 P	43/00 (2006.01)	A 6 1 P	43/00	1 0 1
A 6 1 P	1/02 (2006.01)	A 6 1 P	1/02	

(71)出願人 512026581

北田 容章

埼玉県所沢市久米 5 3 4 - 3

(74)代理人 100091096

弁理士 平木 祐輔

(74)代理人 100118773

弁理士 藤田 節

(74)代理人 100111741

弁理士 田中 夏夫

(72)発明者 出澤 真理

宮城県仙台市宮城野区原町 1 丁目 3 - 6 6 - 1 3 0 5

(72)発明者 藤吉 好則

京都府宇治市宇治塔川 1 1 5 - 3 1

(72)発明者 鍋島 陽一

京都府京都市中京区東洞院通三条下る三文字町 2 0 5 - 3 - 1 3 0 2

(72)発明者 若尾 昌平

宮城県仙台市青葉区木町通 1 - 3 - 7 - 3 1 2

F ターム(参考) 4B065 AA93X BA25 CA44

4C087 AA01 AA02 AA03 BB44 BB57 BB65 CA12 NA14 ZA02 ZA20

ZA31 ZA33 ZA36 ZA66 ZA67 ZA75 ZA81 ZA89 ZA94 ZA96

ZB07